


การตรวจสอบการปะปนของผลิตภัณฑ์อาหารดัดแปรพันธุกรรมในผลิตภัณฑ์อาหารที่มีถั่วเหลืองเป็นองค์ประกอบ  
: ภาวะของกระบวนการแปรรูปต่อความสามารถในการตรวจสอบ



นางสาวสุนีย์ ลิ้มศรีวานิชยกร

ศูนย์วิทยทรัพยากร

จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต

สาขาวิชาเทคโนโลยีชีวภาพ หลักสูตรเทคโนโลยีชีวภาพ


คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ปีการศึกษา 2545

ISBN 974-17-3163-9

ลิขสิทธิ์ของจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

DETECTION OF THE MINGLING OF THE GENETICALLY MODIFIED FOOD AND THEIR PRODUCTS  
IN FOOD DERIVED FROM SOY BEAN: THE PROCESSING CONDITIONS ON DETECTION ABILITIES



MISS SUNEELIMSRIVANICHAKORN

ศูนย์วิทยทรัพยากร

A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements  
for the Degree of Master of Science in Biotechnology

Program of Biotechnology

Faculty of Science

Chulalongkorn University

Academic Year 2002

ISBN 974-17-3163-9

สุนีย์ ลี้มศรีวานิชขจร : การตรวจสอบการปะปนของผลิตภัณฑ์อาหารดัดแปรพันธุกรรม  
ในผลิตภัณฑ์อาหารที่มีถั่วเหลืองเป็นองค์ประกอบ: ภาวะของกระบวนการแปรรูปต่อ  
ความสามารถในการตรวจสอบ. (DETECTION OF THE MINGLING OF THE  
GENETICALLY MODIFIED FOOD AND THEIR PRODUCTS IN FOOD DERIVED  
FROM SOY BEAN: THE PROCESSING CONDITIONS ON DETECTION  
ABILITIES) อ. ที่ปรึกษา : อาจารย์ ดร.ปิยะศักดิ์ ชุ่มพฤษ. 96 หน้า. ISBN 974-17-  
3163-9.

ในขั้นตอนการผลิต กระบวนการแปรรูปนอกจากเป็นขั้นตอนที่มีผลต่อเนื้ออาหาร รสชาติ  
กลิ่น และคุณค่าทางอาหารแล้ว ภาวะต่างๆ ในกระบวนการแปรรูปยังมีผลต่อโมเลกุลที่เป็น  
องค์ประกอบในอาหารโดยเฉพาะดีเอ็นเอ ซึ่งในปัจจุบันนิยมใช้เป็นโมเลกุลอ้างอิงในการทดสอบ  
อาหารในหลายกรณีรวมถึงการตรวจสอบ GMOs ดังนั้นเพื่อการศึกษาอิทธิพลของภาวะในการ  
ผลิตต่อโมเลกุลและประสิทธิภาพการทดสอบอาหารบนพื้นฐานของเทคนิค PCR จึงพัฒนาระบบ  
ทดสอบที่สามารถตรวจความแตกต่างของขนาดดีเอ็นเอแม่แบบ 119, 327 และ 826 นิวคลีโอไทด์  
เพื่อตรวจภาวะการสลายตัวของดีเอ็นเอในเนื้ออาหาร และเมื่อนำระบบไปทดสอบที่ภาวะต่างๆ  
ในขณะแปรรูปอาหารที่มีถั่วเหลืองเป็นองค์ประกอบ เน้นภาวะความร้อน ความดัน และการหมัก  
ต่อความสามารถในการตรวจสอบดีเอ็นเอจากตัวอย่างอาหาร พบว่าการให้ความร้อนทั้งในรูปการ  
อบแห้ง การนึ่ง ความดัน และการต้ม นานมถั่วเหลืองเป็นระยะเวลาสั้น ทำให้ดีเอ็นเอในเนื้อ  
อาหารมีขนาดที่ลดลงจนไม่สามารถตรวจสอบได้โดยเทคนิค PCR โดยอุณหภูมิและเวลาวิกฤตที่  
ทำให้ดีเอ็นเอมีขนาดลดลงต่ำกว่า 119, 327 และ 826 นิวคลีโอไทด์ ในกรณีของการอบแห้งอยู่ที่  
สูงกว่า 220, 210 และ 200 องศาเซลเซียสตามลำดับแม้จะอบเพียง 5 นาที การนึ่งความดันเวลา  
วิกฤตอยู่ที่สูงกว่า 60, 15 และ 10 นาทีตามลำดับ และการต้ม นานมถั่วเหลืองเป็นระยะเวลาสั้น  
เวลาวิกฤตอยู่ที่สูงกว่า 15, 5 และ 2 ชั่วโมงตามลำดับ ขณะที่กระบวนการหมักพบว่ามีผลต่อดี  
เอ็นเอที่สกัดได้เช่นเดียวกันโดยทำให้ดีเอ็นเอมีขนาดลดลง แม้ภายใน 7 วันสามารถทำให้ดีเอ็นเอ  
มีขนาดต่ำกว่า 327 นิวคลีโอไทด์ ผลที่ได้เป็นพื้นฐานในการพัฒนาวิธีการตรวจสอบและวิธีการ  
แปรรูปอาหารต่อไป

หลักสูตร ..... เทคโนโลยีชีวภาพ .....ลายมือชื่อนิสิต..... สุนีย์ ลี้มศรีวานิชขจร.....  
สาขาวิชา ..... เทคโนโลยีชีวภาพ .....ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา.....  
ปีการศึกษา 2545 .....ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....



# # 4372456823 : MAJOR BIOTECHNOLOGY

KEY WORD: PCR / SOY BEAN / PROCESSING CONDITIONS / NUCLEOTIDES / GMOs

SUNEE LIMSRIVANICHAKORN : DETECTION OF THE MINGLING OF THE GENETICALLY MODIFIED FOOD AND THEIR PRODUCTS IN FOOD DERIVED FROM SOY BEAN: THE PROCESSING CONDITIONS ON DETECTION ABILITIES. THESIS ADVISOR : PIYASAK CHAUMPLUK, Ph.D., 96 pp. ISBN 974-17-3163-9.

The processing conditions during food production not only affect texture, smell and taste, and nutritional values but also damage the macromolecules especially DNA found in most food ingredients. DNA molecule has been recently used as a reference molecule for food testing in several testing categories including the determination of GMOs in foods. Thus, to address the influence of processing conditions on DNA testing quality, the system for DNA detection that specific binding and checking DNA template at fixed size from 119 to 327 to 826 nucleotides, respectively, was developed and used to test on various soybean food processing conditions. It was found that heat treatments of both dry heat or heat under sterilization or a long period of simmering damaged DNA molecule by decreasing its length down to level undetectable by PCR technique. The critical temperature which damaged DNA to the size below 119, 327 and 826 nucleotides for dry heat at 5 minutes was found at above 220, 210 and 200°C, respectively. For standard heat sterilization, critical time was found at time longer than 60, 15 and 10 minutes respectively, and for long time simmering, critical time was found at time longer than 15, 5 and 2 hours, respectively. Fermentation effect was also in consistence with heat effect and sterilization treatment in that critical time for DNA degradation to below 327 nucleotide was within 7 days. Results constitute a basis for PCR detection of foods containing GMOs materials as well as a basis for processing food.

Program: Biotechnology Student's signature: สุวีชัย ลิ้มศรีวานิชชากอร์น  
Field of study: Biotechnology Advisor's signature: Piyasak Chaumpluk  
Academic year: 2002 Co-advisor's signature:

## กิตติกรรมประกาศ

วิทยานิพนธ์ฉบับนี้สำเร็จลุล่วงอย่างสมบูรณ์ด้วยความกรุณาช่วยเหลือเป็นอย่างดีจากอาจารย์ ดร.ปิยะศักดิ์ ชุ่มพฤษ์ อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ รองศาสตราจารย์ นันทนา อังกินันท์ ประธานกรรมการสอบวิทยานิพนธ์ ผู้ช่วยศาสตราจารย์ เตือนใจ ใ้สกุล อาจารย์ ดร.สุพัฒน์ เจริญพรวัฒนา คณะกรรมการสอบวิทยานิพนธ์ ที่ได้ให้คำปรึกษา แนะนำ ข้อคิดเห็นต่างๆ และตรวจแก้ไขในการทำวิทยานิพนธ์ครั้งนี้

ขอขอบคุณบัณฑิตวิทยาลัยที่ให้ทุนการศึกษาและทุนสนับสนุนการวิจัย

ขอขอบคุณภาควิชาวิทยาศาสตร์ทางทะเล ภาควิชาพฤกษศาสตร์ ที่ได้กรุณาให้ความอนุเคราะห์ทางด้านเครื่องมือ อุปกรณ์และสถานที่ในการทำวิทยานิพนธ์ตลอดระยะเวลาของการวิจัย และภาควิชาจุลชีววิทยา จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ที่เอื้อเพื่อเชื้อ *Aspergillus oryzae* ในการทำการทดลองซีอิ้วและเต้าเจี้ยว

ขอขอบคุณผู้ประกอบการและผู้เกี่ยวข้องในโรงงานอุตสาหกรรมผลิตน้ำมันถั่วเหลือง (ไม่ประสงค์ออกนาม) ที่ได้ให้ความอนุเคราะห์ตัวอย่างน้ำมันถั่วเหลืองในการทำวิทยานิพนธ์ครั้งนี้

ขอขอบคุณ พี่ๆ พี่ๆ และน้องๆ ทุกคนที่ได้ช่วยเหลือและให้กำลังใจมาโดยตลอดระยะเวลาที่ศึกษาเล่าเรียน ทำวิทยานิพนธ์ และที่สำคัญผู้เขียนขออุทิศความดีของวิทยานิพนธ์เล่มนี้แด่ คุณพ่อเกียรติชัย ลิ้มศรีวานิชยกร ที่ได้ล่วงลับไปแล้ว และขอกราบขอบพระคุณคุณแม่ พี่สาวและน้องสาว ทุกคนในครอบครัว ที่ให้ชีวิตและให้ความช่วยเหลือสนับสนุนในด้านการเงินทุนและให้กำลังใจในการศึกษาเล่าเรียนเป็นอย่างดีตลอดจนการทำวิทยานิพนธ์จนสำเร็จลุล่วงไปด้วยดีเสมอมา

คุณความดีและประโยชน์อันพึงจะมีจากวิทยานิพนธ์ฉบับนี้ ผู้วิจัยขอมอบให้กับผู้มีพระคุณทุกท่านที่ได้กล่าวมาแล้วข้างต้นด้วย

## สารบัญ

	หน้า
บทคัดย่อภาษาไทย.....	ง
บทคัดย่อภาษาอังกฤษ.....	จ
กิตติกรรมประกาศ.....	ฉ
สารบัญ.....	ช
สารบัญตาราง.....	ฅ
สารบัญรูป.....	ฉ

### บทที่

1. บทนำ.....	1
2. เอกสารและงานวิจัยที่เกี่ยวข้อง.....	6
3. วิธีดำเนินการวิจัย.....	25
4. ผลการวิเคราะห์ข้อมูล.....	34
5. สรุปผลการวิจัย อภิปรายผล และข้อเสนอแนะ.....	70
รายการอ้างอิง.....	78
ภาคผนวก.....	84
ประวัติผู้เขียนวิทยานิพนธ์.....	96

ศูนย์วิทยทรัพยากร  
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

## สารบัญตาราง

ตาราง	หน้า
1	บัญชีสมดุลงั่วเหลืองของประเทศไทย.....13
2	มาตรการและการแสดงฉลาก GMOs ของประเทศต่างๆ .....15
3	ไพรมอร์คัดเลือกที่จำเพาะต่อดีเอ็นเอแม่แบบขนาด 119 นิวคลีโอไทด์.....34
4	ไพรมอร์คัดเลือกที่จำเพาะต่อดีเอ็นเอแม่แบบขนาด 327 นิวคลีโอไทด์.....35
5	ไพรมอร์คัดเลือกที่จำเพาะต่อดีเอ็นเอแม่แบบขนาด 826 นิวคลีโอไทด์.....35
6	การตรวจสอบขนาดของยีน <i>lectin</i> 119, 327 และ 826 นิวคลีโอไทด์จากเมล็ด ถั่วเหลืองที่ผ่านการอบแห้งที่อุณหภูมิระหว่าง 80 ถึง 160°ซ ที่เวลาต่างกันทุก 10 นาทีจาก 10 ถึง 60 นาที โดยวิธี PCR.....48
7	การตรวจสอบขนาดของยีน <i>lectin</i> 119, 327 และ 826 นิวคลีโอไทด์จากเมล็ด ถั่วเหลืองที่ผ่านการอบแห้งที่อุณหภูมิระหว่าง 170 ถึง 220°ซ ที่เวลาต่างกันทุก 5 นาที จาก 5 ถึง 30 นาที โดยวิธี PCR.....49
8	การตรวจสอบขนาดของยีน <i>lectin</i> 119, 327 และ 823 นิวคลีโอไทด์ ของดีเอ็นเอ บริสุทธิ์ที่สกัดได้จากถั่วเหลือง (A) และเมล็ดถั่วเหลืองบด (B) ที่ผ่านการนึ่งความดัน ที่อุณหภูมิ 121°ซ ความดัน 15 ปอนด์ต่อตารางนิ้ว ในที่เวลา 0, 5, 10, 15, 30, 60 และ 120 นาทีตามลำดับโดยวิธี PCR.....57
9	การตรวจสอบขนาดของยีน <i>lectin</i> 119, 327 และ 826 นิวคลีโอไทด์จากเมล็ด ถั่วเหลืองที่นำมาแปรรูปเป็นน้ำมันถั่วเหลืองในแต่ละขั้นตอนของกระบวนการผลิต โดยวิธี PCR.....61
10	การตรวจสอบขนาดของยีน <i>lectin</i> 119, 327 และ 826 นิวคลีโอไทด์จากเมล็ด ถั่วเหลืองที่ผ่านการแปรรูปเป็นน้ำมันถั่วเหลืองในอุตสาหกรรมในแต่ละขั้นตอน ของกระบวนการผลิตโดยวิธี PCR.....65
11	ผลการตรวจสอบขนาดของยีน <i>lectin</i> 119, 327 และ 826 นิวคลีโอไทด์จาก ถั่วเหลืองที่ผ่านกระบวนการแปรรูปเป็นผลิตภัณฑ์ซีอิ๊วในแต่ละขั้นตอนโดยวิธี PCR.....67
12	ผลการตรวจสอบขนาดของยีน <i>lectin</i> 119, 327 และ 826 นิวคลีโอไทด์จาก ถั่วเหลืองที่ผ่านกระบวนการแปรรูปเป็นผลิตภัณฑ์เต้าเจี้ยวในแต่ละขั้นตอนโดยวิธี PCR.....69



## สารบัญรูป

รูปที่	หน้า
1	ชุดของยีน (gene cassette) ซึ่งประกอบด้วยโปรโมเตอร์, ยีน (coding region) และเทอร์มิเนเตอร์ (A) โดยปกติการถ่ายถอดยีนเข้าสู่พืชจะมีชุดของยีน 2 ชุดขึ้นไป ซึ่งได้แก่ยีนเป้าหมาย (cassette1) และ ยีนที่ใช้ในการคัดเลือกเซลล์ (cassette 2) (B).....9
2	ผลผลิตถั่วเหลืองของประเทศผู้ผลิตที่สำคัญในปี 2545/46.....12
3	ลักษณะการใช้ประโยชน์จากเมล็ดถั่วเหลืองและผลิตภัณฑ์.....14
4	การแตกหักของพันธะไฮโดรเจนของดีเอ็นเอสายคู่เป็นดีเอ็นเอสายเดี่ยวเมื่อได้รับความร้อนที่อุณหภูมิสูงและอยู่ในภาวะที่เป็นต่าง.....23
5	กลไกการเกิด depurination hydrolysis และการแตกหักที่บริเวณพันธะ phosphodiester.....24
6	ขั้นตอนการสุ่มเก็บตัวอย่างในกระบวนการผลิตน้ำมันถั่วเหลืองผู้ประกอบการอุตสาหกรรมน้ำมันถั่วเหลือง.....31
7	การตรวจสอบประสิทธิภาพของวิธีที่พัฒนาขึ้นจากการเพิ่มปริมาณของจีโนมิกดีเอ็นเอที่ได้จากเมล็ดถั่วเหลืองที่ยังไม่ผ่านกระบวนการโดยการตรวจที่ยีน <i>lectin</i> ในขนาดต่างกัน.....36
8	การตรวจสอบประสิทธิภาพของวิธีที่พัฒนาขึ้นจากการเพิ่มปริมาณของจีโนมิกดีเอ็นเอถั่วเหลืองที่ผ่านกระบวนการให้ความร้อนเป็นเวลา 5 นาที โดยการตรวจที่ยีน <i>lectin</i> ด้วยความจำเพาะของไพรเมอร์ที่ให้ขนาด 119, 327 และ 826 นิวคลีโอไทด์ตามลำดับ.....37
9	การตรวจสอบโคลนของพลาสมิดดีเอ็นเอที่ได้รับชิ้นส่วนของยีน 35S promoter และยีน <i>lectin</i> จากโคโลนีที่มีความสามารถในการต้านทานยาปฏิชีวนะกานามัยซิน 15 โคโลนี.....39
10	โครงสร้างของพลาสมิดรีคอมบิแนนท์ ชื่อ p35SLectin800.....40
11	ปริมาณดีเอ็นเอที่สกัดได้ (ไมโครกรัมต่อกรัมถั่วเหลือง) จากเมล็ดถั่วเหลืองที่ผ่านการอบแห้งที่อุณหภูมิต่างๆ กันตั้งแต่ 80-220 <sup>o</sup> ซ เป็นระยะเวลา 5 นาที.....42
12	ปริมาณดีเอ็นเอที่สกัดได้(ไมโครกรัมต่อกรัมถั่วเหลือง) จากเมล็ดถั่วเหลืองที่ผ่านการนึ่งความดันที่เวลาต่างกัน (0-120 นาที).....42
13	ปริมาณดีเอ็นเอที่สกัดได้ (ไมโครกรัมต่อกรัมถั่วเหลือง) จากถั่วเหลืองที่ผ่านการจำลองต้มน้ำมันถั่วเหลืองในแต่ละขั้นตอน.....43

สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่	หน้า
14 ปริมาณดีเอ็นเอที่สกัดได้ (ไมโครกรัมต่อกรัมถั่วเหลือง) จากตัวอย่างถั่วเหลือง ที่ผ่านการผลิตน้ำมันถั่วเหลืองของอุตสาหกรรมในแต่ละขั้นตอน.....	44
15 ปริมาณดีเอ็นเอที่สกัดได้ (ไมโครกรัมต่อกรัมถั่วเหลือง) จากถั่วเหลืองและน้ำซีอิ๊ว ที่ผ่านกระบวนการหมักในแต่ละขั้นตอน.....	46
16 ปริมาณดีเอ็นเอที่สกัดได้ (ไมโครกรัมต่อกรัมถั่วเหลือง) จากถั่วเหลืองที่ผ่าน กระบวนการหมักเป็นเต้าเจี้ยวในแต่ละขั้นตอน.....	47
17 ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 826 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองที่ผ่านกระบวนการ การอบแห้งที่อุณหภูมิ 140, 150 และ 160 <sup>o</sup> ซ ด้วยหลักการ PCR โดยเทคนิค เจลอิเล็กโทรโฟเรซิสบนอะกาโรสเจล 1% ใน 1xTAE buffer.....	51
18 ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 826 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองที่ผ่านกระบวนการ การอบแห้งที่อุณหภูมิ 170, 180, 190 และ 200 <sup>o</sup> ซ ด้วยหลักการ PCR โดย เทคนิคเจลอิเล็กโทรโฟเรซิสบนอะกาโรสเจล 1% ใน 1xTAE buffer.....	52
19 ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 327 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองที่ผ่านกระบวนการ การอบแห้งที่อุณหภูมิ 150, 160, 170 และ 180 <sup>o</sup> ซ ด้วยหลักการ PCR โดย เทคนิคเจลอิเล็กโทรโฟเรซิสบนอะกาโรสเจล 1% ใน 1xTAE buffer.....	53
20 ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 327 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองที่ผ่านกระบวนการ การอบแห้งที่อุณหภูมิ 190, 200, 210 และ 220 <sup>o</sup> ซ ด้วยหลักการ PCR โดย เทคนิคเจลอิเล็กโทรโฟเรซิสบนอะกาโรสเจล 1% ใน 1xTAE buffer.....	54
21 ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 119 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองที่ผ่านกระบวนการ การอบแห้งที่อุณหภูมิ 160, 170 และ 180 <sup>o</sup> ซ ด้วยหลักการ PCR โดยเทคนิค เจลอิเล็กโทรโฟเรซิสบนอะกาโรสเจล 1.5% ใน 1xTAE buffer.....	55
22 ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 119 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองที่ผ่านกระบวนการ การอบแห้งที่อุณหภูมิ 190, 200, 210 และ 220 <sup>o</sup> ซ ด้วยหลักการ PCR โดยเทคนิค เจลอิเล็กโทรโฟเรซิสบนอะกาโรสเจล 1.5% ใน 1xTAE buffer.....	56
23 ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 826 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองในส่วนของ ดีเอ็นเอบริสุทธิ์ที่สกัดได้จากถั่วเหลือง (A) และเมล็ดถั่วเหลืองบด (B) ที่ผ่าน กระบวนการนึ่งความดันด้วยหลักการ PCR โดยเทคนิคเจลอิเล็กโทรโฟเรซิส บนอะกาโรสเจล 1% ใน 1xTAE buffer.....	58

## สารบัญรูป (ต่อ)

รูปที่	หน้า	
24	ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 327 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองในส่วนของ ดีเอ็นเอบริสุทธิ์ที่สกัดได้จากถั่วเหลือง (A) และเมล็ดถั่วเหลืองบด (B) ที่ผ่าน กระบวนการเพิ่มความดัน ด้วยหลักการ PCR โดยเทคนิคเจลอิลีกโทรโฟเรซิส บนอะกาโรสเจล 1% ใน 1xTAE buffer.....	59
25	ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 119 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองในส่วนของ ดีเอ็นเอบริสุทธิ์ที่สกัดได้จากถั่วเหลือง (A) และเมล็ดถั่วเหลืองบด (B) ที่ผ่าน กระบวนการเพิ่มความดัน ด้วยหลักการ PCR โดยเทคนิคเจลอิลีกโทรโฟเรซิส บนอะกาโรสเจล 1.5% ใน 1xTAE buffer.....	60
26	ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 826 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองที่ผ่านการ จำลองแปรรูปเป็นผลิตภัณฑ์น้ำมันถั่วเหลืองในแต่ละขั้นตอนด้วยหลักการ PCR โดยเทคนิคเจลอิลีกโทรโฟเรซิสบนอะกาโรสเจล 1% ใน 1xTAE buffer.....	62
27	ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 327 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองที่ผ่านการ จำลองแปรรูปเป็นผลิตภัณฑ์น้ำมันถั่วเหลืองในแต่ละขั้นตอนด้วยหลักการ PCR โดยเทคนิคเจลอิลีกโทรโฟเรซิสบนอะกาโรสเจล 1% ใน 1xTAE buffer.....	63
28	ผลการตรวจขนาดของยีน <i>lectin</i> 119 นิวคลีโอไทด์จากถั่วเหลืองที่ผ่านการ จำลองแปรรูปเป็นผลิตภัณฑ์น้ำมันถั่วเหลืองในแต่ละขั้นตอนด้วยหลักการ PCR โดยเทคนิคเจลอิลีกโทรโฟเรซิสบนอะกาโรสเจล 1.5% ใน 1xTAE buffer.....	64
29	ลำดับนิวคลีโอไทด์ของยีน <i>lectin</i> ของถั่วเหลือง สำหรับออกแบบไพรเมอร์ในการ ตรวจสอบคุณภาพดีเอ็นเอของเมล็ดถั่วเหลืองและอาหารที่ผ่านกระบวนการแปรรูปที่ สกัดได้.....	94