

บทที่ 3

การออกแบบระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรในขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรม โดยการจับคู่แบบโอบนเอียง

ในบทนี้จะได้นำเสนอรายละเอียดของการออกแบบระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรในขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมโดยการจับคู่แบบโอบนเอียงระบบต่างๆ ปัญหาที่พบ การทดลองและผลการทดลองเบื้องต้น ระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรที่ออกแบบทั้งหมดใช้พื้นฐานการทำงานของการทำงานของการจับคู่แบบโอบนเอียง ดังจะได้อธิบายถึงเป็นหัวข้อแรก

3.1 การจับคู่แบบโอบนเอียง

การจับคู่แบบโอบนเอียง (preference mating) เป็นวิธีการที่ถูกสร้างขึ้นเพื่อเป็นกลไกหลักในการสร้างระบบระบบควบคุมความหลากหลายของประชากร การจับคู่แบบโอบนเอียงถูกตั้งชื่อตามคุณลักษณะซึ่งแตกต่างไปจากกระบวนการของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมปกติ กล่าวคือหน่วยชีวิตแต่ละหน่วยมีความชอบในการเลือกคู่เพื่อผสมพันธุ์โดยพิจารณาถึงความแตกต่างระหว่างหน่วยชีวิตทั้งสองหน่วย ระดับของความชอบในการเลือกคู่ที่แตกต่างนี้ถูกควบคุมโดยพารามิเตอร์ระดับโอบนเอียง การกำหนดระดับโอบนเอียงให้มีค่าสูงจะมีผลให้หน่วยชีวิตมีความชอบในการจับคู่กับหน่วยชีวิตอื่นที่แตกต่างกับตนเองมากๆ ในขณะที่การกำหนดระดับความโอบนเอียงต่ำทำให้อิทธิพลของความชอบในการจับคู่ที่แตกต่างมีน้อยลง

กำหนดให้หน่วยชีวิตแรก (first partner) x , เป็นหน่วยชีวิตที่ถูกคัดเลือกตามวิธีการปกติ โดยในการวิจัยนี้ใช้การคัดเลือกแบบทัวร์นาเมนต์ (tournament selection) ค่าของระดับความโอบนเอียงที่กำหนดให้ x , จะมีผลต่อการคำนวณโอกาสของหน่วยชีวิตอื่นที่จะถูกเลือกเพื่อผสมพันธุ์กับ x , กำหนดให้ d แทนค่าความแตกต่างระหว่างหน่วยชีวิต x , และหน่วยชีวิตคู่แข่ง (candidate partner) τ แทนค่าของระดับความโอบนเอียงที่ใช้ D แทนฟังก์ชันของ d และ τ เรียกว่า ฟังก์ชันความแตกต่าง หน่วยชีวิตคู่แข่งที่คำนวณได้ค่า D สูงกว่าจะมีโอกาสมากกว่าที่จะถูกคัดเลือกเป็นหน่วยชีวิตที่สอง (second partner)

นอกจากค่าของฟังก์ชันความแตกต่างแล้ว ปัจจัยอีกประการหนึ่งซึ่งมีผลต่อโอกาสในการถูกคัดเลือกของหน่วยชีวิตคู่แข่งแต่ละหน่วยคือค่าความเหมาะสม (fitness value) ของหน่วยชีวิต

คู่แข่งนั้น หน่วยชีวิตคู่แข่งที่มีค่าความเหมาะสมสูงกว่าจะมีโอกาสมากกว่าในการถูกคัดเลือก ดังแสดงในสมการ

$$x_2 = \arg \max_{i \in s_i} [f(y_i) \cdot D(\tau, d_i)] \quad (3.1)$$

เมื่อ x_2 แทนหน่วยชีวิตที่สองที่จะถูกคัดเลือกเพื่อผสมพันธุ์กับหน่วยชีวิตแรก
 y_i แทนหน่วยชีวิตคู่แข่งที่ i
 f แทนฟังก์ชันความเหมาะสม และ
 s_i แทนขนาดของทัวร์นาเมนต์

ฟังก์ชันความแตกต่าง D ที่ใช้ในการวิจัยนี้เป็นฟังก์ชันเชิงเส้นที่มีลักษณะง่ายดังแสดงเป็นสมการ

$$D(\tau, d_i) = 0.5 + \frac{\tau}{n-1} (d_i - 0.5) \quad (3.2)$$

โดย n แทนจำนวนระดับอินเอียงที่ใช้ และ d_i แทนค่าความแตกต่างระหว่างหน่วยชีวิตแรกและหน่วยชีวิตคู่แข่งที่ i สามารถคำนวณได้จากสมการ

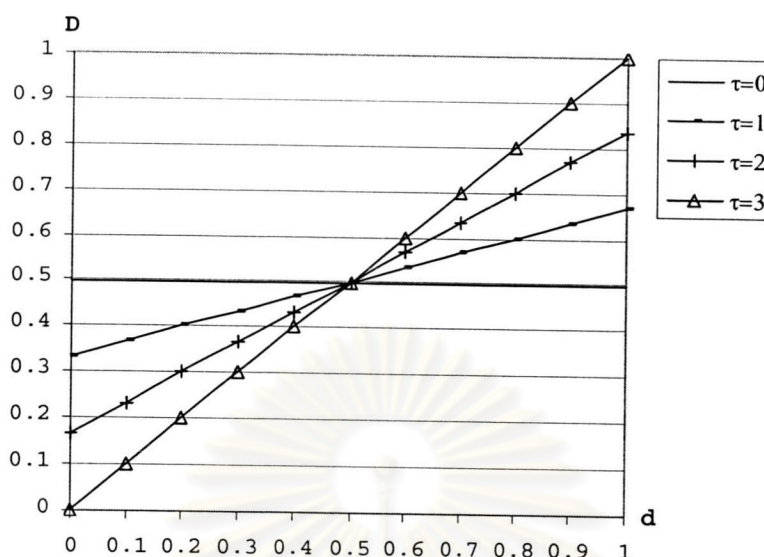
$$d_i = \frac{H(y_i, x_1)}{l} \quad (3.3)$$

เมื่อ $H(y_i, x_1)$ แทนระยะทางฮัมมิง(hamming distance)ของหน่วยชีวิตคู่แข่งที่ i และหน่วยชีวิตแรก และ
 l แทนความยาวโครโมโซมของหน่วยชีวิต

ความสัมพันธ์ระหว่างค่าความแตกต่าง d และค่าจากฟังก์ชันความแตกต่าง D แสดงดังรูปที่ 3.1

ฟังก์ชันความแตกต่าง D ทำหน้าที่ในการปรับค่าความแตกต่าง d ไปสู่ค่าใหม่ โดยการปรับจะขึ้นอยู่กับระดับความอินเอียง τ ที่กำหนดไว้แต่ต้น ในกรณีที่ระดับความอินเอียงถูกกำหนดไว้ที่ระดับ 0 จะพบว่าฟังก์ชันความแตกต่าง D ปรับทุกค่าความแตกต่าง d ไปยังค่าเดียวกันทั้งหมด (ค่าเท่ากับ 0.5) ด้วยเหตุนี้การคัดเลือกหน่วยชีวิตคู่แข่งเพื่อเป็นหน่วยชีวิตที่สองจึงขึ้นอยู่กับเฉพาะค่าความเหมาะสมของแต่ละหน่วยชีวิตเท่านั้นโดยไม่ขึ้นอยู่กับค่าความแตกต่าง d การกำหนดระดับความอินเอียงไว้ที่ระดับ 0 จึงสมมูลกับการคัดเลือกของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมปกติ (traditional genetic algorithms)

ความสัมพันธ์ระหว่างค่าความแตกต่าง d และค่าจากฟังก์ชันความแตกต่าง D เมื่อกำหนดให้ใช้ระดับอินเอียงจำนวน 4 ระดับ ($n = 4$) แสดงดังรูปที่ 3.16



รูปที่ 3.1 ความสัมพันธ์ระหว่างค่าความแตกต่าง d และค่าจากฟังก์ชันความแตกต่าง D

ในกรณีที่ระดับอินเอยถูกกำหนดไว้ที่ระดับอื่นๆ จะพบว่าค่าความแตกต่าง d มีผลต่อโอกาสในถูกคัดเลือก โดยจะส่งผลมากขึ้นเป็นลำดับเมื่อกำหนดระดับความอินเอยสูงขึ้น ทั้งนี้เนื่องมาจากการปรับค่าความแตกต่างไปสู่ค่าใหม่ของฟังก์ชันความแตกต่าง D กล่าวอีกนัยหนึ่งคือระดับอินเอยทำหน้าที่เสมือนตัวปรับน้ำหนักระหว่างค่าความเหมาะสมและค่าความแตกต่าง โดยการกำหนดระดับความอินเอยที่สูงขึ้นมีผลให้น้ำหนักของค่าความแตกต่างระหว่างหน่วยชีวิตมีมากขึ้น หน่วยชีวิตที่มีความแตกต่างสูงจึงมีโอกาสได้รับการคัดเลือกมากขึ้น และส่งผลให้ความหลากหลายของประชากรโดยรวมมีมากขึ้นไปด้วยเป็นลำดับ

การจับคู่แบบอินเอยได้ถูกออกแบบตามวัตถุประสงค์คือต้องการระบบที่ไม่ซับซ้อนสามารถที่จะเข้าใจได้ง่าย และต้องเป็นระบบที่สามารถสร้างความหลากหลายของประชากรมากขึ้นโดยสะดวก ทั้งนี้เพื่อประโยชน์ในการนำไปใช้สร้างระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรต่อไป การจับคู่แบบอินเอยมีความสอดคล้องตามวัตถุประสงค์ในการออกแบบดังกล่าว กล่าวคือเป็นระบบที่ง่ายและสามารถสร้างความหลากหลายของประชากรที่แตกต่างกันได้โดยการปรับเปลี่ยนเพียงค่าระดับอินเอยเพียงค่าเดียว

ขั้นตอนการทำงานของการทำงานของการจับคู่แบบอินเอยสามารถสรุปได้ดังรูปที่ 3.2

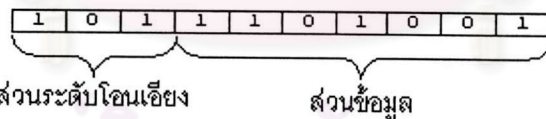
1. กำหนดระดับโหนดเอียงที่จะใช้ (ในการทดลองใช้ค่าระดับความโหนดเอียง 0 ถึง 3)
2. คัดเลือกหน่วยชีวิตแรกโดยวิธีการคัดเลือกแบบทัวร์นาเมนต์ (ในการทดลองใช้ขนาดของทัวร์นาเมนต์เท่ากับ 3)
3. สุ่มเลือกหน่วยชีวิตกลุ่มหนึ่งเพื่อเป็นหน่วยชีวิตคู่แข่ง (ในการทดลองกำหนดจำนวนหน่วยชีวิตคู่แข่งเท่ากับ 3 ซึ่งเท่ากับขนาดของทัวร์นาเมนต์)
4. คำนวณค่าผลคูณของค่าความเหมาะสมและค่าจากฟังก์ชันความแตกต่างของแต่ละหน่วยชีวิตคู่แข่ง หน่วยชีวิตคู่แข่งที่คำนวณค่าได้สูงสุดจะถูกคัดเลือกเพื่อเป็นหน่วยชีวิตที่สอง
5. ดำเนินการผสมพันธุ์(การไขว้เปลี่ยน) ระหว่างหน่วยชีวิตแรกและหน่วยชีวิตที่สอง
6. ทำซ้ำตามขั้นตอนที่ 2 ถึง 5 จนได้จำนวนประชากรครบตามกำหนด

รูปที่ 3.2 ขั้นตอนการทำงานของกระบวนการจับคู่แบบโหนดเอียง

3.2 ระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้บิตต่อ

แนวคิดแรกของการสร้างระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรคือการเพิ่มในส่วนของบิตต่อ (tag bit) ในโครโมโซมของแต่ละหน่วยชีวิต (ตัวอย่างงานวิจัยที่มีการใช้บิตต่อได้แก่งานวิจัย [44]) บิตต่อทำหน้าที่เก็บระดับโหนดเอียงของหน่วยชีวิตซึ่งแตกต่างกัน ดังตัวอย่างในรูปที่

3.3



รูปที่ 3.3 ตัวอย่างโครโมโซมของหน่วยชีวิตซึ่งใช้บิตต่อ

จากรูปที่ 3.3 โครโมโซมของหน่วยชีวิตได้ถูกแบ่งออกเป็นสองส่วนคือส่วนระดับโหนดเอียงและส่วนของข้อมูลปกติ ส่วนของระดับโหนดเอียงถูกกำหนดให้มีขนาด 3 บิต ซึ่งสามารถแทนระดับโหนดเอียงที่แตกต่างกันทั้งสิ้น $2^3 = 8$ ค่า โดยตัวอย่างโครโมโซมแสดงการใช้ระดับโหนดเอียงระดับ 5 (101_2) แนวคิดของการออกแบบระบบโดยการใช้บิตต่อนี้เพื่อให้กระบวนการวิวัฒนาการของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมทำการค้นหาโหนดเอียงที่เหมาะสมไปพร้อมๆ กับการค้นหาคำตอบของปัญหา

เนื่องจากบิตต่อที่เพิ่มขึ้นในโครโมโซมได้ถูกเข้ารหัสเป็นเลขฐานสองเช่นเดียวกับส่วนของข้อมูลปกติทุกประการ การปฏิบัติการเชิงพันธุกรรม(genetic operator)ปกติของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมซึ่งได้แก่การไขว้เปลี่ยนและการกลายจึงสามารถนำมาใช้งานได้โดยไม่ต้องทำการแก้ไขขั้นตอนการทำงานของระบบการค้นหาความหลากหลายของประชากรโดยใช้บิตต่อสามารถสรุปได้ดังรูปที่ 3.4

1. สร้างประชากรเริ่มต้นของหน่วยชีวิต โดยโครโมโซมของหน่วยชีวิตแต่ละหน่วยประกอบไปด้วยส่วนระดับความโอบเอียงและส่วนของข้อมูลปกติโดยมีขนาดตามกำหนด ทั้งสองส่วนถูกสร้างโดยการสุ่ม
2. ตรวจสอบวัดค่าความเหมาะสมของแต่ละหน่วยชีวิต
3. คัดเลือกหน่วยชีวิตแรกโดยวิธีการคัดเลือกแบบทัวร์นาเมนต์
4. ถอดรหัสระดับโอบเอียงของหน่วยชีวิตแรกจากส่วนระดับโอบเอียง
5. คัดเลือกหน่วยชีวิตที่สองตามวิธีการคำนวณของการจับคู่แบบโอบเอียง โดยใช้ระดับความโอบเอียงที่ได้จากการถอดรหัสในการคำนวณ (การคัดเลือกหน่วยชีวิตที่สองได้รับอิทธิพลจากหน่วยชีวิตแรกผ่านทางระดับโอบเอียง)
6. ดำเนินการปฏิบัติการเชิงพันธุกรรมระหว่างหน่วยชีวิตทั้งสองเพื่อสร้างเป็นหน่วยชีวิตรุ่นใหม่
7. ทำซ้ำตามขั้นตอนที่ 3-6 จนได้จำนวนประชากรรุ่นใหม่ครบตามกำหนด
8. ทำซ้ำตามขั้นตอนที่ 3-6 จนพบเงื่อนไขหยุดการทำงาน (เช่นพบคำตอบที่ต้องการ หรือครบจำนวนรุ่นมากที่สุดที่กำหนด)

รูปที่ 3.4 ขั้นตอนการทำงานของระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้บิตต่อ

3.3 การทดลองระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้บิตต่อ

3.3.1 ปัญหาที่ใช้ในการทดลอง

ปัญหาที่ใช้ในการทดลองได้แก่ปัญหา one-max ปัญหาฟังก์ชัน multimodal และปัญหาฟังก์ชัน deceptive ซึ่งทั้ง 3 ปัญหาเป็นปัญหาที่นิยมใช้ในการเปรียบเทียบประสิทธิภาพของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรม โดยรายละเอียดของแต่ละปัญหาที่ใช้ในการทดลองมีดังนี้

3.3.1.1 ปัญหา one-max

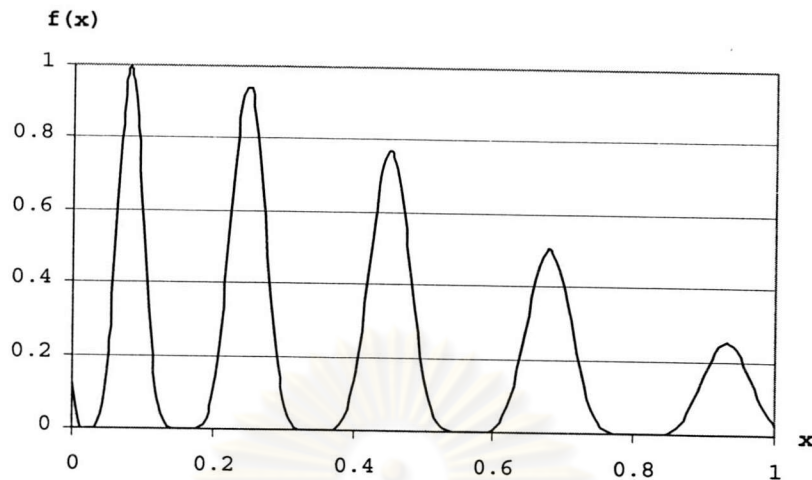
ปัญหา one-max เป็นปัญหาพื้นฐานที่ง่ายและนิยมใช้ในการเปรียบเทียบประสิทธิภาพของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรม จุดประสงค์ของปัญหาคือการวิวัฒนาการหน่วยชีวิตให้ทุกๆบิตในโครโมโซมมีค่า "1" การประเมินค่าความเหมาะสมของปัญหานี้มีลักษณะที่ตรงไปตรงมา โดยจำนวนบิต "1" ในโครโมโซมของแต่ละหน่วยชีวิตถูกกำหนดให้เป็นค่าความเหมาะสมของหน่วยชีวิตนั้น ในการทดลองจะใช้ปัญหา one-max ขนาด 30 บิต ซึ่งมีความยากง่ายเหมาะสมในการเปรียบเทียบกับปัญหาที่เหลือทั้งสอง และในการเก็บสถิติของการทดลอง (หากใช้จำนวนบิตน้อยจนเกินไปจะทำให้ปัญหามีความง่ายเกินไป โดยอาจสามารถหาคำตอบได้ตั้งแต่ในขั้นตอนการผสมสร้างประชากรเริ่มต้นโดยยังไม่ได้ผ่านกระบวนการวิวัฒนาการคำตอบของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรม ค่าทางสถิติที่เก็บได้จึงไม่บ่งบอกถึงประสิทธิภาพของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมแต่อย่างใด) งานวิจัยที่มีการใช้ปัญหา one-max ได้แก่งานวิจัย [21,22]

3.3.1.2 ปัญหาฟังก์ชัน multimodal

ปัญหา multimodal เป็นปัญหาที่ประกอบไปด้วยบริเวณที่ดีที่สุดหลายบริเวณ ด้วยเหตุนี้จึงเป็นการยากที่กระบวนการวิวัฒนาการจะสามารถค้นหาคำตอบที่ดีที่สุดที่แท้จริงได้ ฟังก์ชัน multimodal ที่ใช้ในการทดลองได้นำมาจาก [37] ซึ่งเป็นฟังก์ชันที่ประกอบไปด้วยบริเวณที่ดีที่สุด 5 บริเวณโดยสร้างขึ้นจากสมการ

$$f(x) = e^{-2(\ln 2) \left(\frac{x-0.08}{0.854} \right)^2} \sin^6 [5\pi(x^{3/4} - 0.05)] \quad \text{เมื่อ } 0 \leq x \leq 1 \quad (3.4)$$

กราฟแสดงลักษณะของฟังก์ชันแสดงดังรูปที่ 3.5 ในการทดลองค่าจริง(real value) x จะถูกเข้ารหัสในโครโมโซมขนาด 30 บิต เป้าหมายของปัญหานี้คือการวิวัฒนาการหน่วยชีวิตซึ่งสามารถให้ค่าของฟังก์ชัน f มากที่สุดโดยจุดที่ดีที่สุดของฟังก์ชันอยู่ที่บริเวณ $x = 0.08$ โดยประมาณ งานวิจัยที่มีการใช้ปัญหาฟังก์ชัน multimodal ได้แก่งานวิจัย [10,16,23-31]



รูปที่ 3.5 กราฟแสดงลักษณะของฟังก์ชัน multimodal

3.3.1.3 ปัญหาฟังก์ชัน deceptive

ปัญหาฟังก์ชัน deceptive เป็นปัญหาที่ยากสำหรับขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรม ฟังก์ชันความเหมาะสมของปัญหานี้ไม่ได้ชี้กนำ (guide) กระบวนการวิวัฒนาการไปยังทิศทางที่ถูกต้อง ปัญหาฟังก์ชัน deceptive อันดับ 3 (order-3 deceptive function) ได้ถูกใช้ในการทดลอง (เพื่อให้สามารถเปรียบเทียบผลการทดลองกับงานวิจัยอื่นๆ ซึ่งนิยมใช้ปัญหาฟังก์ชัน deceptive อันดับ 3 ในการทดลองได้) ค่าความเหมาะสมของแต่ละสตริงของเลขฐาน 2 ขนาด 3 บิต แสดงดังตารางที่ 3.1

ตารางที่ 3.1 สตริงของเลขฐาน 2 และค่าความเหมาะสมของปัญหาฟังก์ชัน deceptive

สตริงของเลขฐาน 2	ค่าความเหมาะสม
000	28
001	26
010	22
011	0
100	14
101	0
110	0
111	30

ปัญหาฟังก์ชัน deceptive ที่ใช้ประกอบไปด้วยสตริงของเลขฐาน 2 ขนาด 3 บิตจำนวน 10 ท่อนซึ่งทำให้ความยาวของโครโมโซมมีขนาดทั้งสิ้น 30 บิต ค่าความเหมาะสมของปัญหานี้คือผลรวมของค่าความเหมาะสมในแต่ละท่อนโดยค่าสูงสุดของค่าความเหมาะสมเท่ากับ 300 ซึ่งเกิดเมื่อทุกๆบิตในโครโมโซมมีค่าเป็น "1" งานวิจัยที่มีการใช้ปัญหาฟังก์ชัน deceptive ได้แก่งานวิจัย [10,22-23,32-36]

3.3.2 พารามิเตอร์ที่ใช้ในการทดลอง

พารามิเตอร์ต่างๆที่ใช้ในการทดลองแสดงในตารางที่ 3.2 และ 3.3 ในการทดลองมีการใช้กระบวนการ elitism โดยหน่วยชีวิตที่ดีที่สุด 10 หน่วยจะถูกคัดเลือกไปเป็นหน่วยชีวิตรุ่นใหม่

ฟังก์ชันความแตกต่างที่ใช้ในระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้บิตต่อเป็นฟังก์ชันเชิงเส้นอย่างง่ายตามสมการ

$$D(\tau, d_i) = 0.5 + \frac{\tau}{2^{l_p} - 1} (d_i - 0.5) \quad (3.5)$$

เมื่อ τ แทนค่าของระดับความโอบอ้อมเอียงที่ใช้

d_i แทนค่าความแตกต่างระหว่างหน่วยชีวิตแรกและหน่วยชีวิตคู่แข่งที่ i
และ

l_p แทนความยาวของโครโมโซมเพิ่มเติม(ส่วนระดับโอบอ้อมเอียง)

ความสัมพันธ์ระหว่างค่าความแตกต่าง d และค่าจากฟังก์ชันความแตกต่าง D แสดงดังรูปที่ 3.6

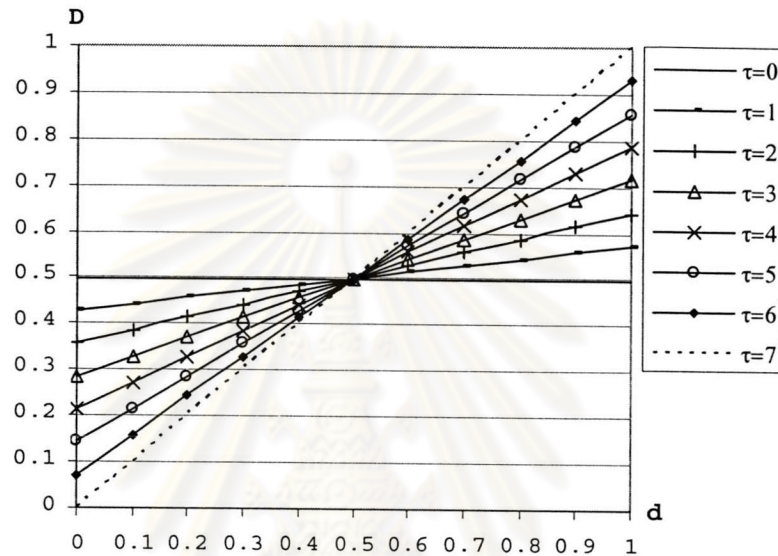
ตารางที่ 3.2 พารามิเตอร์ทั่วไป

จำนวนประชากรของหน่วยชีวิต	100
จำนวนหน่วยชีวิต elitism	10
จำนวนหน่วยชีวิตที่ถูกสร้างโดยการไขว้เปลี่ยน	90
อัตราการกลาย	0.0333 ต่อบิต
ขนาดของตัวจีโนม	3
ความยาวของโครโมโซม	30 บิต
จำนวนรุ่นมากที่สุดของการทดลอง	200
จำนวนครั้งในการทดลองซ้ำ	500
ค่าความเชื่อมั่นในการคำนวณค่าความเพียรพยายามเชิงคำนวณ (z)	99%

ตารางที่ 3.3 พารามิเตอร์เพิ่มเติมเฉพาะระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้บิต

ต่อ

ความยาวของโครโมโซมเพิ่มเติม(ส่วนระดับอินเดียง)	3 บิต
จำนวนระดับอินเดียง	8



รูปที่ 3.6 ความสัมพันธ์ระหว่างค่าความแตกต่าง d และค่าจากฟังก์ชันความแตกต่าง D

3.3.3 ผลการทดลอง

3.3.3.1 ผลการทดลองเปรียบเทียบประสิทธิภาพการแก้ปัญหา

ผลการทดลองเปรียบเทียบประสิทธิภาพการแก้ปัญหาระหว่างระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้บิตต่อกับขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมปกติซึ่งใช้การคัดเลือกแบบสัดส่วน (proportional selection หรือ roulette wheel selection) และแบบทัวร์นาเมนต์ (tournament selection) แสดงดังตารางที่ 3.4 ถึง 3.6

ตารางที่ 3.4 เปอร์เซ็นต์ของความสำเร็จ

ปัญหา	การคัดเลือกแบบ สัดส่วน	การคัดเลือกแบบทัวร์นา เมนต์	ระบบปิดต่อ
one-max	100.00	100.00	100.00
multimodal	95.80	63.60	92.80
deceptive	33.40	41.60	81.60

ตารางที่ 3.5 จำนวนรุ่นเฉลี่ยที่ใช้ในการหาคำตอบ

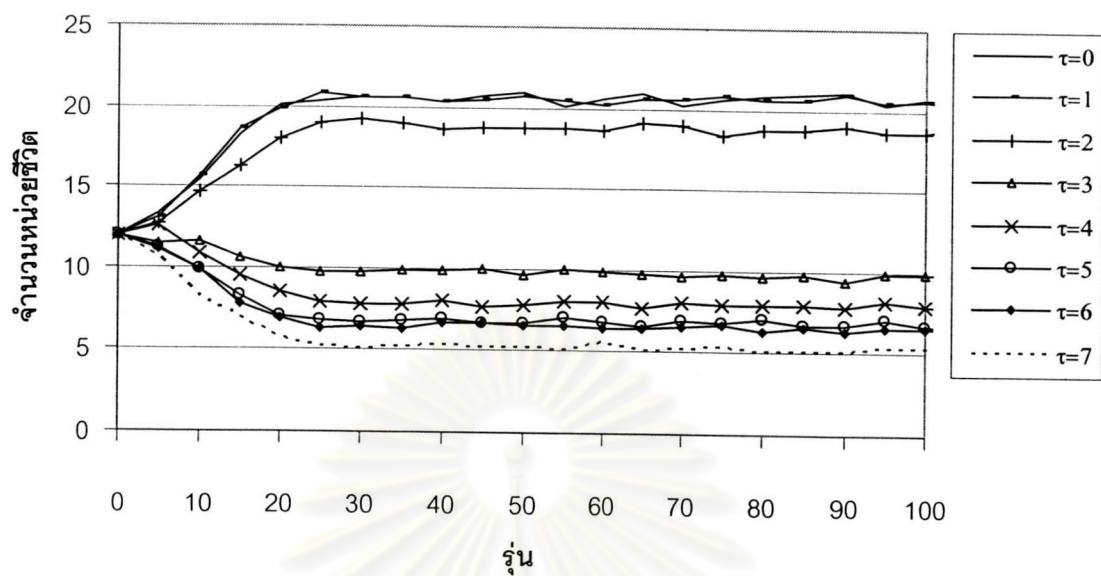
ปัญหา	การคัดเลือกแบบ สัดส่วน	การคัดเลือกแบบทัวร์นา เมนต์	ระบบปิดต่อ
one-max	24.97	10.92	12.52
multimodal	77.59	60.65	55.63
deceptive	133.01	108.22	93.13

ตารางที่ 3.6 ความเพียรพยายามเชิงคำนวณ

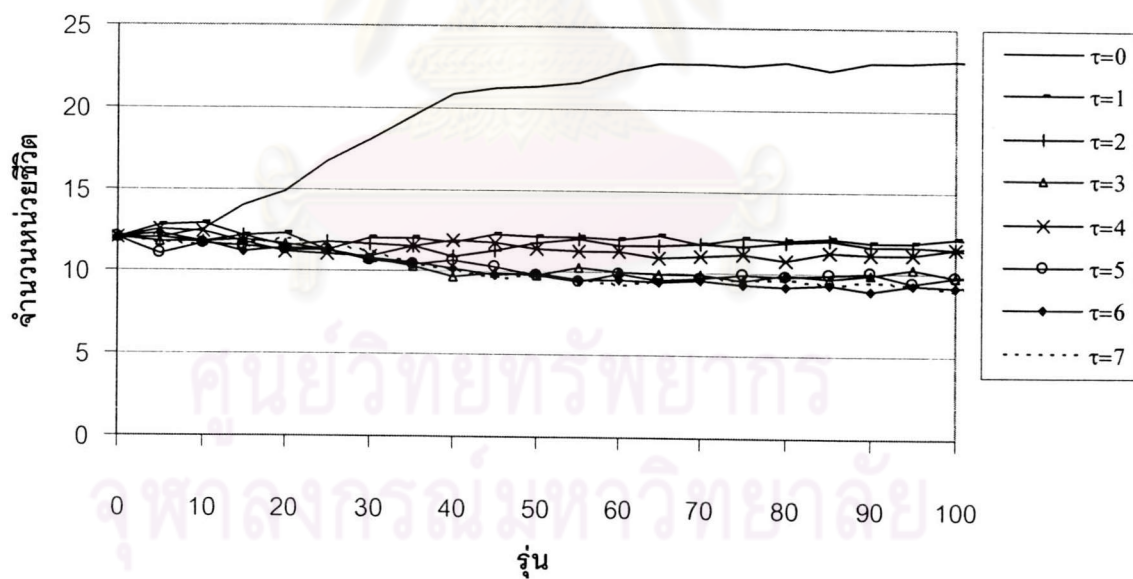
ปัญหา	การคัดเลือกแบบ สัดส่วน	การคัดเลือกแบบทัวร์นา เมนต์	ระบบปิดต่อ
one-max	4,000	1,500	1,800
multimodal	29,000	44,000	23,100
deceptive	235,200	177,300	55,200

3.3.3.2 การวิวัฒนาการของระดับอินเอียง

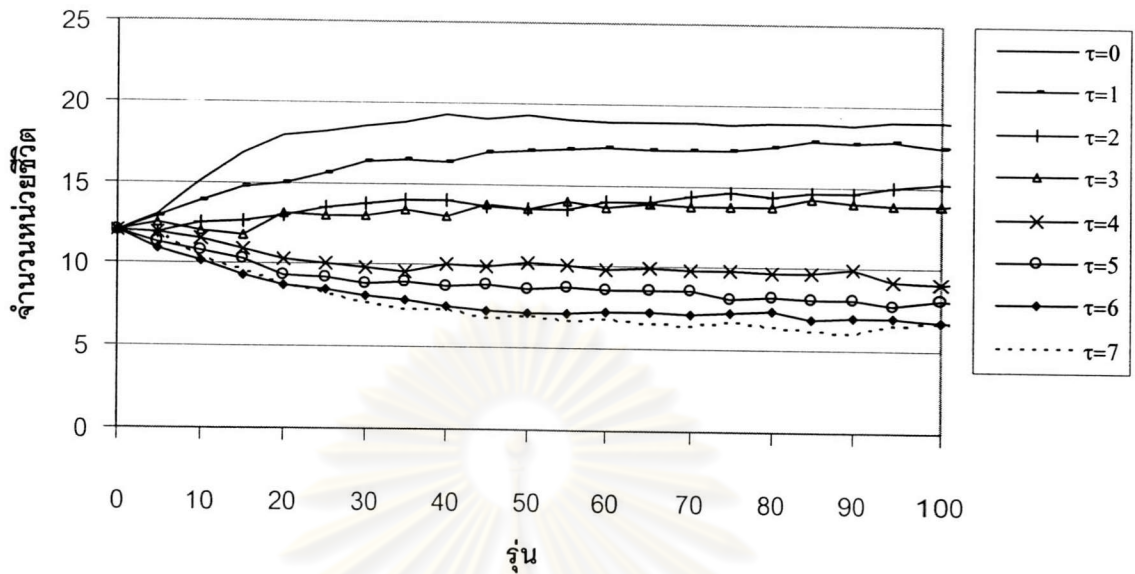
การวิวัฒนาการของระดับอินเอียงของระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้ปิดต่อแสดงดังรูปที่ 3.7 ถึง 3.9



รูปที่ 3.7 การวิวัฒนาการของระดับไอเียงของปัญหา one-max



รูปที่ 3.8 การวิวัฒนาการของระดับไอเียงของปัญหาฟังก์ชัน multimodal



รูปที่ 3.9 การวิวัฒนาการของระดับโอบีของปัญหาฟังก์ชัน *deceptive*

ผลการทดลองแสดงให้เห็นว่าระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้ปิดต่อมีประสิทธิภาพที่ดีในการแก้ปัญหา โดยมีค่าความเพียรพยายามเชิงคำนวณที่สูงกว่าการคัดเลือกแบบทัวร์นาเมนต์เล็กน้อยสำหรับปัญหา one-max สำหรับปัญหาที่เหลือทั้งสองปัญหาระบบที่ออกแบบสามารถคำนวณค่าความเพียรพยายามเชิงคำนวณได้ต่ำกว่าขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมปกติซึ่งใช้วิธีการคัดเลือกทั้ง 2 แบบ โดยเห็นผลได้อย่างชัดเจนสำหรับปัญหาฟังก์ชัน *deceptive* ซึ่งเป็นปัญหาที่ยากที่สุดในการทดลอง

ถึงแม้ระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้ปิดต่อที่ออกแบบจะมีประสิทธิภาพที่ดีในการแก้ปัญหา หากแต่ในการวิเคราะห์ผลการทดลองเพิ่มเติมพบว่ากลไกการทำงานของระบบไม่เป็นไปตามที่คาดหวังไว้ จากกราฟแสดงการวิวัฒนาการของระดับโอบีในแต่ละรุ่นของปัญหาทั้ง 3 พบว่าแนวโน้มการเพิ่มขึ้นและลดลงของแต่ละระดับโอบีของทั้ง 3 ปัญหามีลักษณะที่ไม่แตกต่างกัน โดยระดับโอบีของต่ำมีแนวโน้มเพิ่มมากขึ้นและระดับโอบีของสูงมีแนวโน้มลดลงอย่างรวดเร็ว

แนวโน้มการเพิ่มขึ้นและลดลงของแต่ละระดับโอบีของนี้สามารถอธิบายการทำงานของระบบที่ออกแบบได้สำหรับปัญหา one-max ซึ่งเป็นปัญหาที่ง่ายที่สุดและไม่ต้องการความหลากหลายมากในการหาคำตอบ หากแต่ไม่สามารถอธิบายการทำงานของปัญหาทั้ง 2 ที่เหลือได้ เนื่องจากทั้ง 2 ปัญหาเป็นปัญหาที่ยากและต้องการความหลากหลายที่สูงในการค้นหาคำตอบ แต่

ระดับอินทรีย์ที่สูงกลับไม่เพิ่มจำนวนขึ้นและมีแนวโน้มลดลงอย่างต่อเนื่องหรืออาจกล่าวได้ว่าระบบควบคุมความหลากหลายวิวัฒนาการไปผิดทาง

การที่ระบบที่ออกแบบมีประสิทธิภาพที่ดีในการแก้ปัญหาทดสอบทั้ง 3 ปัญหานั้นเป็นผลมาจากความหลากหลายของประชากรในช่วงแรกของการทำงานที่มีมากกว่าขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมปกติ ซึ่งเป็นผลมาจากกระบวนการคัดเลือกประชากรของการจับคู่แบบอินทรีย์ หากแต่ระบบที่ออกแบบไม่สามารถรักษาระดับความหลากหลายของประชากรที่เหมาะสมไว้ได้ จึงไม่อาจกล่าวว่ระบบที่ออกแบบประสบความสำเร็จในการควบคุมให้เกิดความหลากหลายของประชากรที่เหมาะสมสำหรับปัญหา ในการออกแบบระบบต่อไปจะได้ทำการค้นหาต้นเหตุของปัญหาที่เกิดขึ้น และเสนอระบบใหม่ที่มีประสิทธิภาพที่ดีในการแก้ปัญหาพร้อมกับการวิวัฒนาการความหลากหลายของประชากรที่ถูกต้อง

3.4 ระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรแบบหลายกลุ่มประชากรย่อย

แนวคิดเบื้องต้นของระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรแบบหลายกลุ่มประชากรย่อย (multiple subpopulation) คือการแบ่งประชากรของหน่วยชีวิตออกเป็นหลายกลุ่มในแต่ละกลุ่มจะมีลักษณะความชอบที่ใช้ในการเลือกคู่ต่างกันซึ่งทำให้แต่ละกลุ่มมีประสิทธิภาพในการหาคำตอบที่แตกต่างกันไปด้วย การจับคู่แบบอินทรีย์ได้ถูกนำมาใช้ในการสร้างความหลากหลายของประชากรที่แตกต่างกันสำหรับแต่ละกลุ่มประชากรย่อยโดยการกำหนดระดับความอินทรีย์ที่แตกต่างกัน กลุ่มประชากรย่อยแต่ละกลุ่มจะทำงานคู่ขนานกันไป กลุ่มประชากรที่มีประสิทธิภาพที่ดี(มีความหลากหลายของประชากรที่เหมาะสม)จะถูกคัดเลือกเพื่อทำงานต่อไป ส่วนกลุ่มประชากรที่มีประสิทธิภาพต่ำจะถูกกำจัดทิ้งไปเพื่อลดภาระในการคำนวณ (ตัวอย่างงานวิจัยอื่นที่มีการใช้การแบ่งกลุ่มประชากรย่อยในการทำงานของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมได้แก่งานวิจัย [45-47])

หนึ่งกลไกของการคัดเลือกกลุ่มประชากรย่อยที่เหมาะสมจะสามารถกระทำได้อีกต่อเมื่อใช้มาตรวัด (measurement) ที่เหมาะในการตรวจวัดประสิทธิภาพ ภาคผนวก ข แสดงรายละเอียดของการทดลองเพื่อเปรียบเทียบประสิทธิภาพของกลุ่มประชากรย่อยที่กำหนดระดับอินทรีย์ที่แตกต่างกันเพื่อทำการศึกษาถึงมาตรวัดที่เหมาะสมนี้ มาตรวัดที่นำมาพิจารณาได้แก่ ค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสม (average fitness value) และ ค่าดีที่สุดของค่าความเหมาะสม (best fitness value)

ของแต่ละกลุ่มประชากรย่อย รายละเอียดการทดลองระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรแบบหลายกลุ่มประชากรย่อยได้นำเสนอในหัวข้อที่ 3.5

3.5 การทดลองระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรแบบหลายกลุ่มประชากรย่อย

3.5.1 ปัญหาที่ใช้ในการทดลอง

ปัญหาที่ใช้ในการทดลองเป็นปัญหาเดียวกันกับปัญหาที่ใช้ในการทดลองระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้บิตต่อ ดังแสดงในหัวข้อ 3.3.1

3.5.2 พารามิเตอร์ที่ใช้ในการทดลอง

พารามิเตอร์ต่างๆที่ใช้ในการทดลองแสดงในตารางที่ 3.7 ในการทดลองมีการใช้กระบวนการ elitism โดนน่วยชีวิตที่ดีที่สุด 10 หน่วยจะถูกคัดเลือกไปเป็นหน่วยชีวิตรุ่นใหม่

ตารางที่ 3.7 พารามิเตอร์ที่ใช้ในการทดลอง

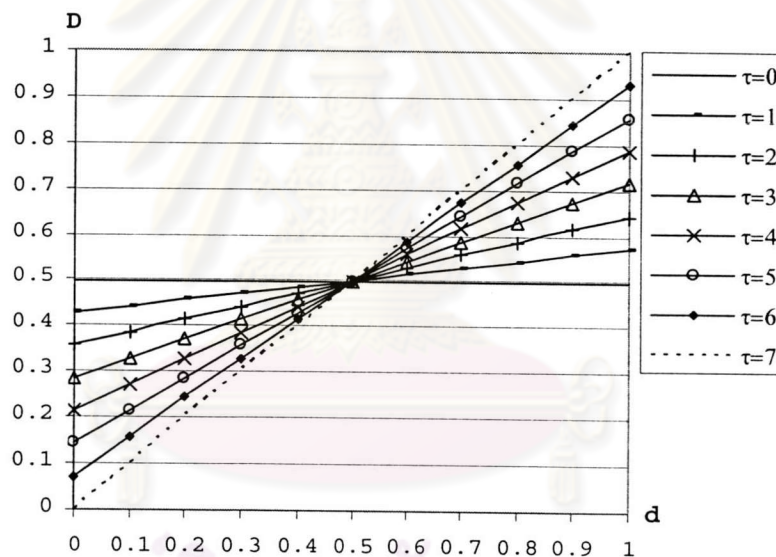
จำนวนกลุ่มประชากรย่อย	8 ($\tau = 0 - 7$)
จำนวนประชากรของหน่วยชีวิต	100
จำนวนหน่วยชีวิต elitism	10
จำนวนหน่วยชีวิตที่ถูกสร้างโดยการไขว้เปลี่ยน	90
อัตราการกลาย	0.0333 ต่อบิต
ขนาดของทัวร์นาเมนต์	3
ความยาวของโครโมโซม	30 บิต
จำนวนรุ่นมากที่สุดของการทดลอง	200
จำนวนครั้งในการทดลองซ้ำ	500
ค่าความเชื่อมั่นในการคำนวณค่าความเพียรพยายามเชิงคำนวณ (z)	99%

ฟังก์ชันความแตกต่างที่ใช้ในระบบการค้นหาความหลากหลายของประชากรแบบหลายกลุ่มประชากรย่อยเป็นฟังก์ชันเชิงเส้นอย่างง่ายตามสมการ

$$D(\tau, d_i) = 0.5 + \frac{\tau}{n-1} (d_i - 0.5) \quad (3.6)$$

- เมื่อ τ แทนค่าของระดับความโอบเอียงที่ใช้
 d_i แทนค่าความแตกต่างระหว่างหน่วยชีวิตแรกและหน่วยชีวิตคู่แข่งที่ i
 และ
 n แทนจำนวนกลุ่มประชากรย่อย

ความสัมพันธ์ระหว่างค่าความแตกต่าง d และค่าจากฟังก์ชันความแตกต่าง D แสดงดังรูปที่ 3.10



รูปที่ 3.10 ความสัมพันธ์ระหว่างค่าความแตกต่าง d และค่าจากฟังก์ชันความแตกต่าง D

3.5.3 ผลการทดลอง

3.5.3.1 ผลการทดลองเปรียบเทียบประสิทธิภาพการแก้ปัญหา

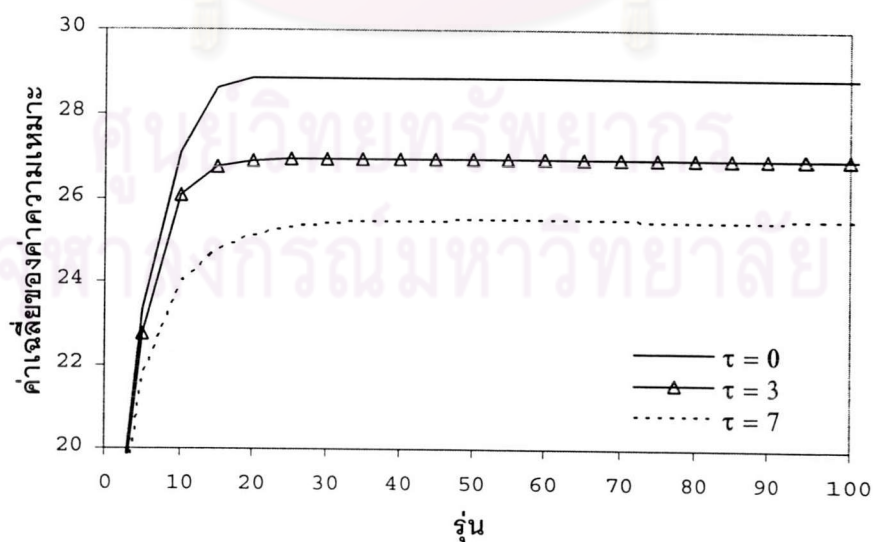
ผลการทดลองเปรียบเทียบประสิทธิภาพการแก้ปัญหาของแต่ละกลุ่มประชากรย่อยแสดงดังตารางที่ 3.8

ตารางที่ 3.8 ความเพียรพยายามเชิงคำนวณของแต่ละกลุ่มประชากรย่อย

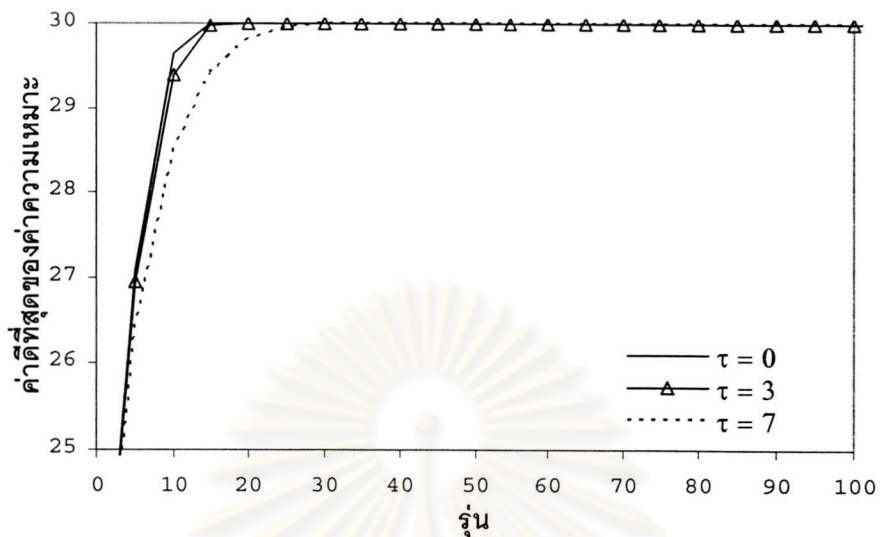
ระดับอินเอียง (τ)	one-max	multimodal	deceptive
0	1,500	45,000	159,200
1	1,400	21,600	94,000
2	1,400	20,400	58,200
3	1,700	16,000	48,600
4	2,100	15,600	39,000
5	2,700	17,000	36,200
6	2,600	15,800	45,300
7	3,100	15,800	39,800

3.5.3.2 การเปรียบเทียบค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสมและค่าที่ดีที่สุดของค่าความเหมาะสม

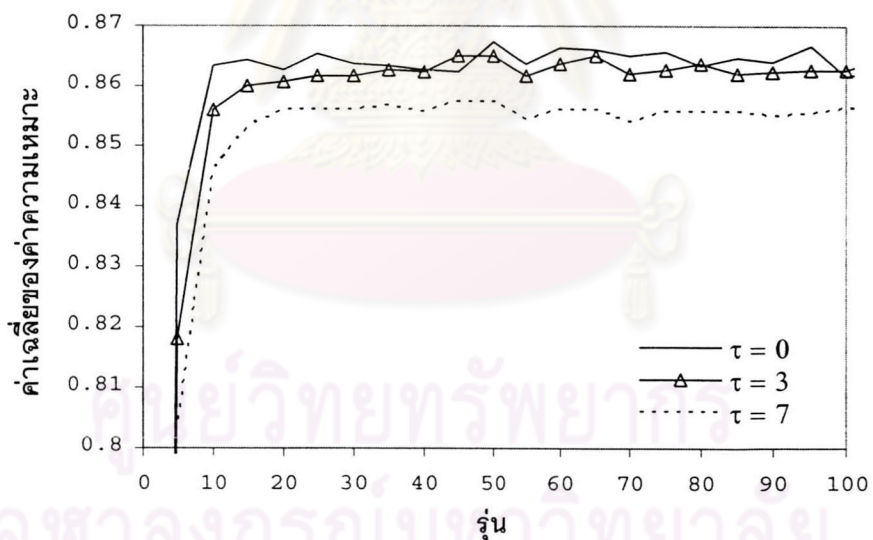
กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสมและค่าที่ดีที่สุดของค่าความเหมาะสมของแต่ละกลุ่มประชากรย่อยสำหรับแต่ละปัญหาแสดงดังรูปที่ 3.11 ถึง 3.16 เพื่อความชัดเจนในการนำเสนอจึงแสดงเฉพาะผลการทดลองของกลุ่มประชากรที่มีระดับอินเอียง 0 3 และ 7 ในกราฟ



รูปที่ 3.11 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสมสำหรับปัญหา one-max

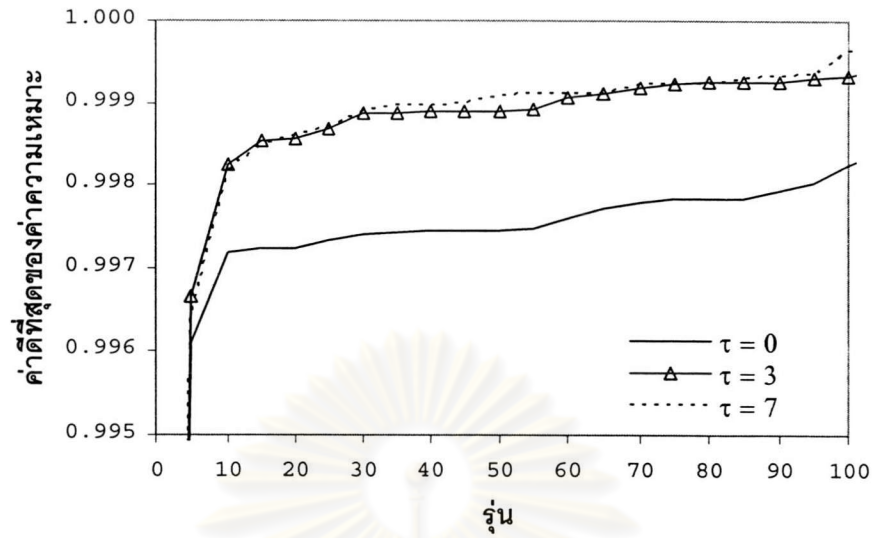


รูปที่ 3.12 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าดีที่สุดของค่าความเหมาะสมสำหรับปัญหา one-max

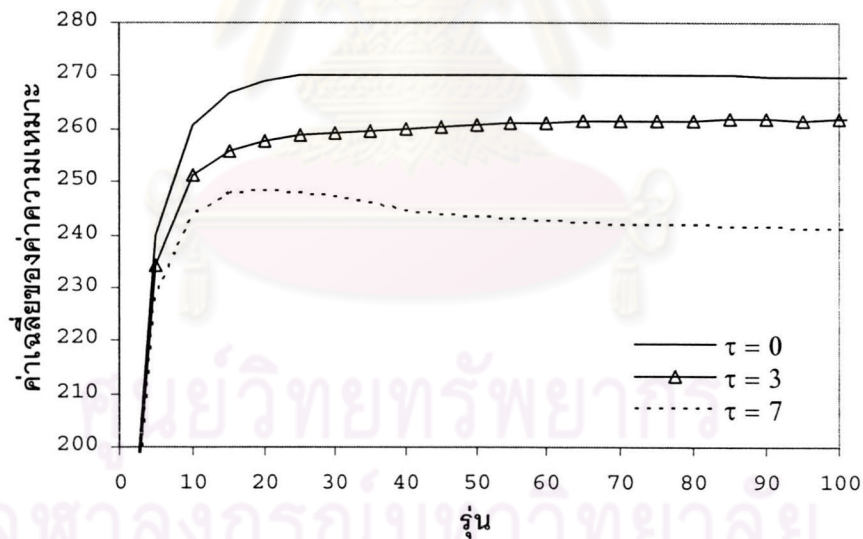


รูปที่ 3.13 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสมสำหรับปัญหาฟังก์ชัน

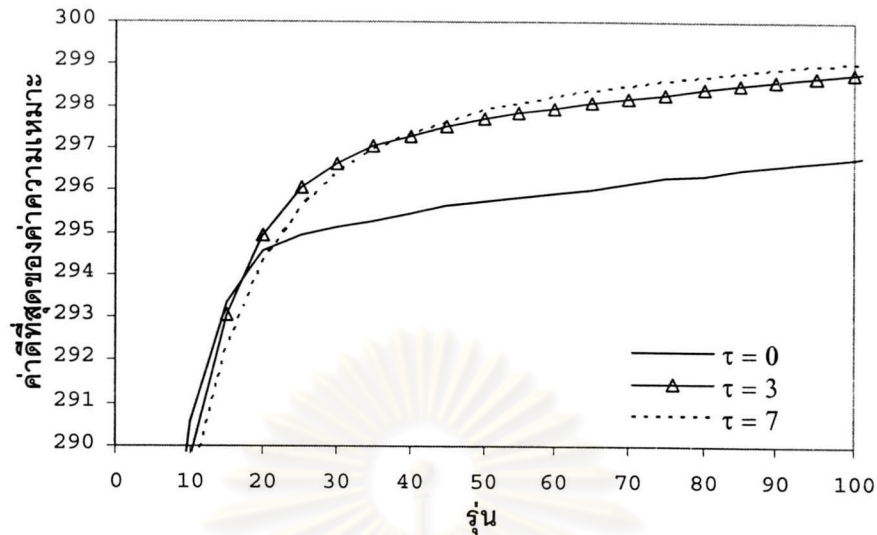
multimodal



รูปที่ 3.14 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าดีที่สุดของค่าความเหมาะสมสำหรับปัญหาฟังก์ชัน
multimodal



รูปที่ 3.15 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสมสำหรับปัญหาฟังก์ชัน
deceptive



รูปที่ 3.16 กราฟแสดงการเปรียบเทียบค่าดีที่สุดของค่าความเหมาะสมสำหรับปัญหาฟังก์ชัน deceptive

ผลการทดลองพบว่าสำหรับปัญหา one-max ซึ่งเป็นปัญหาที่ง่ายที่สุด ระดับอินเอียงที่ 0 เป็นระดับความอินเอียงที่ดีที่สุด ในขณะที่ระดับอินเอียงที่ 7 เป็นระดับอินเอียงที่แย่ที่สุด ซึ่งค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสมและค่าดีที่สุดของค่าความเหมาะสมได้บ่งชี้ไปในทิศทางเดียวกัน สำหรับปัญหาฟังก์ชัน multimodal และปัญหาฟังก์ชัน deceptive ซึ่งเป็นปัญหาที่ยากและต้องการความหลายของประชากรสูง ผลการทดลองมีลักษณะที่แตกต่างออกไป มาตรฐานทั้ง 2 มีลักษณะที่สวนทางกัน กล่าวคือค่าดีที่สุดของค่าความเหมาะสมบ่งชี้ว่าระดับอินเอียงที่ 7 เป็นระดับอินเอียงที่ดีที่สุด ในขณะที่ระดับอินเอียงที่ 0 เป็นระดับอินเอียงที่แย่ที่สุด สำหรับค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสมกลับให้ผลเช่นเดียวกันกับปัญหา one-max ทุกประการโดยบ่งชี้ในทิศทางตรงข้ามกับค่าดีที่สุดของค่าความเหมาะสม

ผลการทดลองแสดงให้เห็นว่าค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสมไม่สามารถใช้เป็นมาตรวัดประสิทธิภาพของกลุ่มประชากรย่อยได้เนื่องจากบ่งชี้ในทิศทางเดียวโดยไม่ขึ้นกับปัญหาที่นำมาทดสอบ ค่าดีที่สุดของค่าความเหมาะสมเป็นมาตรวัดที่มีความแม่นยำมากกว่าจึงเป็นมาตรวัดที่มีความเหมาะสมมากกว่าในการเปรียบเทียบประสิทธิภาพของกลุ่มประชากร อย่างไรก็ตามข้อสังเกตที่ได้จากการทดลองพบว่าค่าดีที่สุดของค่าความเหมาะสมจะบ่งชี้ประสิทธิภาพของกลุ่มประชากรได้อย่างแม่นยำเมื่อผ่านการทำงานไปแล้วระยะหนึ่ง ช่วงระยะเวลาดังกล่าวมีแนวโน้มจะยาวนานขึ้นเมื่อปัญหาที่มีความยากมากขึ้น

ผลการทดลองยังแสดงให้เห็นพฤติกรรมการลู่เข้าสู่คำตอบของกลุ่มประชากรที่มีความหลากหลายต่ำและกลุ่มประชากรที่มีความหลากหลายสูง กล่าวคือกลุ่มประชากรที่มีความหลากหลายต่ำจะมีอัตราการลู่เข้าสู่คำตอบสูงในช่วงต้น อย่างไรก็ตามความสามารถในการลู่เข้ามักถึงขีดจำกัดอย่างรวดเร็วด้วยเช่นกัน สำหรับกลุ่มประชากรที่มีความหลากหลายสูงจะมีอัตราการลู่เข้าสู่คำตอบที่ช้ากว่าหากแต่ถึงขีดจำกัดช้ากว่าด้วยเช่นกัน โดยอาจจะสามารถสร้างคำตอบที่ดีกว่าได้เมื่อเวลาผ่านไป ด้วยเหตุนี้ในการทำงานจริงจะพบว่าการใช้ค่าที่ดีที่สุดของค่าความเหมาะสมเป็นมาตรวัดประสิทธิภาพยังคงมีข้อจำกัด เนื่องจากในการทำงานแบบคู่ขนานของแต่ละกลุ่มประชากรย่อย การตัดสินใจคัดเลือกและยกเลิกการทำงานของกลุ่มประชากรย่อยไม่สามารถทำได้ในช่วงต้นของการทำงานเนื่องจากเป็นการเสี่ยงต่อการตัดสินใจที่ผิด จำเป็นต้องชะลอการตัดสินใจเป็นระยะเวลาหนึ่งซึ่งไม่สามารถระบุเวลาได้แน่ชัด ในทางตรงข้ามการชะลอการตัดสินใจยาวนานเกินไปโดยไม่ยกเลิกการทำงานของกลุ่มประชากรย่อยได้เลย มีผลให้ประสิทธิภาพของการหาคำตอบลดลงเนื่องจากการเพิ่มภาระในการคำนวณ

พฤติกรรมการลู่เข้าสู่คำตอบของกลุ่มประชากรที่มีความหลากหลายต่ำและกลุ่มประชากรที่มีความหลากหลายสูงยังสามารถนำมาอธิบายถึงการวิวัฒนาการระดับอินทรีย์ของระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้บิตต่อซึ่งไม่เป็นไปตามที่คาดหวังได้ กล่าวคือในช่วงต้นของการทำงานหน่วยชีวิตที่มีระดับอินทรีย์ต่ำจะสามารถสร้างหน่วยชีวิตรุ่นใหม่ที่มีคุณภาพสูงกว่า เป็นผลให้ค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสมของหน่วยชีวิตที่มีระดับอินทรีย์ต่ำสูงกว่าหน่วยชีวิตที่มีระดับอินทรีย์สูง ซึ่งโดยกระบวนการคัดเลือกโดยธรรมชาติของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรม ส่งผลให้อัตราส่วนการอยู่รอดของหน่วยชีวิตที่มีระดับอินทรีย์ต่ำมีมากกว่า ทั้งที่หน่วยชีวิตที่มีระดับอินทรีย์สูงอาจสามารถสร้างคำตอบที่ดีกว่าได้ในอนาคต

สาเหตุที่ทำให้กลุ่มประชากรที่มีความหลากหลายต่ำมีอัตราการลู่เข้าสู่คำตอบสูงในช่วงต้นเนื่องมาจากการผสมพันธุ์ระหว่างหน่วยชีวิตที่มีความใกล้เคียงกันมีโอกาสน้อยที่จะได้หน่วยชีวิตรุ่นใหม่ที่มีคุณภาพด้อยลงกว่าเดิม หน่วยชีวิตใหม่ที่ถูกสร้างขึ้นใหม่จะมีลักษณะแตกต่างจากหน่วยชีวิตดั้งเดิมที่ละเล็กที่ละน้อยซึ่งเป็นลักษณะของการเกิดการค้นหาเชิงท้องถิ่น (local search) จึงมีผลให้คุณภาพคำตอบดีขึ้นอย่างรวดเร็ว ในทางกลับกันกลุ่มประชากรที่มีความหลากหลายสูงจะมีอัตราการลู่เข้าที่ต่ำทั้งนี้เป็นผลมาจากการผสมพันธุ์ระหว่างหน่วยชีวิตที่มีความแตกต่างกันมากมีโอกาสสูงที่จะได้หน่วยชีวิตรุ่นใหม่ที่มีคุณภาพด้อยลงกว่าเดิม อย่างไรก็ตามก็เป็นโอกาสให้เกิดหน่วยชีวิตที่มีคุณภาพดีมากซึ่งอาจไม่สามารถเกิดขึ้นได้ในกลุ่มประชากรที่มีความหลากหลายต่ำ

3.6 ระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากัน

จากการทดลองของระบบที่ออกแบบทั้งสองระบบสามารถสรุปปัญหาที่เกิดขึ้นได้ 2 ประการได้แก่ 1) ระบบไม่สามารถวิวัฒนาการความหลากหลายของประชากรในทิศทางที่ถูกต้องหากปล่อยให้กระบวนการวิวัฒนาการของระบบเป็นไปอย่างปกติโดยปราศจากการควบคุมอื่น สัดส่วนของหน่วยชีวิตที่มีความหลากหลายสูงจะลดลงอย่างรวดเร็วจนสูญพันธุ์ในระยะเวลาอันสั้น และ 2) การขาดมาตรวัดที่มีประสิทธิภาพในการตรวจวัดประสิทธิภาพของระบบเพื่อเป็นตัวตัดสินทิศทางในการวิวัฒนาการความหลากหลายของประชากรที่เหมาะสม ในหัวข้อนี้จะได้นำเสนอระบบที่ออกแบบใหม่โดยเรียกชื่อว่า ระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากัน

ระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากันเป็นระบบอย่างง่ายที่ใช้ควบคุมความหลากหลายของประชากรในระหว่างกระบวนการวิวัฒนาการ มีกำหนดสัดส่วนที่เท่ากันในการคัดเลือกหน่วยชีวิตในแต่ละระดับอินทรีย์เพื่อเป็นกระบวนการป้องกันการสูญหายของระดับอินทรีย์ใดๆไปจากกระบวนการวิวัฒนาการอันเป็นผลมาจากการขยายสัดส่วนที่มากเกินไปของหน่วยชีวิตในระดับความอินทรีย์ใดๆ(โดยปกติมักเป็นหน่วยชีวิตที่มีระดับอินทรีย์ต่ำ)

การทำงานของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมที่ใช้ระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากันเริ่มจากการสร้างประชากรของหน่วยชีวิต หน่วยชีวิตแต่ละหน่วยประกอบไปด้วย 2 ส่วนคือส่วนของข้อมูลปกติที่ถูกเข้ารหัสเป็นเลขฐาน 2 ในโครโมโซม และส่วนของระดับอินทรีย์ซึ่งเก็บลักษณะความชอบในการเลือกคู่ที่แตกต่างของหน่วยชีวิตนั้น ส่วนของระดับอินทรีย์ของระบบนี้เป็นคุณสมบัติซ่อนซึ่งไม่ได้ถูกเข้ารหัสในโครโมโซมเหมือนระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้ปิดต่อ หน่วยชีวิตในแต่ละระดับอินทรีย์ถูกกำหนดให้มีจำนวนที่เท่ากัน

ประชากรของหน่วยชีวิตจะถูกตรวจวัดประสิทธิภาพตามกระบวนการของขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมปกติ หากแต่ขั้นตอนในการคัดเลือกหน่วยชีวิตเพื่อทำการผสมพันธุ์และสร้างเป็นหน่วยชีวิตรุ่นใหม่ นั้น จะมีการกำหนดสัดส่วนที่หน่วยชีวิตในแต่ละระดับอินทรีย์จะถูกเลือกเป็นหน่วยชีวิตแรกให้เท่ากัน สำหรับหน่วยชีวิตที่สองที่จะถูกคัดเลือกเพื่อผสมพันธุ์กับหน่วยชีวิตแรกจะเป็นไปตามกระบวนการของการจับคู่แบบอินทรีย์(โดยใช้ระดับอินทรีย์ของหน่วยชีวิตแรกในการคำนวณ)โดยไม่มีกำหนดสัดส่วนบังคับ คุณสมบัติระดับความอินทรีย์ของหน่วยชีวิตแรกและหน่วยชีวิตที่สองจะถูกส่งถ่ายไปยังหน่วยชีวิตใหม่ที่ถูกสร้างขึ้น โดยหน่วยชีวิตใหม่หน่วยหนึ่งจะมีระดับความอินทรีย์เหมือนหน่วยชีวิตแรก และหน่วยชีวิตหน่วยที่เหลือจะมีระดับความอินทรีย์เหมือนหน่วยชีวิตที่สอง

หากกำหนดให้จำนวนประชากรในแต่ละรุ่นมีทั้งสิ้น 400 หน่วยและมีการใช้ระดับโหนดเชิง 4 ระดับ โดยกระบวนการของระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากัน หน่วยชีวิตในแต่ละระดับโหนดเชิงจะมีจำนวนเริ่มแรกเท่ากันคือ $400/4 = 100$ หน่วย การคัดเลือกหน่วยชีวิตเพื่อสร้างเป็นประชากรรุ่นใหม่ต้องทำการคัดเลือกทั้งสิ้น 200 ครั้ง (การคัดเลือก 1 ครั้งสร้างประชากรใหม่ 2 หน่วยชีวิต) โดยถูกกำหนดสัดส่วนที่หน่วยชีวิตในแต่ละระดับโหนดเชิงจะถูกเลือกเป็นหน่วยชีวิตแรกเท่ากันเท่ากับ $200/4 = 50$ หน่วย โดยกระบวนการนี้สามารถรับประกันได้ว่าจำนวนหน่วยชีวิตในแต่ละระดับโหนดเชิงจะมีไม่น้อยกว่า 50 หน่วยในทุกๆรุ่น (กรณีที่หน่วยชีวิตในระดับโหนดเชิงใดๆมีน้อยที่สุดเพียง 50 หน่วยเมื่อหน่วยชีวิตในระดับโหนดเชิงนั้นถูกคัดเลือกเป็นหน่วยชีวิตแรกตามสัดส่วนเท่านั้น โดยไม่ถูกคัดเลือกเป็นหน่วยชีวิตที่สองเลย)

การทดลองของระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากันได้แสดงในหัวข้อที่ 3.7

3.7 การทดลองระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากัน

3.7.1 ปัญหาที่ใช้ในการทดลอง

ปัญหาที่ใช้ในการทดลองเป็นปัญหาเดียวกันกับปัญหาที่ใช้ในการทดลองระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้บิตต่อและระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรแบบหลายกลุ่มประชากรดังแสดงในหัวข้อ 3.3.1 แต่เพิ่มความยาวของโครโมโซมเป็น 45 บิตสำหรับปัญหาฟังก์ชัน deceptive ถูกเพิ่มจำนวนท่อนเป็น 15 ท่อน

3.7.2 พารามิเตอร์ที่ใช้ในการทดลอง

พารามิเตอร์ต่างๆที่ใช้ในการทดลองแสดงในตารางที่ 3.9 ในการทดลองไม่มีการใช้กระบวนการ elitism ประชากรของหน่วยชีวิตทั้งหมดจึงถูกสร้างจากตัวปฏิบัติการไขว้เปลี่ยน และไม่มีการใช้ตัวปฏิบัติการกลายในการทดลอง

ตารางที่ 3.9 พารามิเตอร์ที่ใช้ในการทดลอง

จำนวนประชากรของหน่วยชีวิต	400
จำนวนระดับโหนดเชิง	4 ($\tau = 0-3$)
ขนาดของทัวร์นาเมนต์	3
ความยาวของโครโมโซม	45 บิต
จำนวนรุ่นมากที่สุดของการทดลอง	200
จำนวนครั้งในการทดลองซ้ำ	500
ค่าความเชื่อมั่นในการคำนวณค่าความเพียรพยายาม เชิงคำนวณ (z)	99%

ฟังก์ชันความแตกต่างที่ใช้ในระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากัน เป็นฟังก์ชันเชิงเส้นอย่างง่ายตามสมการที่ 3.2 ในหัวข้อ 3.1

3.7.3 ผลการทดลอง

3.7.3.1 ผลการทดลองเปรียบเทียบประสิทธิภาพการแก้ปัญหา

ผลการทดลองเปรียบเทียบประสิทธิภาพการแก้ปัญหาระหว่างระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากันกับขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมปกติ แสดงดังตารางที่ 3.10 ถึง 3.12 โดยผลการทดลองแสดงให้เห็นว่าสำหรับปัญหาฟังก์ชัน deceptive และฟังก์ชัน multimodal ที่เป็นปัญหายากและต้องการความหลากหลายของประชากรสูง ระบบที่ออกแบบมีประสิทธิภาพที่ดีกว่าขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมปกติ

ตารางที่ 3.10 เปอร์เซนต์ของความสำเร็จ

ปัญหา	ขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรมปกติ	ระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากัน
one-max	500	500
multimodal	37	339
deceptive	265	474

ตารางที่ 3.11 จำนวนรุ่นเฉลี่ยที่ใช้ในการหาคำตอบ

ปัญหา	ขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรม ปกติ	ระบบแบ่งส่วนความหลากหลาย ของประชากรแบบเท่ากัน
one-max	11.44	16.99
multimodal	27.68	43.74
deceptive	18.69	27.82

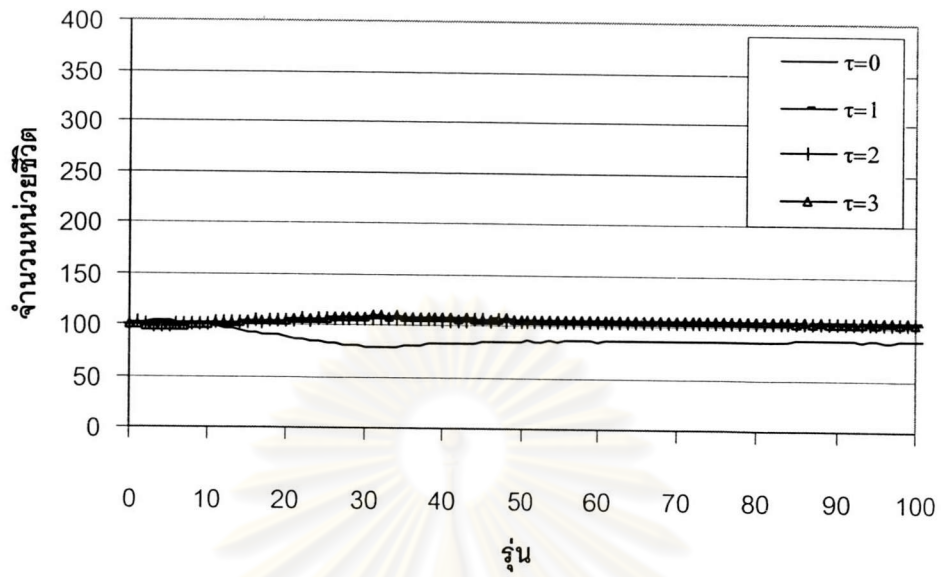
ตารางที่ 3.12 ความเพียรพยายามเชิงคำนวณ

ปัญหา	ขั้นตอนวิธีเชิงพันธุกรรม ปกติ	ระบบแบ่งส่วนความหลากหลาย ของประชากรแบบเท่ากัน
one-max	6,000	8,800
multimodal	870,400	94,000
deceptive	64,400	28,000

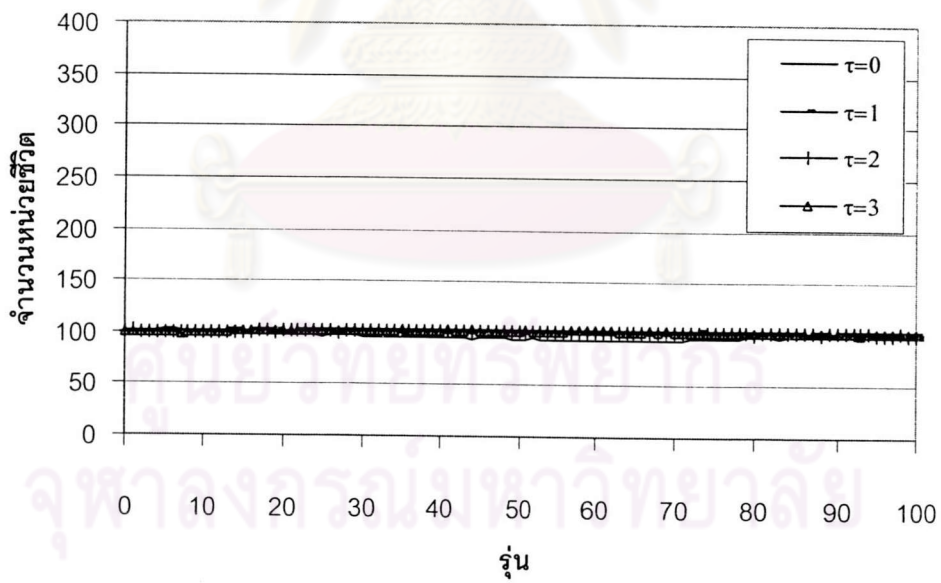
3.7.3.2 การวิวัฒนาการของระดับอินเอียง

การวิวัฒนาการของระดับอินเอียงของระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากันแสดงดังรูปที่ 3.17 ถึง 3.19 ซึ่งพบว่าหน่วยชีวิตของแต่ละระดับอินเอียงมีจำนวนเท่าๆกันตลอดการทดลองอันเป็นผลมาจากการกลไกการควบคุมของระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากัน

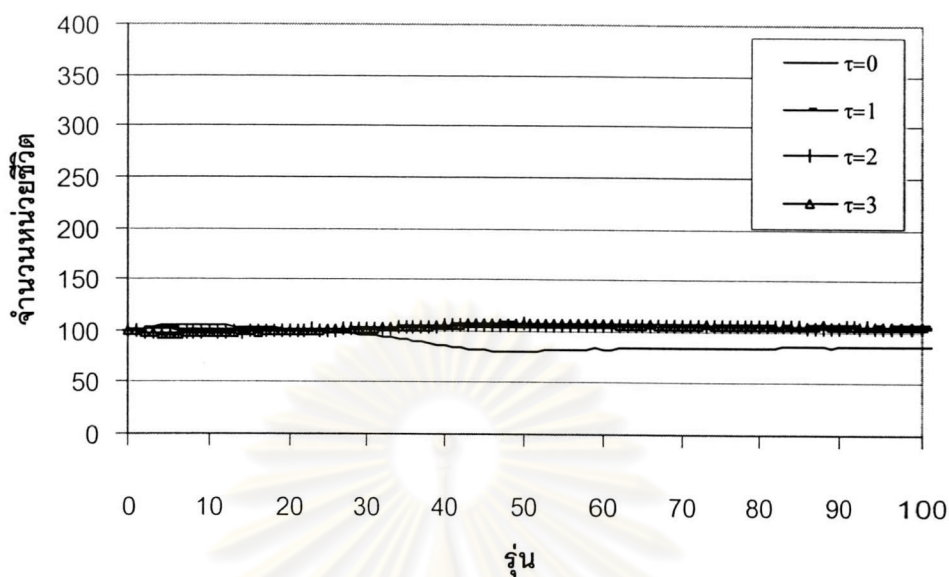
ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



รูปที่ 3.17 การวิวัฒนาการของระดับอินทรีย์ของปัญหา one-max



รูปที่ 3.18 การวิวัฒนาการของระดับอินทรีย์ของปัญหาฟังก์ชัน multimodal

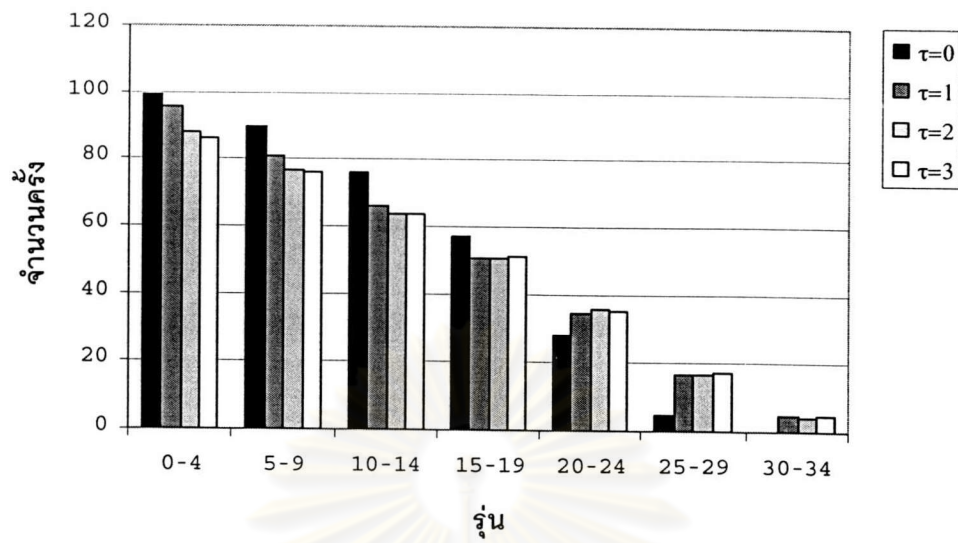


รูปที่ 3.19 การวิวัฒนาการของระดับอินทรีย์ของปัญหาฟังก์ชัน *deceptive*

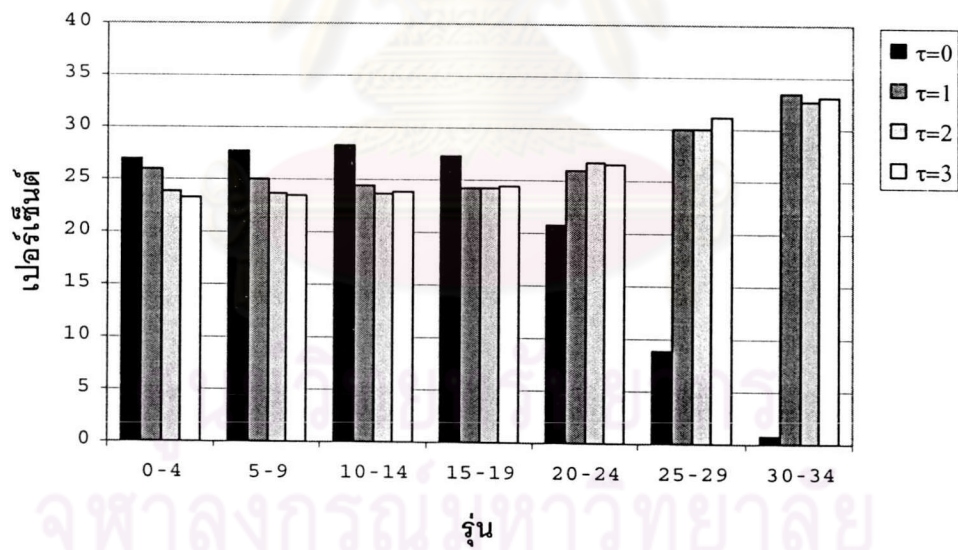
3.7.3.3 การวิวัฒนาการของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จ

ในการทดลองได้ทำการตรวจนับ จำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของแต่ละระดับอินทรีย์ ซึ่งเป็นจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่สามารถสร้างหน่วยชีวิตที่ดีขึ้นกว่าหน่วยชีวิตเดิมอย่างน้อย 1 หน่วย (รายละเอียดจะกล่าวในหัวข้อที่ 3.8) ในกระบวนการวิวัฒนาการ แนวโน้มของการเกิดการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จจะมีแนวโน้มลดลงเป็นลำดับ เนื่องจาก การสร้างประชากรที่ดียิ่งขึ้นเมื่อกระบวนการวิวัฒนาการเข้าใกล้ขีดจำกัดเป็นไปได้ยากขึ้นเรื่อยๆ ผลการทดลองในส่วนนี้จะได้ตรวจนับการเกิดการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของแต่ละระดับอินทรีย์ใน 2 รูปแบบ ได้แก่จำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จ และอัตราการเกิดการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จ ซึ่งเป็นการคำนวณอัตราส่วนเป็นเปอร์เซ็นต์ของจำนวนครั้งของการเกิดการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของระดับอินทรีย์ใดๆ ต่อจำนวนครั้งของการเกิดการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จทั้งหมดในช่วงรุ่นนั้นๆ

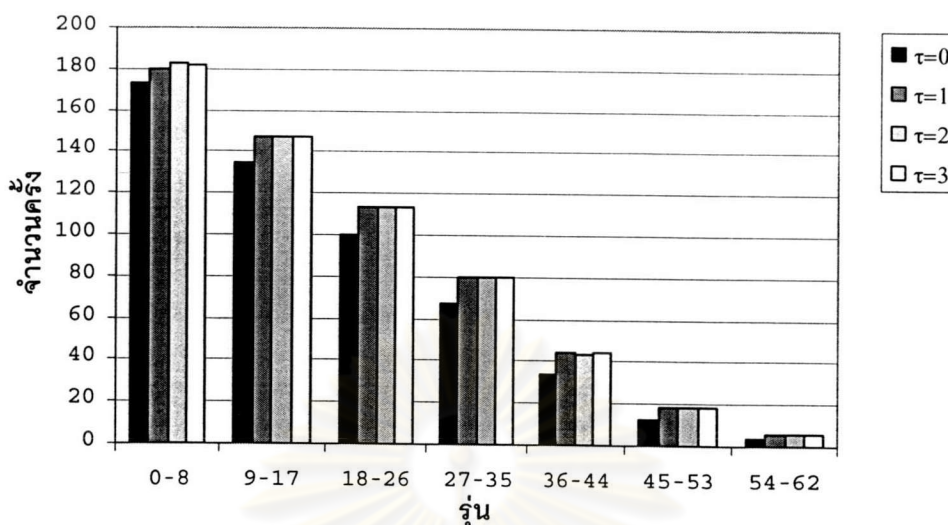
เนื่องจากแต่ละปัญหาที่ใช้ในการทดลองมีความยากง่ายไม่เท่ากัน กระบวนการวิวัฒนาการ คำตอบจนถึงขีดจำกัด (ไม่สามารถสร้างคำตอบที่ดีขึ้นได้อีก) จึงใช้จำนวนรุ่นที่ต้องประมวลผลต่างกัน จำนวนรุ่นที่ต้องประมวลผลจนถึงขีดจำกัดจะถูกแบ่งออก 7 ช่วงรุ่นเท่าๆกัน และแสดงผล ดังรูปที่ 3.20 ถึง 3.25



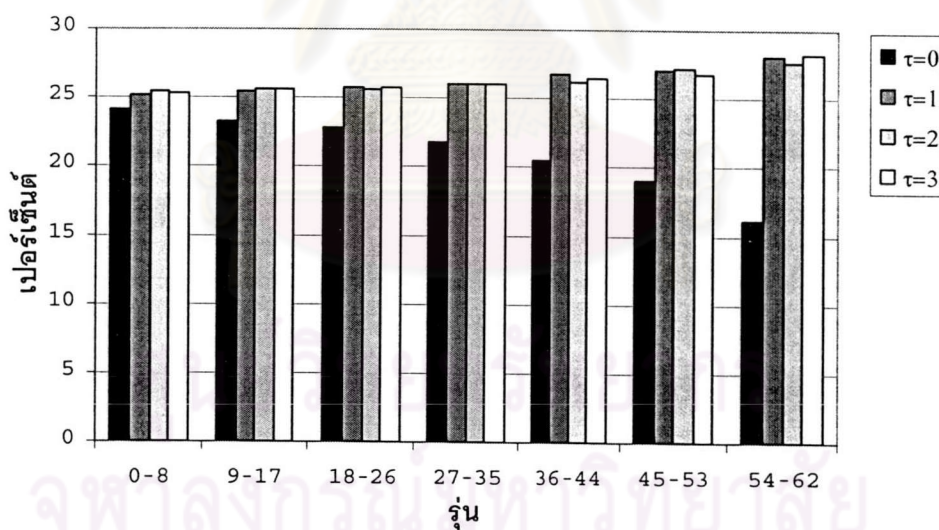
รูปที่ 3.20 การวิวัฒนาการของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของปัญหา *one-max*



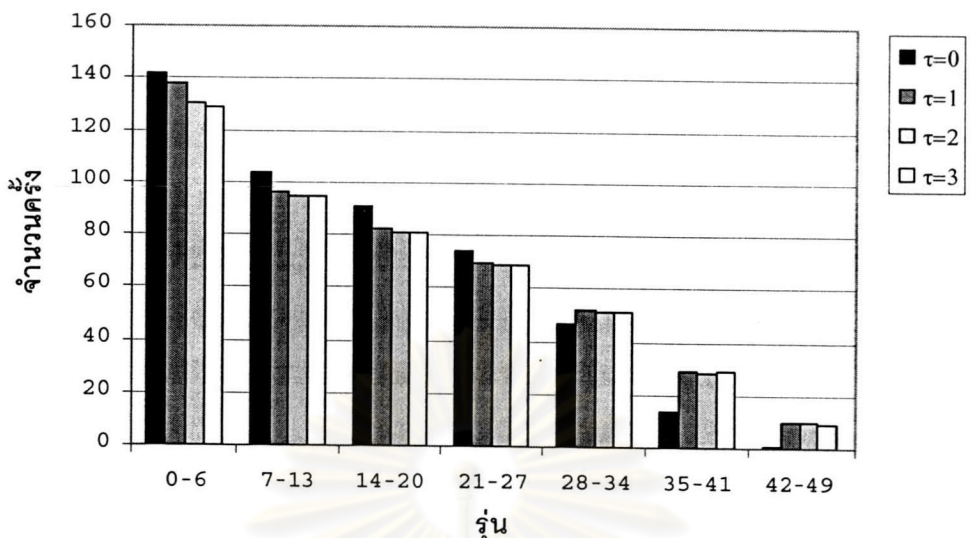
รูปที่ 3.21 การวิวัฒนาการของอัตราของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของปัญหา *one-max*



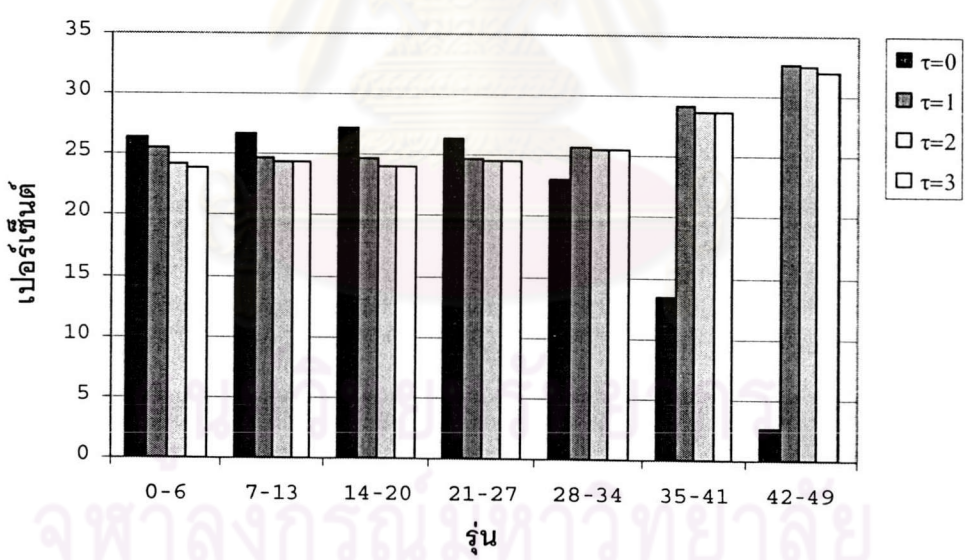
รูปที่ 3.22 การวิวัฒนาการของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของปัญหาฟังก์ชัน multimodal



รูปที่ 3.23 การวิวัฒนาการของอัตราของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของปัญหาฟังก์ชัน multimodal



รูปที่ 3.24 การวิวัฒนาการของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของปัญหาฟังก์ชัน deceptive



รูปที่ 3.25 การวิวัฒนาการของอัตราของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของปัญหาฟังก์ชัน deceptive

จากการทดลองพบว่าอัตราส่วนของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของแต่ละระดับอินเอียงสามารถบ่งบอกถึงระดับอินเอียงที่เหมาะสมสำหรับปัญหาได้ สำหรับปัญหา one-max อัตราส่วนของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของระดับอินเอียง

เอียง 0 มีมากที่สุดตั้งแต่รุ่นแรกๆของการทดลองแสดงให้เห็นว่าปัญหา one-max เป็นปัญหาที่ต้องความหลากหลายของประชากรต่ำ ในทางกลับกันสำหรับปัญหาฟังก์ชัน multimodal อัตราส่วนของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของระดับอินเอียง 3 มีมากที่สุดแสดงให้เห็นว่าปัญหาฟังก์ชัน multimodal เป็นปัญหาที่ต้องความหลากหลายของประชากรสูง สำหรับปัญหาฟังก์ชัน deceptive เป็นปัญหาเดียวที่อัตราส่วนของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จไม่สามารถบ่งบอกระดับอินเอียงที่เหมาะสมสำหรับปัญหาได้ โดยอัตราส่วนของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของปัญหาฟังก์ชัน deceptive มีลักษณะที่เหมือนกันกับปัญหา one-max ทั้งที่ปัญหาฟังก์ชัน deceptive เป็นปัญหาที่ต้องการความหลากหลายสูง

ข้อสังเกตประการหนึ่งจากกราฟแสดงอัตราส่วนของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของแต่ละระดับอินเอียงคือ เมื่อกระบวนการวิวัฒนาการดำเนินไประยะหนึ่ง อัตราส่วนของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จของระดับอินเอียง 0 จะลดลงอย่างเห็นได้ชัดแม้แต่กับปัญหา one-max ซึ่งเป็นปัญหาที่ต้องการความหลากหลายของประชากรต่ำก็ตาม ทั้งนี้เป็นเพราะหน่วยชีวิตที่มีระดับอินเอียง 0 วิวัฒนาการถึงขีดจำกัดอย่างรวดเร็ว อีกทั้งในการทดลองได้ยกเลิกการใช้ตัวปฏิบัติการกลาย (mutation) จึงเป็นผลให้ไม่สามารถสร้างหน่วยชีวิตที่ดียิ่งขึ้นได้อีกต่อไป

3.8 การสร้างประโยชน์

จากผลการทดลองระบบแบ่งส่วนความหลากหลายของประชากรแบบเท่ากันในหัวข้อ 3.7 พบว่าจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จสามารถบ่งบอกถึงระดับอินเอียงที่เหมาะสมสำหรับปัญหาได้เป็นอย่างดี (ยกเว้นปัญหาฟังก์ชัน deceptive) จึงมีแนวคิดในการสร้างมาตรวัดประสิทธิภาพใหม่โดยใช้พื้นฐานของจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จ โดยจะเรียกมาตรวัดใหม่ที่สร้างขึ้นว่า การสร้างประโยชน์ (contribution) ซึ่งนิยามตามสมการ

$$\text{การสร้างประโยชน์}(\tau) = \frac{\text{จำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ประสบความสำเร็จ}(\tau)}{\text{จำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยน}(\tau)} \quad (3.7)$$

เมื่อ τ	แทนระดับความอินเอียง
การสร้างประโยชน์(τ)	แทนการสร้างประโยชน์ของระดับความอินเอียง τ

จำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยน(τ)	แทนจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนซึ่งใช้ระดับโหนด เอียง τ ในการคำนวณตามกระบวนการของการ จับคู่แบบโหนดเอียง และ
จำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนที่ ประสบความสำเร็จ(τ)	แทนจำนวนครั้งของการไขว้เปลี่ยนซึ่งใช้ระดับโหนด เอียง τ ในการคำนวณตามกระบวนการของการ จับคู่แบบโหนดเอียง ที่สามารถสร้างหน่วยชีวิตรุ่นใหม่ ที่ดีขึ้นอย่างน้อย 1 จาก 2 หน่วยชีวิต โดยประเมิน จากค่าความเหมาะสม

โดยสรุปการสร้างประโยชน์คือการวัดอัตราการสร้างหน่วยชีวิตที่ดียิ่งขึ้นสำหรับหน่วยชีวิต
ในแต่ละระดับโหนดเอียง ระดับโหนดเอียงที่มีการสร้างประโยชน์สูงแสดงถึงความเหมาะสมที่จะใช้
การแก้ปัญหา การสร้างประโยชน์จะถูกนำมาใช้เป็นมาตรวัดประสิทธิภาพของแต่ละระดับโหนด
เอียงแทนมาตรวัดเดิม(ค่าเฉลี่ยของค่าความเหมาะสม และค่าที่ดีที่สุดของค่าความเหมาะสม)ที่มีปัญหา
และข้อจำกัดในการทำงาน การสร้างประโยชน์จะตรวจวัดเฉพาะจำนวนครั้งในการสร้างหน่วยชีวิต
ที่ดีขึ้นแทนการตรวจวัดปริมาณค่าความเหมาะสมที่สูงขึ้น ซึ่งจำนวนครั้งในการสร้างหน่วยชีวิตที่ดีขึ้น
ของแต่ละระดับโหนดเอียงจะมีปริมาณที่ไม่แตกต่างกันมากในช่วงแรก แต่จะค่อยๆแตกต่างกันมาก
ขึ้นเมื่อเวลาผ่านไป ด้วยกลไกนี้ทำให้สามารถหลีกเลี่ยงการที่ระดับโหนดเอียงใดระดับหนึ่งเพิ่ม
สัดส่วนขึ้นอย่างรวดเร็วเกินไปจนทำระดับโหนดเอียงอื่นสูญหายไปจากกระบวนการวิวัฒนาการ
อย่างรวดเร็ว อีกทั้งความแตกต่างของการสร้างประโยชน์ที่เกิดขึ้นที่ละเล็กละน้อยอีกทั้งยังเป็น
กระบวนการที่ช่วยชะลอการตัดสินใจในการคัดเลือกระดับโหนดเอียงที่เหมาะสมกับปัญหาเป็นผล
ให้การตัดสินใจเป็นไปอย่างถูกต้อง

3.9 ระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้การสร้างประโยชน์

ระบบการควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้การสร้างประโยชน์เป็นระบบที่
ออกแบบเพื่อแก้ไขปัญหาการวิวัฒนาการของความหลากหลายของประชากรไปยังทิศทางที่
ผิดพลาด กลไกที่นำมาใช้คือการตรวจวัดความเหมาะสมของแต่ละระดับโหนดเอียงโดยใช้การสร้าง
ประโยชน์ ระดับโหนดเอียงที่มีการสร้างประโยชน์สูงจะถูกใช้งานเพิ่มขึ้นในขณะที่ระดับโหนดเอียงที่มี
การสร้างประโยชน์ต่ำจะถูกใช้งานลดลง หนึ่งในระบบที่ออกแบบใหม่นี้ระดับโหนดเอียงไม่ได้เป็น

คุณลักษณะซึ่งฝังติดอยู่กับหน่วยชีวิต หากแต่ในการไขว้เปลี่ยนแต่ละครั้งระดับอินทรีย์แต่ละระดับจะถูกนำมาใช้ ความสำเร็จของการถูกใช้งานของแต่ละระดับอินทรีย์จะเป็นสัดส่วนตรงกับการสร้างประโยชน์ของระดับอินทรีย์นั้น

ขั้นตอนการทำงานของระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้การสร้างประโยชน์แสดงดังรูปที่ 3.26 โดยการทดลองของระบบนี้จะได้นำเสนอในบทต่อไป

1. สร้างประชากรของหน่วยชีวิตโดยการสุ่ม
2. ตรวจสอบวัดค่าความเหมาะสมของแต่ละหน่วยชีวิต
3. กำหนดการสร้างประโยชน์ของแต่ละระดับอินทรีย์ให้เท่ากันในระยะแรก
4. คัดเลือกหน่วยชีวิตหน่วยแรกและหน่วยที่สองตามกระบวนการของการจับคู่แบบอินทรีย์ โอกาสที่ระดับอินทรีย์แต่ละระดับจะถูกนำมาใช้เป็นสัดส่วนตรงกับการสร้างประโยชน์ของระดับอินทรีย์นั้น
5. สร้างหน่วยชีวิตรุ่นใหม่จากการไขว้เปลี่ยน
6. ดำเนินการตามขั้นตอนที่ 4 และ 5 จนได้ประชากรของหน่วยชีวิตรุ่นใหม่ครบถ้วน
7. ตรวจสอบวัดค่าความเหมาะสมของหน่วยชีวิตรุ่นใหม่แต่ละหน่วย
8. เปรียบเทียบค่าความเหมาะสมของหน่วยชีวิตรุ่นใหม่แต่ละหน่วยกับหน่วยชีวิตรุ่นเดิมที่เป็นพ่อแม่ (parental individual) และทำการคำนวณการสร้างประโยชน์ของแต่ละระดับอินทรีย์
9. ดำเนินการตามขั้นตอนที่ 4 ถึง 8 จนครบจำนวนรุ่นสูงสุดที่กำหนด

รูปที่ 3.26 ขั้นตอนการทำงานของระบบควบคุมความหลากหลายของประชากรโดยใช้การสร้างประโยชน์

ศูนย์วิทยทรัพยากร
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย