

TM
91-3-8

รายงานฉบับสมบูรณ์
ทุนวิจัยงบประมาณแผ่นดินประจำปี

2532

เรื่อง



การคัดเลือกบุคคลที่เรียนเคมีที่สามารถสร้าง
เอนไซม์เดกซ์แทรนเนส
และ
การศึกษสมบัติของเอนไซม์ทางชีวเคมี

โดย

ผศ.ดร. สุเทพ ธีนิวัฒน์

ภาควิชาจุลชีววิทยา

คณะวิทยาศาสตร์

เสนอต่อ

ฝ่ายวิจัยคณะวิทยาศาสตร์

จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

20 กรกฎาคม 2533



บทคัดย่อ

การวิจัยนี้ได้ทำการคัดแยกแบคทีเรียที่เรื้อรังเดิมจากตัวอย่าง ดิน เสน และน้ำทะเล จากแหล่งบริเวณชายฝั่งทะเลของประเทศไทย จากแบคทีเรียทั้งหมดที่แยกได้ 1,092 สายพันธุ์ มีอยู่ 19 สายพันธุ์ที่สามารถสร้างเอนไซม์เคกซ์แทรนเนสได้ จึงได้คัดเลือกสายพันธุ์ Z-10 ซึ่งภายหลังพบว่า เป็นเชื้อ Micrococcus ที่ให้ความกว้างของบริเวณใสมากที่สุดมาศึกษาต่อไป

การสร้างเอนไซม์เคกซ์แทรนเนสโดยเชื้อ Z-10 นี้เกิดได้ดีในอาหารสูตร Yamaguchi เมื่อเทียบกับสูตรอื่น ๆ สภาวะการเลี้ยงเชื้อที่ให้เอนไซม์เคกซ์แทรนเนสคือเลี้ยงที่ 30°C ความเป็นกรดค้างเริ่มต้นเท่ากับ 9 พบว่าระบบการควบคุมการสร้างเอนไซม์เคกซ์แทรนเนสเป็นชนิด induction โดยมีลิซเตรทเคกซ์แทรนเป็น inducer สูตรอาหาร Yamaguchi ได้รับการปรับปรุงจนเชื้อ Z-10 สามารถสร้างเอนไซม์ในปริมาณ 13 หน่วยต่อมล.อาหารเลี้ยงเชื้อหรือเพิ่มขึ้นกว่าการใช้สูตรที่ยังไม่ได้รับการปรับปรุง 33 เท่า นอกจากนี้ยังได้ทดสอบหาสภาวะที่เหมาะสมสำหรับการทำงานของเอนไซม์อีกด้วย สำหรับเอนไซม์นี้พบว่ามีเฉพาะต่อการย่อยเคกซ์แทรนชนิด α -1,6 แต่ไม่พบแอกติวิตีชนิด α -1,3 หรืออื่น ๆ โดยเอนไซม์ที่ได้รับการทำให้อยู่ในรูปกึ่งบริสุทธิ์โดยการตกตะกอนด้วย NH_4SO_4 โครมาโตกราฟีบน Sepharose-4B และผ่านบน DEAE-cellulose จะมีค่า $K_m = 0.558 \times 10^{-6}$ M ต่อ เคกซ์แทรน T-2000

บทนำ

ฟันผุ (dental caries) เป็นอาการกร่อนของเนื้อฟันอันสืบเนื่องจากการกัดกร่อนโดยกรดอินทรีย์ที่ปล่อยออกมาโดยจุลชีพในช่องปาก (10) ปัญหาฟันผุนี้เป็นปัญหาใหญ่ทางด้านสาธารณสุขของทั่วโลก ในแต่ละปีประชากรโลกต้องสูญเสียเงินเป็นจำนวนมากเพื่อรักษาอาการฟันผุนี้ สาเหตุใหญ่ของอาการฟันผุนี้ได้แก่จุลชีพในช่องปากและการบริโภคน้ำตาล sucrose (2,22) หรือที่เราเรียกกันดีในชื่อของน้ำตาลทราย (cane sugar) ในแง่ของจุลชีพนั้น จุลินทรีย์ที่พบเป็นสาเหตุของอาการนี้มีอยู่หลายกลุ่มอันได้แก่ Actinomycetes, Lactobacilli และ Streptococci (10,16) ในจุลินทรีย์กลุ่มต่าง ๆ เหล่านี้พบว่า Streptococci โดยเฉพาะ Streptococcus mutans (4)

เป็นสาเหตุที่สำคัญของการทำให้เกิดฟันผุชนิดผิวเรียบ (smooth surface caries) และเนื่องจากฟันผุชนิดนี้พบได้มากกว่า 90% ของอาการฟันผุทั้งหมดการวิจัยหาวิธีป้องกันฟันผุจึงได้เน้นถึงระบบนี้

กลไกของการเกิดฟันผุ เริ่มโดยการจับเกาะ (adherence) ของเชื้อกับผิวฟันซึ่งมีไกลโคโปรตีนจากน้ำลาย (salivary glycoprotein) และเศษอาหารจับกันอยู่ในรูปของ plaque (10, 11, 23) คุณสมบัติอย่างหนึ่งของเชื้อนี้คือความสามารถในการสร้างเอนไซม์ dextransucrase หรือ glucosyltransferase (GTF) เอนไซม์นี้ใช้ sucrose เป็น substrate ได้โดยจะ hydrolyse ซูโครสซึ่งเป็น disaccharide ของน้ำตาลกลูโคสและฟรุคโตสให้เป็น homopolymer ของ D-glucose ที่เรียกว่า dextran หรือ glucan (19) และปล่อย free fructose ออกมา ดังสมการ



dextran หรือ glucan นี้เป็นหน่วยของ ดี-กลูโคสที่เชื่อมกันอยู่ด้วยพันธะชนิด α -1,6-glycosidic นอกจากนี้แล้วสาย glucan นี้ยังมีการแตกกิ่ง (branching) โดยพันธะชนิด α -1,3-glycosidic โดยการแตกกิ่งนี้จะทำให้ glucan นี้ละลายน้ำไม่ได้ เป็น water insoluble glucan ซึ่งมีลักษณะเหนียว (5) คุณสมบัติของ water insoluble glucan อันนี้เองที่ทำให้เกิดมีการจับเกาะชนิดที่ secondary attachment ในรูปของ colonization ขึ้น (9, 11) โดยการจับเกาะชนิดหลังนี้จะมีปริมาณของเชื้อเพิ่มมากขึ้นกว่าเดิมมาก เมื่อเรบริโคน้ำตาลเข้าไป จุลชีพจะใช้น้ำตาลพร้อมกับการปล่อยกรดอินทรีย์ เช่น lactic acid, propionic acid ออกมา (10) กรดเหล่านี้จะกัดกร่อนเคลือบฟันและเนื้อฟันทำให้เกิดฟันผุได้

ในแง่ของน้ำตาล เนื่องจากน้ำตาลทรายหรือ sucrose นี้เป็นน้ำตาลที่ใช้กันแพร่หลายทั่วโลกเนื่องจากราคาถูก หาง่ายและมีรสชาติถูกปากกว่าน้ำตาลชนิดอื่น ๆ อีกทั้งต้นทุนน้อยซึ่งเป็นแหล่งที่มาของน้ำตาลทรายนี้จัดเป็นพืชเศรษฐกิจของหลาย ๆ ประเทศรวมทั้งประเทศไทยด้วย ถึงแม้เราจะทราบว่าน้ำตาลทรายนี้เป็นสาเหตุใหญ่ของการเกิดฟันผุก็ตาม (เนื่องจากเป็นสับสเตรทของเอนไซม์ GTF ซึ่งกล่าวมาแล้วข้างต้น) แต่เนื่องจาก

เหตุผลดังกล่าวจึงยังทำให้เราบริโภคน้ำตาลทรายกันอยู่ ดังนั้นปัญหาฟันผุจึงยังเป็นปัญหาทางสาธารณสุขที่ยังแก้ไม่ตกจนทุกวันนี้

ได้มีผู้ทำการวิจัยและเสนอวิธีการต่าง ๆ เพื่อป้องกันฟันผุโดยวิธีการต่าง ๆ ซึ่งพอจะสรุปได้ดังนี้

1. การใช้สาร fluoride เติมลงในยาสีฟันและน้ำดื่ม (12,13) วิธีการนี้ได้ใช้กันอย่างแพร่หลายทั่วโลก พบว่าการใช้ fluoride ในรูปของสองวิธีนี้สามารถลดปริมาณของการเกิดฟันผุได้ประมาณ 50% แต่ก็ยังมีคนไข้บางคนที่แปรงฟันวันละสองครั้งอย่างสม่ำเสมอและดื่มน้ำที่มี fluoride ก็ยังเกิดฟันผุได้

2. การใช้น้ำตาลอื่น ๆ ที่ไม่ใช่สับสเตรทของเอนไซม์ GTF เป็นแหล่งของความหวาน วิธีการนี้ได้มีการใช้กันมาข้างแล้ว เช่น การใช้ saccharin, cyclamate หรือการใช้น้ำตาล sorbitol (18) ผสมลงในอาหารและหมากฝรั่งในกรณีหลัง แต่เนื่องจากรสชาติและปัญหาทางเศรษฐกิจจึงทำให้ไม่เป็นที่ยอมรับกัน ในระยะสองสามปีหลังนี้ได้มีการนำสารโปรตีนที่มีความหวานมาใช้แทนน้ำตาล เช่น monellin และที่รู้จักกันดีและผลดีออกมาในเชิงพาณิชย์แล้วคือ aspartame ในแง่ของการใช้โปรตีนหรือกรดอะมิโนนี้เป็นวิธีการที่ดีแต่มีข้อจำกัดที่ไม่สามารถใช้ในกรณีอุณหภูมิสูงเนื่องจากโปรตีนจะถูกทำลายทำให้สูญเสียรสหวานได้อีกทั้งในกรณีผู้ป่วย α -ketourea จะใช้ aspartame ไม่ได้

3. การใช้สารปฏิชีวนะ (antibiotics) เพื่อฆ่าเชื้อในช่องปาก (6,14) วิธีนี้ไม่เป็นที่นิยมเนื่องจากต้องใช้ยาอยู่ตลอดเวลาอาจมีพิษจากผลข้างเคียง การต้านยาของเชื้อและอาจเกิด suprainfection ได้

4. การใช้สารที่เป็นตัวยับยั้งของเอนไซม์ GTF เช่น น้ำตาล fructose, pyridoxal-5-phosphate เป็นต้น (2,26) แต่สารส่วนใหญ่ที่พบยังไม่มียุทธศาสตร์ที่คิดพอต้องใช้ในปริมาณสูง

5. การใช้สารเคลือบฟันไม่ให้เกิด primary adherence เช่น spermine, สารพวก lectin (10) เพื่อเกาะจุลชีพ (attachment site) ไม่ให้จุลชีพจับเกาะในช่วงแรก วิธีนี้ยังไม่ได้ผลในระดับที่พึงพอใจนัก

6. การใช้เอนไซม์ dextranase ซึ่งย่อยสลายพันธะ α -1,6 และ α -1,3-glycosidic linkage (7,15,19) วิธีนี้เป็นวิธีจำเพาะโดยเอนไซม์นี้จะย่อยสลายสาย dextran ให้เป็นหน่วยย่อยของกลูโคส และเมื่อบวกกับการย่อยกิ่ง 1,3

วิธีการดำเนินงานวิจัย

การคัดเลือก (screening) แบคทีเรียที่สามารถผลิตเอนไซม์เคอร์แทรนเนส
 จากตัวอย่างน้ำทะเลและดินเลนตามชายฝั่งทะเลในประเทศไทย

1.) การคัดแยกโดยใช้อาหารเลี้ยงเชื้อแข็ง (solid medium)

1.1) ชั่งตัวอย่างน้ำทะเล 1 มล. หรือดินเลนตัวอย่าง 1 กรัม ใส่ลงในหลอดทดลอง
 ที่มีน้ำทะเลเทียมหนึ่งฝา: หรือแล้ว 9 มล. ผสมให้เข้ากันด้วยเครื่องปั่นผสม (vortex mixer)
 นำไปเจือจางตามลำดับแล้วคัดสารแขวนลอยในแต่ละความเข้มข้นมา 0.1 มล. เกลี่ยลงบน
 อาหารเลี้ยงเชื้อตามสูตร Artificial Seawater ด้วยแท่งแก้วอให้ทั่วผิวหน้าอาหาร
 บ่มที่ 25 องศาเซลเซียส จนเห็นโคโลนีของแบคทีเรียขึ้นชัดเจน จากนั้นแยกโคโลนีเดี่ยวมา
 ทำให้บริสุทธิ์บนอาหารเลี้ยงเชื้อแข็งเอียงชนิดเค็ม บ่มไว้จนเห็นโคโลนีของแบคทีเรียเจริญ
 เต็มที่

1.2) นำแบคทีเรียที่แยกได้บริสุทธิ์แล้วจากข้อ 1.1 มาจุด (spot) ลงบนอาหารเลี้ยง
 เชื้อวันตามสูตรอาหารเลี้ยงเชื้อในข้อ 1.1 และเติมเคอร์แทรนลงไป 1.0 % บ่มไว้ที่อุณหภูมิ
 25 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 2-3 วัน แล้วนำมาตรวจสอบความสามารถในการย่อยสลาย
 เคอร์แทรนเนสของแบคทีเรียสายพันธุ์ต่างๆ โดยการเทราดด้วยเอธานอล 95% ให้ท่วมบน
 อาหารเลี้ยงเชื้อ ทิ้งไว้เป็นเวลา 24 ชั่วโมงที่อุณหภูมิห้อง สังเกตผลบริเวณใส (clear
 zone) ที่เกิดขึ้น เนื่องจากการย่อยสลายเคอร์แทรน (โดยปกติเคอร์แทรนเนสจะมีหน่วย
 กลูโคสต่อกันมากกว่า 50 หน่วยขึ้นไป เมื่อทำปฏิกิริยากับแอลกอฮอล์ เช่น เอธานอลจะตก
 ตะกอนทำให้เห็นเป็นสีขาวขุ่น แต่หากเคอร์แทรนถูกย่อยโดยเคอร์แทรนเนสเป็นหน่วยย่อย
 เล็กลงแล้วจะไม่ถูกตกตะกอนด้วยแอลกอฮอล์ ทำให้เห็นเป็นบริเวณใสได้)

3.) การคัดเลือกโดยใช้อาหารเลี้ยงเชื้อแข็ง (solid medium)

นำแบคทีเรียสายพันธุ์ต่างๆ ที่เก็บรักษาไว้ในข้อ 2 มาทำการทดสอบต่อ โดยใช้
 อาหารเลี้ยงเชื้อแข็งสูตรเหมือนในข้อ 1.2 ในปริมาตร 30 มล. ต่อจานเลี้ยงเชื้อ ทำการ

จุด เชื้อลงบนอาหารเลี้ยงเชื้อข้างนี้ และทำเหมือนในข้อ 1.2 จากนั้นวัดขนาดของบริเวณ
ไลต์ที่เกิดขึ้น

4.) การเลี้ยงแบคทีเรียในขวดแก้วทรงกรวย

4.1) การเตรียมเชื้อตั้งต้น

นำเชื้อที่เก็บไว้ตามที่ได้กล่าวในข้อที่ 2 มาใส่ลงในอาหารเลี้ยงเชื้อที่บรรจุอยู่ในขวด
ในขวดแก้วทรงกรวยขนาด 250 มล. บ่มบนเครื่องเขย่าแบบ rotary shaker ให้อัตรา
เร็ว 200 รอบต่อนาที ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 24 ชั่วโมง

4.2) การเลี้ยงเชื้อ

นำเชื้อตั้งต้นที่เตรียมไว้ในข้อ 4.1 มาใส่ลงในอาหารเลี้ยงเชื้อที่บรรจุอยู่ในขวด
แก้วทรงกรวยเช่นเดียวกับในข้อ 4.1 โดรมีปริมาณเชื้อเริ่มต้นเท่ากับ 0.2 เมื่อวัดค่าการ
ดูดกลืนแสงที่ 560 นาโนเมตร จากนั้นนำไปเขย่าที่ 200 รอบต่อนาที บนเครื่องเขย่าแบบ
rotary shaker ที่อุณหภูมิห้องเป็นเวลา 48 ชั่วโมง เก็บตัวอย่างของอาหารเลี้ยงเชื้อ
เหลวออกมา 5 มล. ทำการแยกเซลล์ออกจากอาหารเลี้ยงเชื้อโดยวิธีปั่นด้วยเครื่องปั่นแยก
ด้วยความเร็ว 3000 รอบต่อนาที เป็นเวลา 15 นาที จากนั้นนำส่วนน้ำเลี้ยงเชื้อใสมาตรวจ
สอบแอกติวิตีของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสตามวิธีการในข้อ 5

5.) การตรวจสอบแอกติวิตีของเดกซ์แทรนเนสจากแบคทีเรีย

นำส่วนผสมของปฏิภริษาจำนวน 1 มล. ประกอบด้วย 0.7 มล. ของฟอสเฟต
บัฟเฟอร์ที่มีความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ความเข้มข้นต่างเท่ากับ 7.0 และ 0.2 มล.
ของ 0.625% สับสเตรต บ่มที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 5 นาที แล้วจึงเติม
 0.1 มล. ของน้ำเลี้ยงเชื้อซึ่งผ่านการแยกเซลล์ออกไปแล้วผสมให้เข้ากันด้วยเครื่องปั่น
ผสมจากนั้นนำไปบ่มที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที เก็บตัวอย่างของ
ส่วนผสมที่เวลา 0 และ 30 นาทีหยุดปฏิภริษาโดยการต้มในอ่างน้ำเดือด 5 นาที แล้วตรวจ
หาน้ำตาลรีดิวซ์โดยวิธีการของ Somogyi-Nelson (20, 24)

1 หน่วย (Unit) ของเดกซ์แทรนเนส หมายถึง ปริมาณเอนไซม์ที่ใช้ในการย่อย

สลายเตกซ์แทรน T-2000 แสวไตหน้าตุลลิตวีร์ใช้คนเท่าหน้าตุลลิตวีร์ 1 ไมโครโมลต่อ
นาที่ ภายใต้สภาวะที่ทดสอบ

6.) การตรวจวิเคราะห์ปริมาณโปรตีน

ใช้วิธีการของ Lowry และคณะ (17) เปรียบเทียบค่าของโปรตีนจากกราฟ
มาตรฐานที่ใช้ โบวีน ซีรัม อัลบูมิน (Bovine Serum Albumin) ความเข้มข้น 0 ถึง
200 ไมโครกรัมต่อมล.

7.) การตรวจวิเคราะห์การเจริญของเซลล์

โดยการวัดค่าดูดกลืนแสงด้วยเครื่องสเปกโตรโฟโตมิเตอร์ที่ความยาวคลื่น 560
นาโนเมตร

8.) การศึกษาสภาวะที่เหมาะสมในการผลิตเอนไซม์เตกซ์แทรนเนส

8.1) การหาสูตรอาหารเลี้ยงเชื้อที่เหมาะสม

ทำการเลี้ยงเชื้อแบคทีเรียตามวิธีในข้อ 4 ในสูตรอาหารต่างๆดังนี้

สูตรอาหารดัดแปลงของ Schroder (24)

สูตรอาหารของ Yamaguchi (27)

สูตรอาหาร 1/3 Streptococcus BHI ที่ดัดแปลงของ Okami (21)

แล้วตรวจสอบแอกติวิตีของเตกซ์แทรนเนสตามวิธีในข้อ 5 จากนั้นทดสอบผล
ของแฟคเตอร์ต่าง ๆ ต่อการผลิตเอนไซม์เตกซ์แทรนเนสในอาหารเลี้ยงเชื้อที่
คัดเลือกและปรับปรุงต่อเพื่อให้ได้สูตรอาหารที่เหมาะสมต่อการเจริญและ
การสร้างเอนไซม์ของเชื้อ Z-10 ดังนี้

8.2) อุณหภูมิที่เหมาะสมต่อการผลิตเตกซ์แทรนเนสโดยแปรผันอุณหภูมิที่เลี้ยงเชื้อ เป็น 29, 37, 45 และ 50 องศาเซลเซียส ตามลำดับ

- 8.3) ความเป็นกรด-ด่างที่เหมาะสมต่อการผลิตเตกซ์แทรนเนสโดยแปรผันความ
เป็นกรด-ด่างเริ่มต้นตั้งแต่ 3 ถึง 11
- 8.4) ผลของเกลียวโซเดียมคลอไรด์ต่อการผลิตเตกซ์แทรนเนสโดยแปรผันความ
เข้มข้นของเกลียวโซเดียมคลอไรด์เป็น 0, 1.0, 2.5, 5.0, 10.0,
15.0 และ 20.0% ตามลำดับ
- 8.5) ปริมาณของเตกซ์แทรนที่เหมาะสมต่อการเจริญและผลิตเอนไซม์
เลี้ยงเชื้อในอาหารเหลวสูตรของ *Yeast* ที่เสริมด้วยเตกซ์แทรนชนิด
อุตสาหกรรม (น้ำหนักโมเลกุล $2-50 \times 10^5$ ของบริษัท Sigma, D-5501)
เป็นแหล่งคาร์บอน โดยแปรผันความเข้มข้นเป็น 0.5, 1.0, 1.5 และ 2.0 %
- 8.6) การหาชนิดของแหล่งไนโตรเจน โดยแปรผันแหล่งไนโตรเจนต่างๆดังนี้
แหล่งอาหารอินทรีย์ไนโตรเจน
ผงยีสต์สกัดและ Corn Steep Liquor ความเข้มข้น 0.2, 0.5 และ 1.0%
โดยน้ำหนัก
กรดคาซามิโนและโพลีเปปไทด์ ความเข้มข้น 0.2, 0.5, 1.0, 1.5 และ
2.0% โดยน้ำหนัก
แหล่งอาหารอินทรีย์ไนโตรเจน
โปรตีนเชื่อมไนเตรตและแอมโมเนียมไนเตรต ความเข้มข้น 0.1, 0.2 และ
0.3% โดยน้ำหนัก
โซเดียมไนเตรต ความเข้มข้น 0.1, 0.3, 0.5 และ 1.0% โดยน้ำหนัก
แอมโมเนียมคลอไรด์และแอมโมเนียมซัลเฟต ความเข้มข้น 0.2, 0.5 และ
1.0% โดยน้ำหนัก

- 8.7) การหาปริมาณของสารที่เขียนแหล่งไนโตรเจน
 เลี้ยงเชื้อในอาหารเหลวสูตรของ Yamaguchi ตามวิธีในข้อ 4 โดยปรับ
 ปริมาณกรดคาซามิโนเป็น 1.0, 1.5, 2.0, 2.5, 3.0, 3.5, 4.0,
 4.5 และ 5.0% โดยน้ำหนัก
- 8.8) ผลของเกลือแร่ต่อการผลิตเดกซ์แทรนเนส
 เลี้ยงเชื้อในอาหารเหลวสูตรของ Yamaguchi ตามวิธีในข้อ 4 ที่มี
 0.5% เดกซ์แทรนเป็นแหล่งคาร์บอนและ 3.5% กรดคาซามิโนเป็นแหล่ง
 ไนโตรเจนและได้มีการปรับชนิดและปริมาณของเกลือแร่ดังนี้
 ไดโปตัสเซียมไฮโดรเจนฟอสเฟต โปตัสเซียมไดไฮโดรเจนฟอสเฟต
 แมกนีเซียมซัลเฟต ทริส-ไฮโดรคลอไรด์ แคลเซียมคลอไรด์ กรดบอริก
 โซเดียมโมลิบเดต แมงกานีสคลอไรด์ ซิงค์ซัลเฟต คอปเปอร์ซัลเฟต
 โคบอลต์คลอไรด์ ที่ความเข้มข้นต่าง ๆ แล้วตรวจสอบแอกติวิตีของเดกซ์
 แทรนเนสตามวิธีในข้อ 5
- 8.9) ผลของผลึกจากยีสต์ต่อการผลิตเดกซ์แทรนเนส
 ทำการเลี้ยงเชื้อในอาหารเหลวสูตรข้างต้น โดยปรับผันความเข้มข้นของผลึก
 ยีสต์เป็น 0 ถึง 0.05% โดยน้ำหนัก
- 8.10) ผลการชักนำให้เกิดเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส
 ทำการเลี้ยงเชื้อในอาหารเหลวสูตรข้างต้นที่ได้ปรับปรุงแล้ว แต่เปลี่ยนแหล่ง
 คาร์บอนจากเดกซ์แทรนเป็นน้ำตาลกลูโคสที่มีความเข้มข้น 2.0% จนเชื้อ
 เข้าสู่ช่วง late log phase จากนั้นเติมเดกซ์แทรนลงไปให้มีความ
 เข้มข้น 0.25% ตรวจสอบแอกติวิตีของเดกซ์แทรนเนสตามวิธีในข้อ 5

9.) การศึกษาคุณสมบัติของเอนไซม์แลกซ์แทรนเนส

9.1) ความเข้มข้นกรด-ด่างที่เหมาะสมต่อการทำงานของเอนไซม์

บ่มเอนไซม์ในสารผสมของปฏิกรณ์ที่ความเข้มข้นกรด-ด่างในช่วงต่างๆ โดยการแปรผันความเข้มข้นกรด-ด่างด้วยบัฟเฟอร์ชนิดต่างๆที่ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์

ซีเตรต-ฟอสเฟต บัฟเฟอร์	ที่มีความเข้มข้นกรด-ด่างเท่ากับ	4.0-7.0
ฟอสเฟต บัฟเฟอร์	ที่มีความเข้มข้นกรด-ด่างเท่ากับ	6.0-8.0
ทริส-(ไฮดรอกซีมีเทน)	ที่มีความเข้มข้นกรด-ด่างเท่ากับ	7.5-9.0

ที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที

9.2) ความเสถียรของเอนไซม์ต่อความเป็นกรด-ด่าง

บ่มเอนไซม์ที่เจือจางในบัฟเฟอร์ความเข้มข้น 0.05 โมลาร์ ที่ความเป็นกรด-ด่างดังนี้ คือ

ซีเตรต-ฟอสเฟต บัฟเฟอร์	ที่มีความเข้มข้นกรด-ด่างเท่ากับ	4.0-7.0
ฟอสเฟต บัฟเฟอร์	ที่มีความเข้มข้นกรด-ด่างเท่ากับ	6.0-8.0
ทริส-(ไฮดรอกซีมีเทน)	ที่มีความเข้มข้นกรด-ด่างเท่ากับ	7.5-9.0

อะมิโนมีเทน บัฟเฟอร์

เป็นเวลา 30 นาที แล้วตรวจสอบแอกติวิตีของแลกซ์แทรนเนสตามวิธีในข้อ ๕ เปรียบเทียบกับระบบที่มีความเข้มข้นกรด-ด่างเท่ากับ 7.0

9.3) อุณหภูมิที่เหมาะสมต่อการทำงานของเอนไซม์

บ่มเอนไซม์ในสารผสมของปฏิกรณ์ในอ่างน้ำที่รับอุณหภูมิเป็น 30, 37, 45, 55, 60 และ 70 องศาเซลเซียสเป็นเวลา 30 นาที ตรวจสอบแอกติวิตีของแลกซ์แทรนเนสตามวิธีในข้อ ๕

9.4) ความเสถียรของเอนไซม์ต่ออุณหภูมิ

บ่มเอนไซม์ที่เจือจางใน 0.05 โมลาร์ ฟอสเฟตบัฟเฟอร์ที่มีความเข้มข้นกรด-ด่างเท่ากับ 7.0 ที่อุณหภูมิ 30, 37, 45, 55, 60 และ 70 องศาเซลเซียสเป็น

เวลา 30 นาที ตรวจสอบแอสคิวิตีของเดกซ์แทรนเนสตามวิธีในข้อ 5 โดยใช้เอนไซม์ที่บ่มที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียสเป็นตัวเปรียบเทียบ

- 9.5) ความเข้มข้นของบัพเฟอร์ที่เหมาะสมต่อการทำงานของเอนไซม์
 บ่มเอนไซม์ในสารผสมของปฏิกิริยาที่มีฟอสเฟตบัพเฟอร์ที่มี ความเป็นกรด-ด่าง
 เท่ากับ 7.0 ที่มีบัพเฟอร์ความเข้มข้นต่างกัน ตั้งแต่ 0 ถึง 0.5 โมลาร์ ที่
 อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที ตรวจสอบแอสคิวิตีของ
 เดกซ์แทรนเนสตามวิธีในข้อ 5
- 9.6) ความเสถียรของเอนไซม์ต่อความเข้มข้นของบัพเฟอร์
 บ่มเอนไซม์ที่เจือจางในฟอสเฟตบัพเฟอร์ที่มีความเป็นกรดต่างเท่ากับ 7.0 ความ
 เข้มข้นตั้งแต่ 0 ถึง 0.5 โมลาร์ ที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส เป็นเวลา
 30 นาที นำเอนไซม์นี้มาตรวจสอบแอสคิวิตีของเดกซ์แทรนเนสตามวิธีในข้อ 5
 เปรียบเทียบกับกรณีที่ใช้ความเข้มข้นต่างเท่ากับ 7.0
- 9.7) ความเข้มข้นของเกลียวโซเดียมคลอไรด์ต่อการทำงานของเอนไซม์
 บ่มเอนไซม์ในสารผสมของปฏิกิริยาที่มี 0.05 โมลาร์ของฟอสเฟตบัพเฟอร์ที่มี
 ความเป็นกรด-ด่างเท่ากับ 7.0 และเกลียวโซเดียมคลอไรด์ความเข้มข้น 0,
 1.0, 2.5, 5.0, 10.0 และ 20.0% ที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส เป็น
 เวลา 30 นาที ตรวจสอบแอสคิวิตีของเดกซ์แทรนเนสตามวิธีในข้อ 5
- 9.8) ความเสถียรของเอนไซม์ต่อความเข้มข้นของเกลียวโซเดียมคลอไรด์
 บ่มเอนไซม์ที่เจือจางใน 0.05 โมลาร์ ของฟอสเฟตบัพเฟอร์ที่มีความเป็นกรด-
 ด่างเท่ากับ 7.0 ซึ่งมีเกลียวโซเดียมคลอไรด์ความเข้มข้น 0, 1.0, 2.5,
 5.0, 10.0 และ 20.0% ที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาที
 แล้วจึงนำเอนไซม์มาตรวจสอบแอสคิวิตีของเดกซ์แทรนเนสตามวิธีในข้อ 5 เปรียบ
 กับกรณีที่มีบัพเฟอร์ที่มีเกลียวโซเดียมคลอไรด์ 2.5%

- 9.9) ความสามารถในการย่อยสลายสารประกอบน้ำตาลบางชนิดของเอนไซม์
 บ่มเอนไซม์ที่เจือจางใน 0.05 โมลาร์ของฟอสเฟตบัฟเฟอร์ที่มีความเป็นกรด-
 ต่างเท่ากับ 7.0 กับสับสเตรตชนิดต่างๆที่มีความเข้มข้น 0.525% ที่อุณหภูมิ
 55 องศาเซลเซียส เป็นเวลา 30 นาทีทำการตรวจสอบน้ำตาลรีดิวซ์ที่เกิด
 จากการย่อยสลายตามวิธีในข้อ 5 สับสเตรตที่ใช้นี้มีดังนี้ เดกซ์ทริน, แป้ง, แอลฟา-
 เซลลูโลส, ไซแลน, อะไมโลส, เซฟาเดกซ์ จี-100, คาร์บอกซีเมทิล-
 เซลลูโลส, เดกซ์แทรน T-70, เดกซ์แทรนคุณภาพอุตสาหกรรมน้ำหนักโม
 เลกุล 17,200 , 153,000, 487,000 และ $5-40 \times 10^5$
- 9.10) การตรวจสอบชนิดของน้ำตาลที่เกิดจากการย่อยสลายเดกซ์แทรน
 บ่มเอนไซม์ที่เจือจางกับสับสเตรตที่สภาวะมาตรฐานเป็นเวลา 0 ถึง 120
 นาทีเก็บตัวอย่างที่เวลาต่างๆกัน แล้วนำไปต้มในน้ำเดือด 5 นาที แล้วนำ
 ไปวิเคราะห์น้ำตาลที่เกิดขึ้นด้วยโครมาโตกราฟีบนกระดาษกรอง
 Whatman No.1 แบบ ascending เปรียบเทียบกับสารละลายมาตรฐาน
 ของกลูโคส ไอโซมอลโตสและไอโซมอลโตโทรโอสที่มีความเข้มข้น 1
 มิลลิกรัมต่อมล. ตัวอย่างละ 5 ไมโครลิตร บรรจุในภาชนะที่อ้อมตัวด้วย
 สารละลายผสมของ n-propanol:คือน้ำในอัตราส่วน 70 ต่อ 30 เมื่อสารละลาย
 ซึมถึงตำแหน่งใกล้ขอบบนมากที่สุดแล้วนำกระดาษกรองนี้ออกมาทำให้
 แห้ง และทำให้เกิดสีโดยพ่นกับตัวอัลคาไลซิลเวอร์ในเตา
- 9.11) การศึกษาชนิดและปริมาณของเกลือแร่รวมทั้งสารบางชนิดที่มีผลต่อการทำงานของ
 ของเอนไซม์
 บ่มเอนไซม์ที่เจือจางในสารผสมของขี้กิ้งกิ้งที่มีเกลือแร่และสารที่ใช้
 ทดสอบซึ่งมีความเข้มข้น 0 ถึง 15 มิลลิโมลาร์ ที่อุณหภูมิ 55 องศาเซลเซียส
 เป็นเวลา 30 นาที ตรวจสอบแอสคิวิตีของเดกซ์แทรนเนสตามวิธีการในข้อ
 5 โดยทดสอบกับเกลือแร่และสารต่าง ๆ ดังนี้
 ซิลเตอิน, ซิสเตอิน-ไฮโดรคลอไรด์, EDTA, dithiothreitol (DTT),

แมกนีเซียมซัลเฟต, แมกนีเซียมคลอไรด์, แมงกานีสคลอไรด์, แคลเซียมไฮดรอกไซด์, คอปเปอร์ซัลเฟต, ดีวอร์สคลอไรด์, โคบอลต์คลอไรด์, เมอคิวรีคลอไรด์, นิกเกิลคลอไรด์, สังกะสีคลอไรด์, เพอร์สซัลเฟต, โพแทสเซียมคลอไรด์, ไดโพแทสเซียมไฮโดรเจนซัลเฟต

9.12) การหาค่า Km ของเอนไซม์

บ่มเอนไซม์ที่อยู่ในรูปกิ่งบริสุทธิ์ที่ผ่านารตกตะกอนด้วยแอมโมเนียมซัลเฟต รวมทั้งผ่านคอลัมน์ของ เซฟาโรส 4บี (Sepharose 4B) และดีอีเออี-เซลลูโลส (DEAE-cellulose) แล้วความเข้มข้น 0.334 หน่วยต่อมล. บ่มกับเดกซ์แทรน T-2000 ที่ความเข้มข้น 0 ถึง 5.0 M. ในสภาวะมาตรฐาน ตรวจสอบแอกติวิตีของเดกซ์แทรนเนสที่เวลาต่างๆ แล้วนำมาพล็อตมาเขียนให้อยู่ในรูปไลน์วีเวอร์-เบิร์ก (Lineweaver-Burk Plot)

10) การเตรียมเอนไซม์เข้มข้น

10.1) การตกตะกอนด้วยแอมโมเนียมซัลเฟต ทดลองตกตะกอนเอนไซม์ด้วยแอมโมเนียมซัลเฟตที่ความเข้มข้นต่าง ๆ กัน ตรวจสอบช่วงที่มีแอกติวิตีของเอนไซม์สูงสุดแล้วนำมารวมเก็บไว้ใช้ต่อไป

10.2) เอนไซม์ที่ได้จากการตกตะกอนด้วยแอมโมเนียมซัลเฟตจะถูกนำไปทำให้บริสุทธิ์ยิ่งขึ้นโดยนำไปผ่าน Sepharose-4B และ Ion exchange chromatography เช่น DEAE-cellulose แล้วเช็คความบริสุทธิ์โดยการทำ PAGE

11) การตรวจสอบสกุลของเชื้อแบคทีเรีย Z-10

ศึกษาลักษณะทางสัณฐานวิทยา สรีรวิทยาและ ลักษณะการเจริญในอาหารเลี้ยงเชื้อชนิดต่างๆ เพื่อเป็นแนวทางในการจัดจำแนกเชื้อตาม Bergey's Manual of Determinative Bacteriology

- 11.1 ลักษณะการเจริญของแบคทีเรีย นำแบคทีเรียที่เจริญบนอาหารเลี้ยงเชื้อ
 nutrient agar, nutrient agar slant และ nutrient broth
 มาศึกษารูปร่าง ขนาด สี ความโปร่งใสหรือความทึบแสงของโคโลนี
 ลักษณะของโคโลนีบนหรือในอาหารเลี้ยงเชื้อ
- 11.2 ลักษณะทางสัณฐานวิทยา โดยดูจากลักษณะต่าง ๆ ดังนี้
 การติดสีแกรม การติดสี acid fast ลักษณะของเฮนโตสปอร์(ถ้ามี)
 การเคลื่อนที่
- 11.3 ลักษณะทางสรีรวิทยาและชีวเคมี
 นำแบคทีเรียที่เจริญบนจานอาหารเลี้ยงเชื้อ nutrient agar จนกระทั่งมีอายุ
 48 ชั่วโมง มาทำการทดสอบปฏิกิริยาทางชีวเคมีหาความสามารถในการสร้าง
 เอนไซม์คาตาเลส ออกซิเตส ซูรีเอส ความสามารถในการรีดิวซ์ไนเตรท
 ความสามารถในการสร้างอินโดล ไฮโดรเจนซัลไฟด์ MR-VP test
 ความสามารถในการย่อยแป้ง การใช้ซีเทรท การผลิตแอมโมเนีย การใช้
 คาร์โบไฮเดรตชนิดต่าง ๆ การรีดิวซ์ Litmus milk

ผลการทดลองและการอภิปราย

1. การแยกเชื้อจากแหล่งต่าง ๆ ในประเทศไทย

จากการคัดแยกเชื้อจากตัวอย่างดินเลนและน้ำทะเลจากแหล่งต่าง ๆ ในประเทศไทยและจากคลังเชื้อของภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย รวมทั้งสิ้น 11 แหล่ง สามารถแยกเชื้อได้ทั้งสิ้น 1092 สายพันธุ์ (ดังตารางที่ 1) เมื่อนำเชื้อที่แยกได้นี้ไปทดสอบหาความสามารถในการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสบนอาหารแข็งที่ผสมเดกซ์แทรน พบว่ามีอยู่ 19 สายพันธุ์ที่ให้ส่วนไฮรอปโคโลนี ซึ่งเป็นข้อชี้บ่งถึงความสามารถในการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส (ตารางที่ 2)

สืบเนื่องจากสายพันธุ์ Z-10 ซึ่งแยกได้จากตัวอย่างดินชายฝั่งทะเลจังหวัดระนองให้ส่วนไฮรอปโคโลนีกว้างที่สุด คือ 1.2 ซม. จึงเลือกสายพันธุ์ Z-10 ไว้ศึกษาต่อไป

2. การคัดเลือกอาหารเลี้ยงเชื้อที่เหมาะสมต่อการเจริญและการสร้างเดกซ์แทรนเนสโดยเชื้อ Z-10

ทดสอบความสามารถของการเจริญและการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสของเชื้อ Z-10 ในอาหารเลี้ยงเชื้อสำหรับใช้เลี้ยงแบคทีเรียจากน้ำทะเลอันประกอบด้วย สูตรของ Yamaguchi สูตรดัดแปลงของ Okami และสูตรของ Schroder เปรียบเทียบกันโดยใช้สภาวะการเลี้ยงดั่งบรรยายไว้ในรูปที่ 1A,B ผลปรากฏว่า ปริมาณเอนไซม์ที่ผลิตโดยเชื้อ Z-10 ในอาหารทั้งสามได้เป็น 0.39 0.26 และ 0.22 หน่วยต่อม.ล. โดยลำดับ จึงเลือกสูตรอาหารของ Yamaguchi ไว้ใช้เลี้ยงเชื้อ Z-10 ต่อไป

3. แฟกเตอร์ที่มีผลต่อการเจริญและการผลิตเดกซ์แทรนเนสของเชื้อ Z-10

เลี้ยงเชื้อ Z-10 ในอาหารเลี้ยงเชื้อสูตร Yamaguchi แล้วแปรผันแฟกเตอร์ต่าง ๆ ดังนี้

3.1 อุณหภูมิที่เหมาะสม โดยใช้อุณหภูมิในช่วง $25-50^{\circ}\text{C}$ พบว่าที่อุณหภูมิ $30-35^{\circ}\text{C}$ (อุณหภูมิห้อง) ได้เอนไซม์สูงสุด คือ 0.71 หน่วยต่อม.ล. ที่ชั่วโมงที่ 30 ของการเลี้ยง (รูปที่ 2A และ 2B) ในขณะที่ที่อุณหภูมิ $28-35^{\circ}\text{C}$ และ 40°C ซึ่งให้ผลการเจริญใกล้เคียงกันกลับสร้างเอนไซม์ในระดับที่ต่ำกว่าอย่างเห็นได้ชัดและหากเลี้ยงที่อุณหภูมิ 50°C แล้วจะไม่พบการเจริญของเชื้อนี้แต่อย่างใด

3.2 ความเป็นกรดต่างเริ่มต้นของอาหารเลี้ยงเชื้อ เมื่อปรับความเป็นกรดต่างเริ่มต้นของอาหารเลี้ยงเชื้อที่ pH ต่าง ๆ ตั้งแต่ 3-11 แล้วอัตราการเจริญร่วมกับการสร้างเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสของเชื้อ Z-10 พบว่าที่ pH 9 จะให้เอนไซม์ในปริมาณสูงสุด คือ 1.12 หน่วย/ม.ล. (รูปที่ 3) ในขณะที่อัตราการเจริญใกล้เคียงกันกับช่วง pH อื่น ๆ ที่อยู่ในช่วง 6-8 คือมีค่าดูดกลืนแสงในช่วง 7.45-7.96 (รูปที่ 4)

3.3 ผลของ NaCl เนื่องจากเชื้อที่คัดเลือกนี้คัดจากบริเวณใกล้ฝั่งหรือชายฝั่งซึ่งมีความเค็มไม่มากนักจึงเป็นที่น่าสนใจว่า NaCl จะมีผลอย่างไรบ้างกับการสร้างเอนไซม์และการเจริญของเชื้อ Z-10 และเมื่อเลี้ยงเชื้อในอาหารเลี้ยงเชื้อที่เติม NaCl ลงไปในช่วง 1-20% นั้น พบว่าที่ความเข้มข้น NaCl

2.5% เชื้อจะเจริญและผลิตเอนไซม์สูงสุด คือ 1.23 หน่วย/ม.ล. (รูปที่ 5 และ 6) อนึ่ง ที่ 0% NaCl นั้น เชื้อจะสามารถเจริญและสร้างเดกซ์แทรนเนสได้ค่อนข้างดี

3.4 ปริมาณของเดกซ์แทรน เนื่องจากการสร้างเอนไซม์นั้นมี 2 ชนิด คือ พวก constitutive และ induction ในการตรวจสอบชนิดของการควบคุมตลอดจนความเข้มข้นที่เหมาะสมของ substrate ที่ใช้ จึงทดลองเลี้ยงเชื้อ Z-10 ในอาหารที่เติมเดกซ์แทรน 0-2% แล้วดูอัตราการเจริญควบคู่กับการสร้างเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส พบว่าการเติมเดกซ์แทรนที่ความเข้มข้น 0.5% จะให้ปริมาณเอนไซม์สูงสุด ในขณะที่ 0% เดกซ์แทรน (เติม 2% กลูโคสให้เป็นแหล่งของคาร์บอนแทน) จะพบการเจริญแต่ตรวจไม่พบระดับของเอนไซม์แต่อย่างใด (รูปที่ 7 และ 8) ดังนั้น จึงสรุปได้ว่าระบบการสร้างเอนไซม์นี้เป็นแบบ induction โดยมีเดกซ์แทรนเป็น inducer และปริมาณที่เหมาะสมของเดกซ์แทรน คือ 0.5% สำหรับอัตราการเจริญนั้นไม่พบความแตกต่างกันมากนักในช่วงความเข้มข้นของเดกซ์แทรนที่ทดสอบ

4. ความจำเพาะของการชักนำการสร้างเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส

จากการที่ทราบจากการทดลองในข้อ 3 ว่าการสร้างเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสถูกชักนำโดยสับสเตรทของมัน คือ เดกซ์แทรนนั่น เพื่อหาความจำเพาะของการชักนำนี้จึงทดลองเลี้ยงเชื้อ Z-10 ในอาหารเลี้ยงเชื้อที่แปรเปลี่ยนชนิดของคาร์โบไฮเดรตที่ใช้เป็นแหล่งคาร์บอนแล้วตรวจหาปริมาณเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสที่ผลิตโดยเชื้อ Z-10 ผลการทดลองพบว่าเชื้อจะเจริญได้ในอาหารที่ทดสอบแต่ไม่พบการสร้างเอนไซม์หรือพบในระดับต่ำมากเมื่อเทียบกับการใช้เดกซ์แทรน (ตารางที่ 3) จึงสรุปได้ว่า inducer ของเอนไซม์นี้คือสับสเตรทธรรมชาติของมันอันได้แก่เดกซ์แทรนและการชักนำก็มีความจำเพาะต่อเดกซ์แทรนด้วย

การทดลองต่อไปนี้จะเป็นการหาสูตรอาหารที่เหมาะสมโดยยึดเอาสูตรอาหารของ Yamagushi เป็นแนวแล้วแปรเปลี่ยนชนิดตลอดจนปริมาณของธาตุอาหารต่าง ๆ เพื่อให้เชื้อ Z-10 เจริญและผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสได้สูงสุด

5. ผลของเกลือแร่ต่าง ๆ ต่อการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส

ทดสอบผลของเกลือแร่ชนิดต่าง ๆ ในปริมาณต่าง ๆ ที่มีต่อการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสของเชื้อ Z-10 อันประกอบด้วย K_2HPO_4 , KH_2PO_4 , $MgSO_4$ โดยแปรผันปริมาณที่ใช้ในช่วง 0-2% 0-1.6% และ 0-0.1% ตามลำดับ ผลการทดลองพบว่าความเข้มข้นที่เหมาะสมต่อการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสได้แก่ 1.0% K_2HPO_4 , 0.4% KH_2PO_4 และ 0.05% $MgSO_4$ โดยให้ปริมาณเอนไซม์เท่ากับ 3.34 3.61 และ 4.05 หน่วย/ม.ล. ตามลำดับดังแสดงในรูป 9 10 และ 11 ทั้งนี้ตั้งแต่การทดลองนี้เป็นต้นไปปริมาณที่เหมาะสมของสารที่ทดสอบจะถูกใช้ในสูตรอาหารสำหรับการทดสอบต่อ ๆ ไป

6. แหล่งของไนโตรเจนต่อการเจริญและการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสโดยเชื้อ Z-10

ทดสอบผลการแปรผันชนิดและปริมาณของไนโตรเจนชนิดต่าง ๆ ในปริมาณต่าง ๆ ต่อการเจริญและการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสโดยเชื้อ Z-10 โดยใช้ไนโตรเจนทั้งในรูปอินทรีย์ อนินทรีย์ ตลอดจนไนโตรเจนที่อยู่ในรูป complex ในช่วงความเข้มข้น 0.1-2.0% แล้วแต่ความเหมาะสมในแต่ละกรณี ผลการทดลอง (ตารางที่ 4) พบว่า เมื่อใช้สารประกอบไนโตรเจนในรูปเกลืออนินทรีย์ในเตรทหรือแอมโมเนียมที่แปรผันความเข้มข้น 0-1% นั้นให้ปริมาณของเอนไซม์ค่อนข้างต่ำ โดยให้ปริมาณเอนไซม์สูงสุดเพียง 1.66 และ 1.67 หน่วย/มล. เท่านั้น (ตารางที่ 4) ส่วนในกรณีการใช้สารประกอบอินทรีย์ไนโตรเจนนั้น โพลีเปปไทด์ซึ่งเป็นสารที่ใช้เป็นแหล่งไนโตรเจนของสูตรอาหารนี้อยู่แล้วเมื่อแปรผันความเข้มข้นดูพบว่า ที่ความเข้มข้น 1% - จะให้ปริมาณของเอนไซม์ค่อนข้างสูง คือ 4.05 หน่วย/มล. แต่ต่ำกว่าการใช้ 2% casamino acid (5.05 หน่วย/มล.) และหากดูระดับของเอนไซม์ที่ผลิตต่อความเข้มข้นของ casamino acid จะเห็นว่าหากเพิ่มความเข้มข้นของ casamino acid ให้สูงกว่านี้แล้วอาจได้ปริมาณเอนไซม์สูงกว่านี้ได้ จึงได้ขยายการทดลองเฉพาะส่วนของ casamino acid ออกไปโดยขยายช่วงความเข้มข้นที่ทดสอบเป็น 0-5% (รูปที่ 12) ผลการทดลองนี้พบว่าระดับของเอนไซม์สูงสุดอยู่ที่การใช้ casamino acid 3.5% ซึ่งสูงกว่าแหล่งไนโตรเจนอื่น ๆ ในทุก ๆ ความเข้มข้นที่ทดสอบ ดังนั้น จึงเลือกใช้ 3.5% casamino acid เป็นแหล่งไนโตรเจนของอาหารเลี้ยงเชื้อต่อไป

7. ผลของฟอสฟอรัสต่อการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส

แปรผันปริมาณของฟอสฟอรัสในสูตรอาหารจาก 0 - 0.05% พบว่าเชื้อจะสร้างเอนไซม์สูงสุดเมื่อใช้ฟอสฟอรัส 0.03% โดยให้ปริมาณเอนไซม์ 7.1 หน่วยต่อมล. ดังแสดงในรูปที่ 13

8. ผลของแร่ธาตุต่าง ๆ ต่อการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส

ทดสอบผลของแร่ธาตุต่าง ๆ ในสูตรอาหารที่ใช้ต่อการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสโดยเชื้อ Z-10 โดยเปรียบเทียบการเติมหรือไม่เติมเกลือแร่ต่าง ๆ ต่อการผลิตเอนไซม์เพื่อใช้เป็นแนวทางสำหรับการปรับปรุงสูตรอาหาร ผลการทดลองโดยสรุปแสดงไว้ในตาราง 5

9. สูตรอาหาร Yamaguchi ปรับปรุงสำหรับเชื้อ Z-10

จากผลการทดลองข้างต้น เมื่อประมวลข้อมูลที่ได้รับทั้งหมดเข้าด้วยกันทำให้ได้สูตรอาหาร Yamaguchi ปรับปรุงให้เหมาะสมกับการเจริญและการสร้างเอนไซม์ของเชื้อ Z-10 ดังแสดงในตาราง 6 และเมื่อทดลองเลี้ยงเชื้อ Z-10 ในอาหารสูตรปรับปรุงภายใต้สภาวะการทดลองที่ได้รับการปรับปรุงใหม่นี้พบว่าเชื้อ Z-10 สามารถสร้างเอนไซม์เพิ่มขึ้นโดยได้เอนไซม์ 12.8 หน่วยต่อมล. (รายละเอียดและผลการทดลองแสดงไว้ในรูปที่ 14) ซึ่งเพิ่มขึ้นประมาณ 33 เท่าเมื่อเทียบกับปริมาณของเอนไซม์ที่ได้รับจากสภาวะการทดสอบและสูตรอาหารก่อนได้รับการปรับปรุง (0.38 หน่วยต่อมล.)

10. การทดสอบการชักนำการสร้างเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสในอาหารที่เติมกลูโคสและเดกซ์แทรน

เนื่องจากการสร้างเอนไซม์มีส่วนสัมพันธ์กับการเจริญของเซลล์และสารชักนำและเนื่องจากเดกซ์แทรนซึ่งเป็นตัวชักนำนั้นมีราคาค่อนข้างแพง ดังนั้นหากเราสามารถเลี้ยงเซลล์เจริญโดยใช้แหล่งคาร์บอนอื่นที่มีราคาถูกกว่าเดกซ์แทรน เช่น กลูโคส จนถึงระยะหนึ่งแล้วค่อยเติมเดกซ์แทรนให้เป็นตัวชักนำการสร้างเอนไซม์แล้วถ้าหากได้ผลจะทำให้ปริมาณของเดกซ์แทรนที่ใช้ลดน้อยลงอันเป็นการลดต้นทุนการผลิตได้ ดังนั้นจึงทดลองเลี้ยงเชื้อ Z-10 ในสูตรอาหารปรีพาร์เนตที่ใช้กลูโคสในปริมาณ 0.5% และเลี้ยงจนปริมาณของกลูโคสลดน้อยลง (ประมาณช่วง late log) แล้วเติมเดกซ์แทรนในปริมาณ 0.25% ในอาหารเลี้ยงเชื้อให้เป็นตัวชักนำการสร้างเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส จากผลการทดลอง (แสดงในรูปที่ 15) พบว่า การเจริญของเชื้อ Z-10 นั้นจะเข้าสู่ช่วง late log ในราวชั่วโมงที่ 10 ซึ่งที่เวลาดังกล่าวปริมาณของเอนไซม์จะต่ำมาก (น้อยกว่า 0.4 หน่วยต่อมล.) แต่หลังจากเติมเดกซ์แทรนลงไปปริมาณ 0.25% ของปริมาตรทั้งหมด ระดับของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสจะเพิ่มสูงขึ้นและมีค่าสูงสุด 16.4 หน่วย/มล. ที่ชั่วโมงที่ 40 ของการเลี้ยงเชื้อซึ่งให้ปริมาณของเอนไซม์ที่สูงกว่าเมื่อเลี้ยงด้วย 0.5% เดกซ์แทรนแต่ใช้เวลานานกว่า ถ้าเปรียบเทียบการทดลองในรูปที่ 14 และ 15 จะเห็นว่าในทางปฏิบัติหากคำนึงต้นทุนการผลิตแล้วอาจใช้กลูโคสและเดกซ์แทรนดังตัวอย่างนี้แต่อาจเก็บเอนไซม์ในชั่วโมงที่ 28 แทนโดยจะได้เอนไซม์ 15.7 หน่วยต่อมล. ซึ่งจะใช้เวลาใกล้เคียงกับการใช้เดกซ์แทรนเพียงอย่างเดียว (12.5 หน่วยต่อมล. ที่ชั่วโมงที่ 24) แต่ให้เอนไซม์มากกว่าและลดต้นทุนการผลิตลงเนื่องจากใช้เดกซ์แทรนน้อยลง 0.25% ถึงแม้จะใช้กลูโคสเพิ่ม 0.5% ก็ตาม

11. การศึกษาสมบัติของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส

11.1 ผลของความเข้มข้นกรดต่อการทำงานและความเสถียรของเอนไซม์ การทดลองนี้ทดลองโดยเลือกใช้ระบบบัฟเฟอร์ต่าง ๆ ที่ครอบคลุมช่วงความเป็นกรดต่างจาก 4.0 - 9.0 อันได้แก่

ซีเตรท-ฟอสเฟตบัฟเฟอร์ ซึ่งครอบคลุมช่วงความเป็นกรดต่างระหว่าง 4.0-7.0

นอัสเฟตบัฟเฟอร์ ซึ่งครอบคลุมช่วงความเป็นกรดต่างระหว่าง 6.0-8.0 และ

ทริส-ไฮดรอกซีมีเทน-อิมิโนมีเทน ซึ่งครอบคลุมช่วงความเป็นกรดต่างระหว่าง 7.5-9.0

ผลการทดลองพบว่าเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสจากเชื้อ Z-10 จะมีแอกติวิตีสูงในช่วง 6.5-7.5 แต่จะมีค่าสูงสุดที่ pH 7.0 ดังแสดงในรูปที่ 16

ในแง่ของความเสถียรต่อความเป็นกรดนั้น พบว่าเอนไซม์มีความเสถียรต่อความเป็นกรดต่างอย่างดีโดยคงแอกติวิตี 100% ที่ pH 5.5 - 8.0 และเหลือ 90% แอกติวิตีที่ pH 9.0 (รูปที่ 17)

11.2 ผลของอุณหภูมิต่อการทำงานและความเสถียรของเอนไซม์

ทำการทดลองหาอุณหภูมิที่เหมาะสมสำหรับการทำงานของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสโดยแปรผันอุณหภูมิตั้งแต่ 30 - 70°C พบว่าอุณหภูมิที่เหมาะสมอยู่ในช่วงค่อนข้างแคบคือ 45 - 55°C (รูปที่ 18) และอุณหภูมิที่เอนไซม์ทำงานได้ดีที่สุด คือ 55°C ในขณะที่ 70°C เอนไซม์จะมีแอกติวิตีต่ำมาก (น้อยกว่า 5% ของแอกติวิตีที่ 55°C)

การทดสอบโดยบ่มเอนไซม์ที่อุณหภูมิ 30-70° ซ เป็นเวลา 30 นาที ก่อนนำมาตรวจวัดแอกติวิตีที่สภาวะมาตรฐาน (55° ซ) เพื่อหาความเสถียรของเอนไซม์ต่ออุณหภูมินั้น (รูปที่ 19) พบว่าเอนไซม์มีความเสถียรที่สุดที่ 30° ซ ในขณะที่ที่ 55° ซ ซึ่งเป็นอุณหภูมิที่เหมาะสมต่อการทำงานของเอนไซม์นั้น หากบ่มไว้ 30 นาทีจะมีแอกติวิตีเหลือ ประมาณ 72% ของแอกติวิตีที่ 30° ซ และสูญเสียแอกติวิตีหมดที่ 70° ซ

11.3 ผลของ NaCl ต่อการทำงานและความเสถียรของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส

เมื่อเติม NaCl ลงในระบบการทำงานของเอนไซม์ในปริมาณ 2.5-20.0% โดยบ่มไว้เป็นเวลา 30 นาทีแล้วทดสอบการทำงานของเอนไซม์ต่อสับสเตรกเดกซ์แทรน พบว่า การเติม 2-7.5% NaCl ลงในระบบการทำงานของเอนไซม์จะทำให้การทำงานของเอนไซม์เกิดได้ดีขึ้นเมื่อเทียบกับระบบการทดลองมาตรฐาน แต่หากบ่มที่ % NaCl มากกว่านั้นแล้วแอกติวิตีจะเริ่มลดลง เช่น จะเหลือ 66% ของแอกติวิตีที่ 20% NaCl (รูปที่ 20) ส่วนความเสถียรของเอนไซม์ใน NaCl นั้น ผลการทดลองที่ได้รับบ่งว่าการใช้ NaCl ในช่วงความเข้มข้นที่ทดสอบนั้น ทุก ๆ ความเข้มข้นต่างทำให้เอนไซม์เสถียรมากขึ้น แต่ลักษณะของความเสถียรนั้นมีลักษณะตรงข้ามกับการทำงานของเอนไซม์ (รูปที่ 21) โดยที่ความเสถียรจะเพิ่มขึ้นเรื่อย ๆ จาก 2.5% NaCl จนถึง 20% NaCl แต่แอกติวิตีของเอนไซม์กลับลดลงนั้นสามารถอธิบายได้ว่า สภาวะการทดสอบความเสถียรนั้นทำโดยการบ่มระบบของเอนไซม์-สับสเตรกที่ความเข้มข้นเกลือนั้น ๆ เช่นที่ 20% NaCl แต่การตรวจสอบแอกติวิตีจะนำมาตรวจสอบในสภาวะที่ความเข้มข้นของ NaCl ที่เหมาะสมต่อการทำงานของเอนไซม์ (2.5% NaCl) ดังนั้น แอกติวิตีของเอนไซม์เมื่อทดสอบความเสถียรของเอนไซม์ที่ความเข้มข้นของเกลือ 20% จึงสูง ในขณะที่การทำงานของเอนไซม์ที่ 20% NaCl นั้นมีเพียง 65% เท่านั้นแต่สำหรับสาเหตุของการที่เอนไซม์มีความเสถียรเพิ่มขึ้นเมื่อความเข้มข้นของเกลือเพิ่มขึ้นนั้น ขณะนี้ยังไม่สามารถอธิบายได้ แต่ NaCl อาจจะช่วย preserve conformation ของเอนไซม์นี้ซึ่งน่าจะถูกต้องตามธรรมชาติของเชื้อ Z-10 ที่เป็นแบคทีเรียชอบเค็ม ซึ่งเป็นลักษณะที่ดีของเอนไซม์นี้คือทำงานได้ดีและมีความเสถียรในระบบที่มี NaCl อีกทั้งในทางปฏิบัติแล้วอาจใช้ NaCl เป็นสารป้องกันการปนเปื้อนจากเชื้อไม่ชอบเค็มหรือไม่ทนเค็มได้

11.4 ความเข้มข้นของฟอสเฟตบัฟเฟอร์ต่อการทำงานของเอนไซม์

เมื่อทดสอบหาความเข้มข้นของฟอสเฟตบัฟเฟอร์ที่เหมาะสมต่อการทำงานของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส พบว่าฟอสเฟตบัฟเฟอร์ที่ความเข้มข้น 0.2% จะมีแอกติวิตีของเอนไซม์สูงสุดและพบว่าเอนไซม์มีความเสถียรที่ความเข้มข้นนี้โดยภายหลังการบ่ม 30 นาทีเอนไซม์ยังคงเหลือแอกติวิตีมากกว่า 97% (รูปที่ 22,23)

11.5 ผลของเกลือแร่ต่าง ๆ ต่อการทำงานของเอนไซม์

ทำการทดลองเติมเกลือแร่และสารต่าง ๆ ที่อาจเป็นตัว stabilize แอกติวิตีของเอนไซม์ที่ความเข้มข้นต่าง ๆ บ่มไว้ 30 นาที จากนั้นนำไปทดสอบหาแอกติวิตีของเอนไซม์ต่อสับสเตรก ได้ผลการทดลองดังแสดงในตารางที่ 7 จะเห็นได้ว่าสารประกอบโลหะหนักโดยเฉพาะ CuSO_4 , CuCl_2 , HgCl_2 จะยับยั้งการทำงานของเอนไซม์โดยสิ้นเชิงโดยคาดว่าเป็นการยับยั้งชนิด non-competitive สารอื่น ๆ ก็ไม่มีผลต่อการทำงานของเอนไซม์มากนักยกเว้นสารประกอบของ Magnesium ทั้งในรูป MgSO_4 หรือ MgCl_2 ต่างก็เสริมแอกติวิตีของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสในทุก ๆ ความเข้มข้นที่ทดสอบซึ่งไม่เป็นที่แปลก

โองกทั้งนี้เนื่องจากโดยทั่วไปแล้วเกลือของ Magnesium มักจะเป็น cofactor ของเอนไซม์ต่าง ๆ ซึ่งเกิดในกรณีนี้เช่นกัน

11.6 ความจำเพาะของการทำงานของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส

ทำการทดสอบความจำเพาะต่อการย่อยน้ำตาลโดยเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส โดยใช้น้ำตาลชนิดต่าง ๆ ที่มีพันธะทั้ง alpha และ beta ที่เชื่อมในตำแหน่งต่าง ๆ บนน้ำตาลรวมทั้ง เดกซ์แทรนที่มีขนาดต่าง ๆ กัน ปรากฏว่าเอนไซม์นี้มีความจำเพาะต่อ polymer ของกลูโคสที่มีพันธะเฉพาะ alpha-1,6-glycosidic เท่านั้น ดังแสดงในตารางที่ 8 อนึ่ง hydrolysate ที่ได้จากการย่อยในเวลาที่ย่ำกัดเมื่อนำไปทำ paper chromatography จะได้ product เป็น oligosaccharide ที่อยู่ใกล้กับ origin และให้น้ำตาลที่มีขนาดเล็กที่มีค่า Rf เท่ากับ isomaltose โดยไม่สามารถตรวจพบกลูโคส (อาจมีในปริมาณต่ำมาก) ถึงรูปที่ 24 ดังนั้น พอดีสรุปได้ว่าการทำงานของเอนไซม์นี้เป็นแบบ endo- โดยตัดหน่วยกลูโคสที่ละ 2 โมเลกุลในรูป isomaltose

11.7 การทำให้เอนไซม์บริสุทธิ์บางส่วน

น้ำเลี้ยงเชื้อที่มีเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสเมื่อถูกนำไปตกตะกอนตามลำดับส่วนด้วย NH_4SO_4 พบว่าแอกติวิตีของเอนไซม์จะพบได้สูงสุดที่ 70-80% NH_4SO_4 ตะกอนของโปรตีนที่ได้นี้ถูกนำไปทำให้บริสุทธิ์เพิ่มขึ้นโดยการผ่านเข้าไปใน Sepharose 4B fraction ที่มีแอกติวิตีจะถูก pool แล้วทำให้เข้มข้นโดย ultrafiltration ผ่าน Amicon membrane แล้ว load บน DEAE-cellulose column เอนไซม์ที่ถูกดูดซับจะถูก elute ออกด้วย NaCl (profile ของเอนไซม์ที่ elute ผ่าน Sepharose-4B และ DEAE-cellulose แสดงไว้ในรูปที่ 25 และ 26)

11.8 การศึกษาจลนศาสตร์ของเอนไซม์

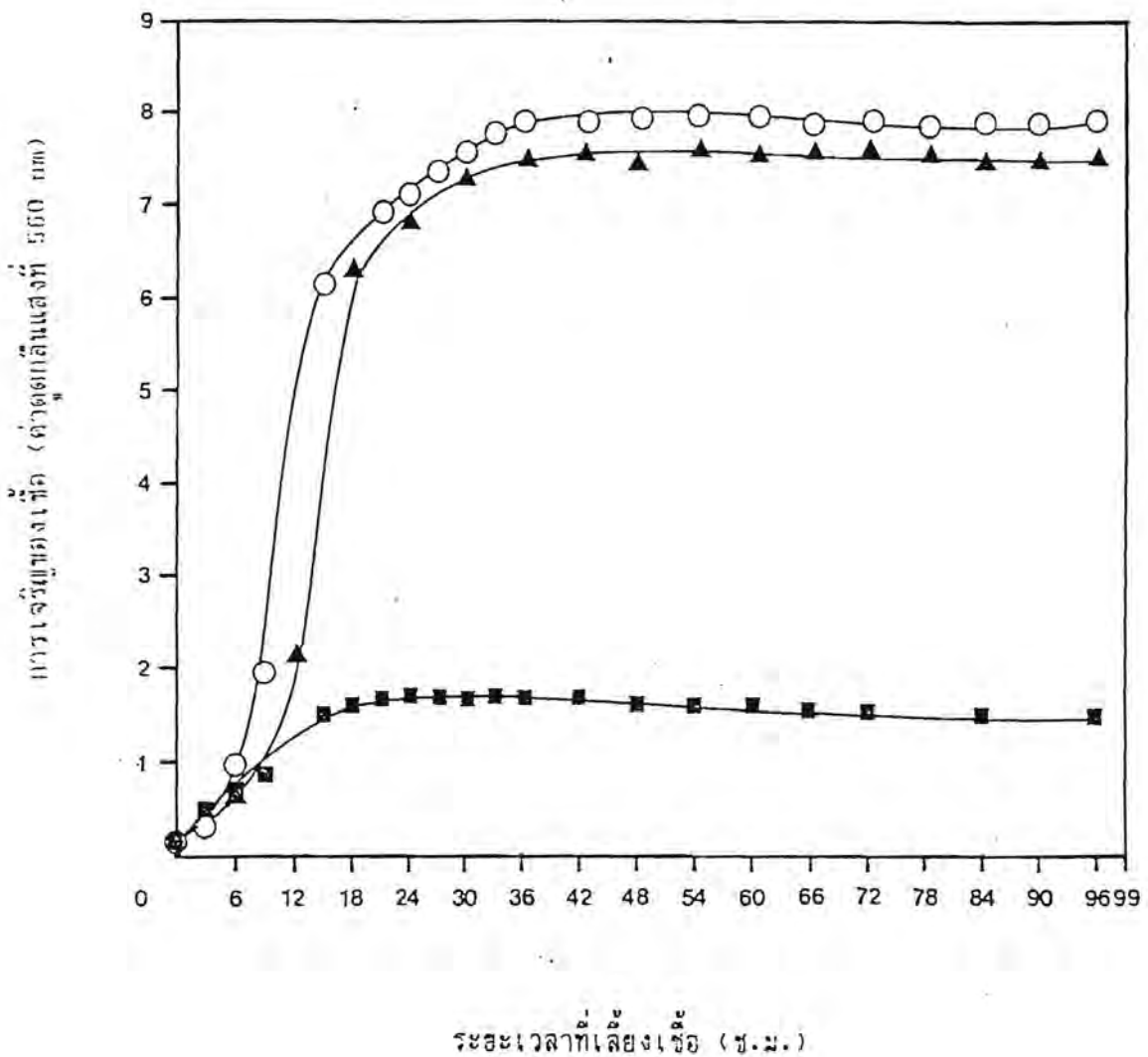
การหาค่า Km ของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสที่ได้จากข้อ 11.7 ต่อสับสเตรท dextran T-2000 (Pharmacia) โดยบ่มที่ความเข้มข้น 0-5.0 โมลาร์ แล้วเขียนผลการทดลองในรูปของไลน์-วีเวอร์-เบอร์ก จะได้ค่า Km ของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสต่อ Dextran T2000 เท่ากับ 0.558×10^{-5} โมลาร์ ดังแสดงในรูป 27

12. การศึกษาอนุกรมวิธานของเชื้อ Z-10

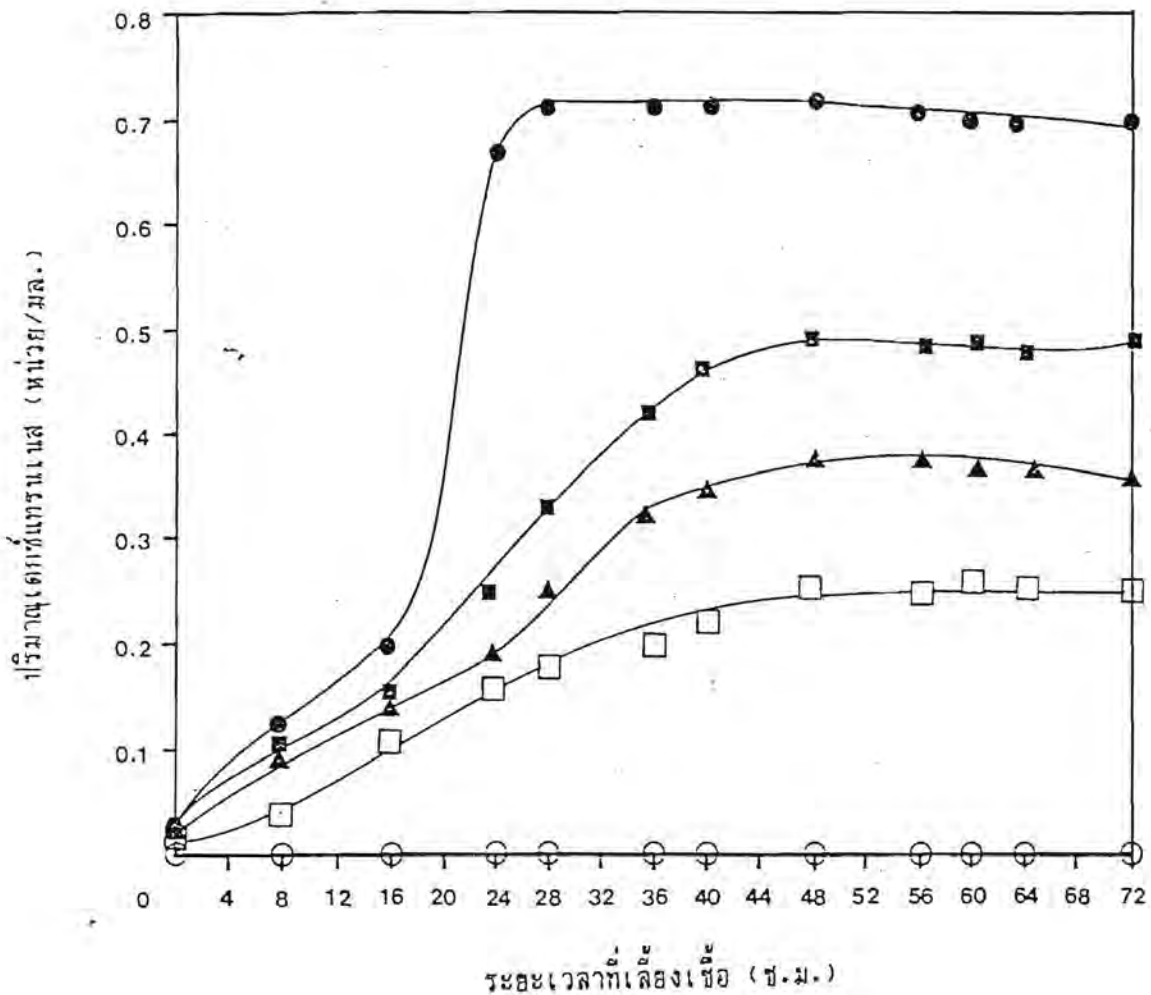
จากการตรวจสอบทางลักษณะวิทยาของเชื้อ Z-10 พบว่าเชื้อนี้มีรูปร่างชนิด coccus อยู่เป็นคู่หรือเป็นสายยาว ติดสีแกรมบวก มีลักษณะโคโลนิกรวมบนตรงกลางและมีขอบเรียบ และเมื่อประเมินผลนี้ร่วมกับผลการทดสอบทางชีวเคมี (ตารางที่ 9 และ 10) ตาม Bergey's Manual of Systematics Bacteriology ทำให้จำแนกเชื้อนี้เป็น Micrococcus สายพันธุ์ Z-10

โดยสรุปงานวิจัยนี้ได้บรรลุผลสำเร็จโดยสามารถแยกแบคทีเรียทนเค็มที่สามารถสร้างเอนไซม์
 เดกซ์แทรนเนสที่ทำงานได้ดีที่ 2.5% เกลือ (NaCl) และมีความเสถียรที่ความเข้มข้นของ NaCl สูง ๆ
 และยังได้ปรับปรุงสูตรอาหารที่เหมาะสมต่อการเจริญและการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสโดยสามารถเพิ่มผล
 ผลิตของเอนไซม์จาก *Micrococcus* sp. Z-10 ขึ้น 33 เท่าของผลผลิตก่อนการปรับปรุงสูตรอาหาร (16.4
 หน่วยต่อมล. น้ำเลี้ยงเชื้อ) ซึ่งมีปริมาณปานกลางในกลุ่มจุลินทรีย์ที่สร้างเดกซ์แทรนเนสทั้งหมด คือน้อยกว่าราแต่
 สูงกว่าแบคทีเรียทั่ว ๆ ไปรวมทั้ง *Bacillus circulans* ซึ่งถูกรายงานว่าใช้สำหรับย่อยสลายเดกซ์แทรน
 จาก *Streptococcus mutans* โดยตรงและสูงกว่ายีสต์ *Lipomyces starkeyi* (ตารางที่ 11) อีกทั้ง
 ได้สภาวะที่เหมาะสมสำหรับการทำงานของเอนไซม์ตามที่บรรยายมาแล้วข้างต้น สำหรับเอนไซม์ที่ได้นี้เป็น
 เอนไซม์ที่มีความจำเพาะต่อการย่อยเดกซ์แทรนชนิด alpha-1,6 สำหรับเอนไซม์ชนิด alpha-1,3
 dextranase นั้นจากเชื้อและเอนไซม์ที่ได้มายังไม่พบเชื้อใดที่สร้างเอนไซม์ดังกล่าว เนื่องจากในทางปฏิบัติ
 ไม่สามารถจะใช้ dextran ชนิด alpha-1,3 เป็นตัวคัดแยก (ไม่มีการจำหน่ายทางพาณิชย์) จึงต้องใช้การ
 แยกคัดด้วย dextran จาก *Leuconostoc mesenteroides* ซึ่งเป็นเดกซ์แทรนชนิด alpha-1,6 เป็นตัว
 ช่วยคัดแยกแทนทำให้ไม่สามารถคัดเฉพาะพวกที่เป็น alpha-1,3 ได้จนกว่าจะนำเอนไซม์มาย่อยสลายสับ
 สเตรทที่ต้องการจึงจะทราบได้ อย่างไรก็ตามการวิจัยนี้ทำให้ได้เอนไซม์ที่มีสมบัติทนเกลือที่มี alpha-1,6
 specificity ซึ่งในทางปฏิบัติจะใช้ร่วมกับชนิด alpha-1,3 สำหรับแก้ปัญหาอันเนื่องตามเจตนาเดิมเบื้องต้น
 ได้ อีกทั้งได้พัฒนาวิธีการ optimization และสูตรอาหารซึ่งอาจใช้สำหรับเลี้ยงแบคทีเรียทนเค็มอื่น ๆ
 โดยเฉพาะพวกสร้าง dextranase ให้สร้างเอนไซม์ตามที่ต้องการได้

เลี้ยงเชื้อ Z-10 ในอาหารสูตร Yamaguchi ○ สูตรดัดแปลงของ Okami ▲
และสูตรของ Schroeder ■ ที่เสริมด้วยเดกซ์แทรน 1% ที่ 30°C และเขย่า
200 รอบต่อนาที

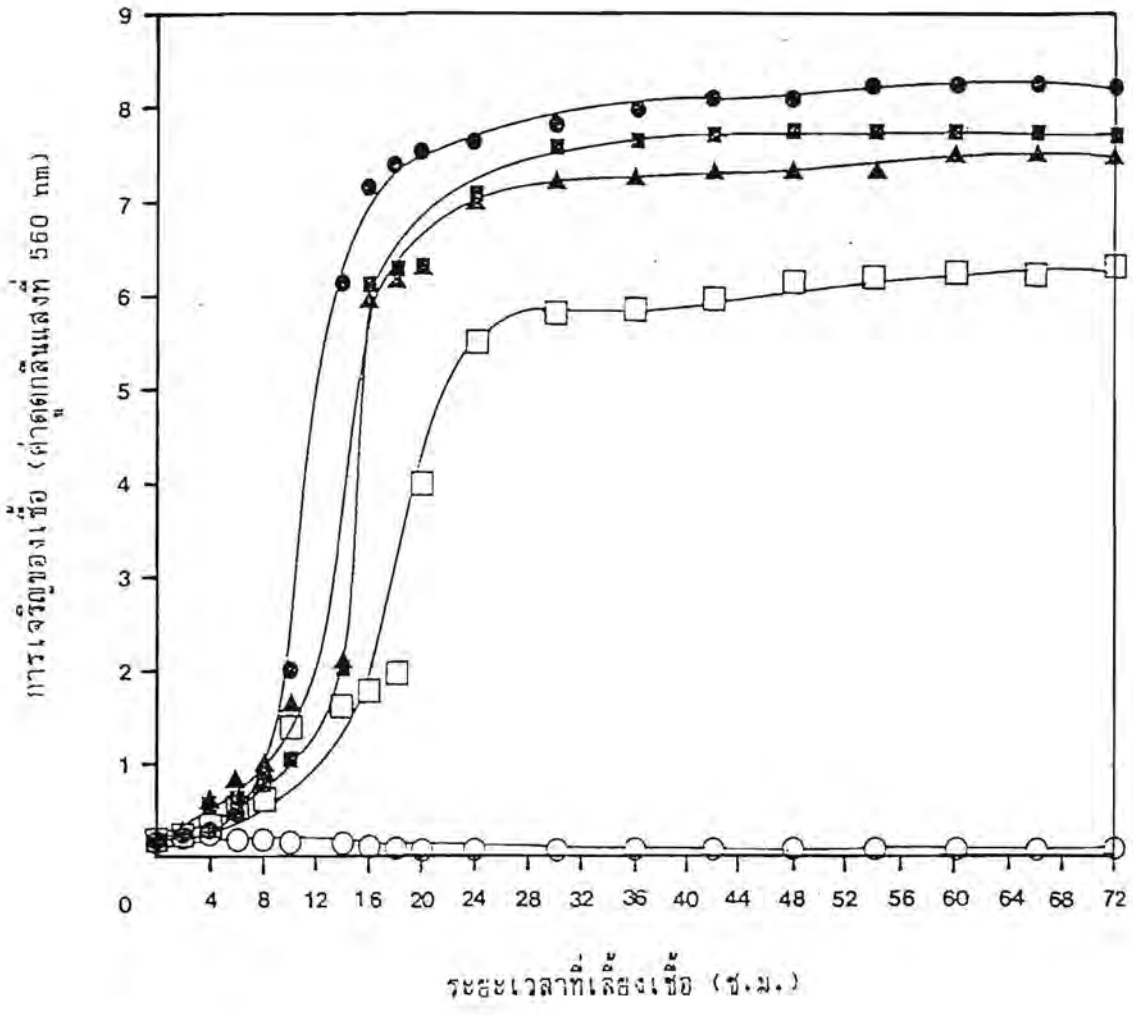


รูปที่ 2A ผลของอุณหภูมิต่อการผลิตเอนไซม์แลกซ์แทรนเนสโดยเชื้อ Z-10
 เลี้ยงเชื้อ Z-10 ในอาหารสูตร Yamaguchi ที่เสริมด้วยแลกซ์แทรน 1% ที่
 อุณหภูมิต่าง ๆ และเขย่า 200 รอบต่อนาที
 ■ = 28-30°C ● = 30-35°C ▲ = 40°C □ = 45°C ○ = 50°C

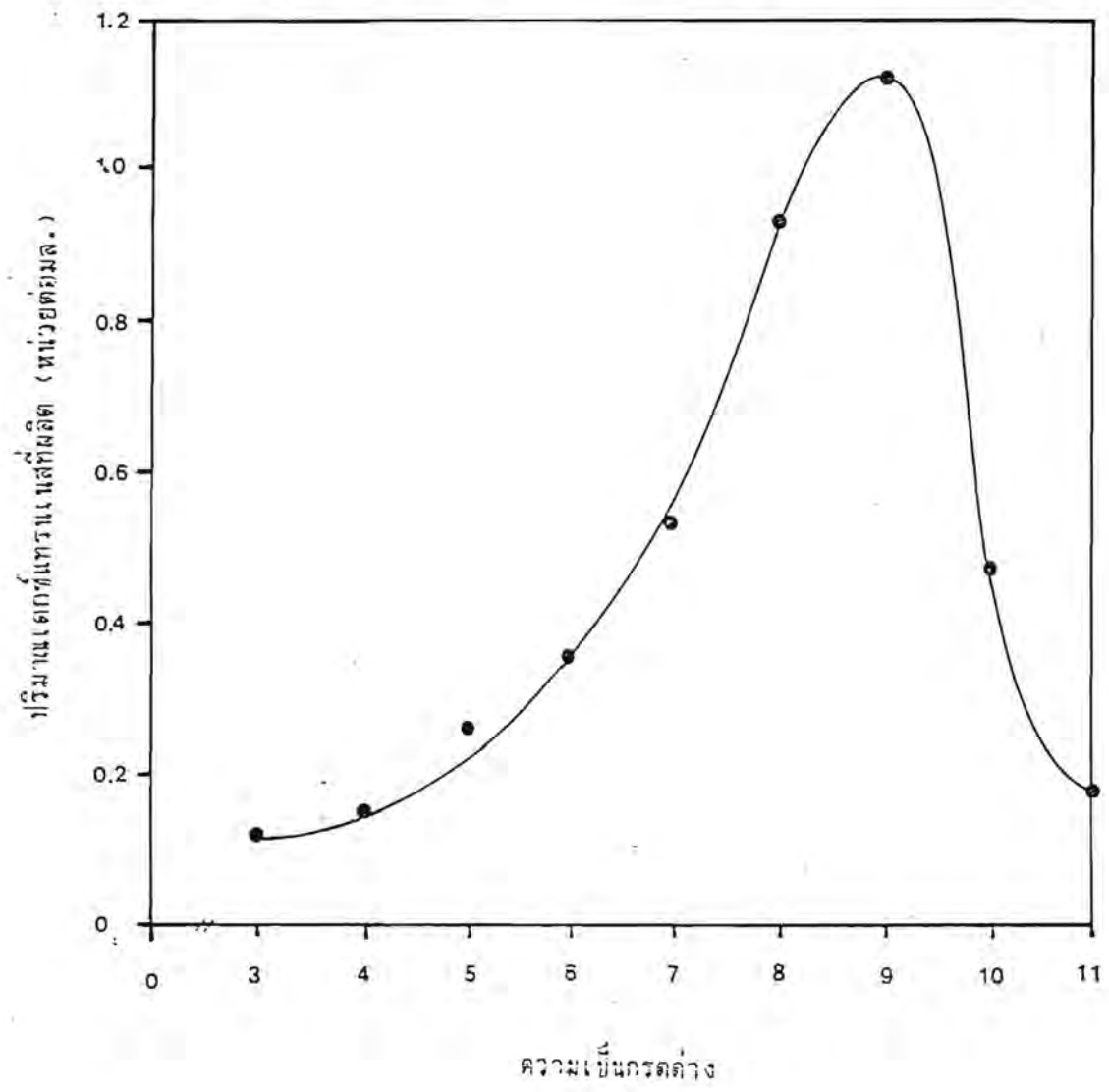


รูปที่ 28 การเจริญของเชื้อ Z-10 ที่อุณหภูมิต่าง ๆ ภายใต้สภาวะการเลี้ยงเช่นเดียวกับรูปที่ :

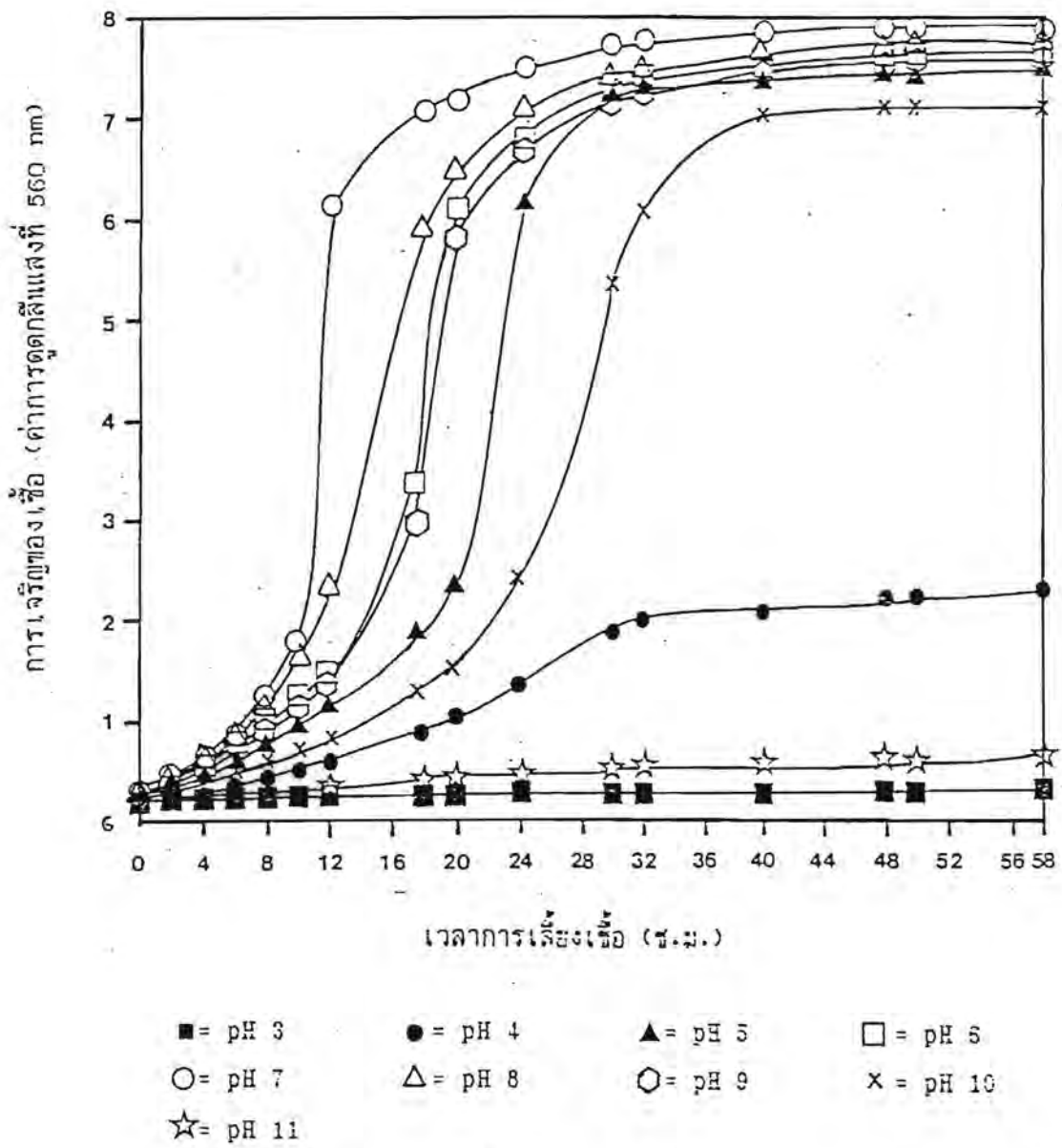
■ = 28-30°C ● = 30-35°C ▲ = 40°C □ = 45°C ○ = 50°C



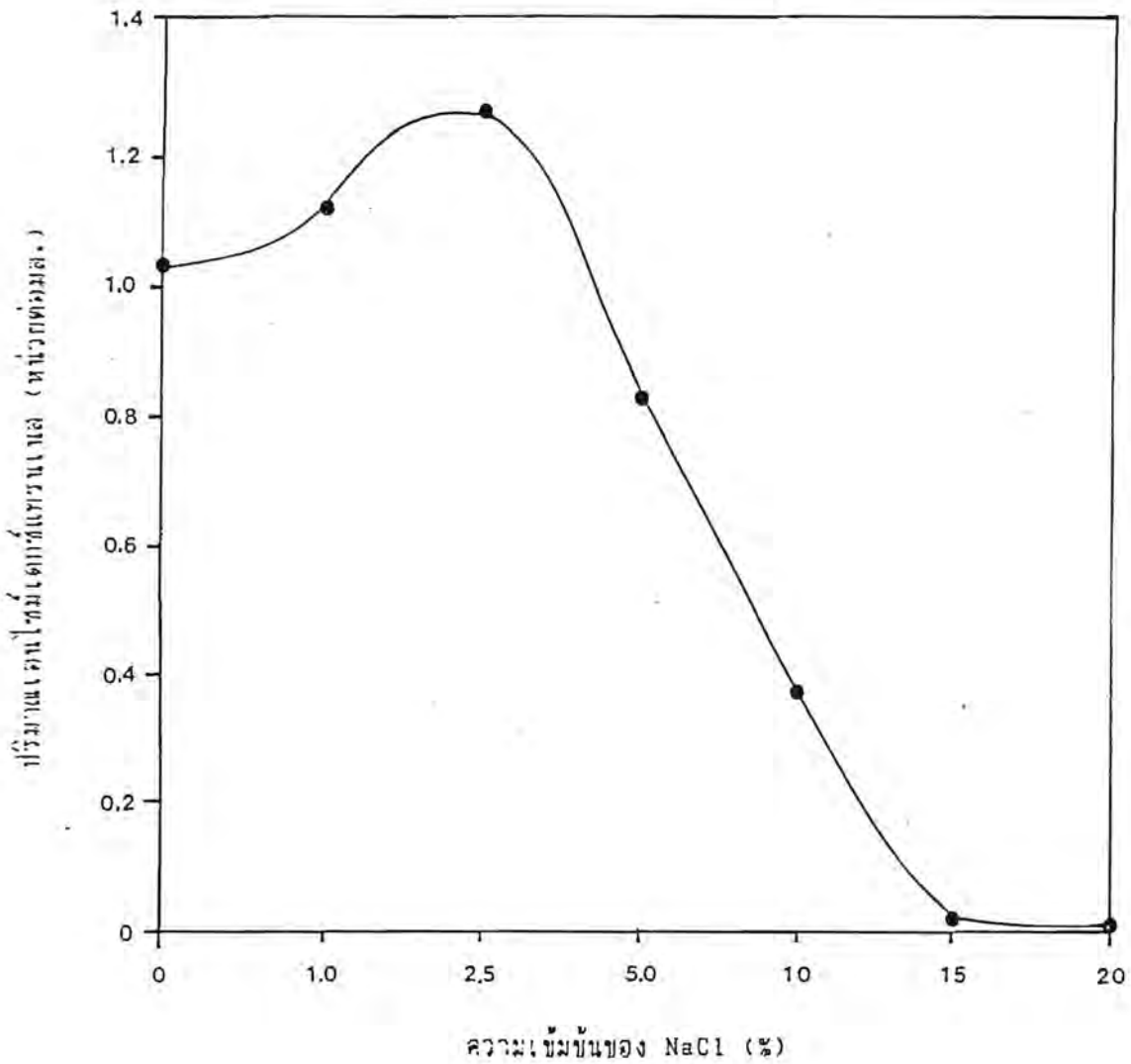
รูปที่ 3 ผลของความเป็นกรดต่าง เริ่มต้นในอาหารเลี้ยงเชื้อต่อการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส
เชื้อ Z-10 ตูกลีสงในอาหาร Yamaguchi ที่อุณหภูมิห้องภายใต้การ
เขย่า 200 รอบ/นาที ที่ความเป็นกรดต่าง เริ่มต้นต่าง ๆ กัน



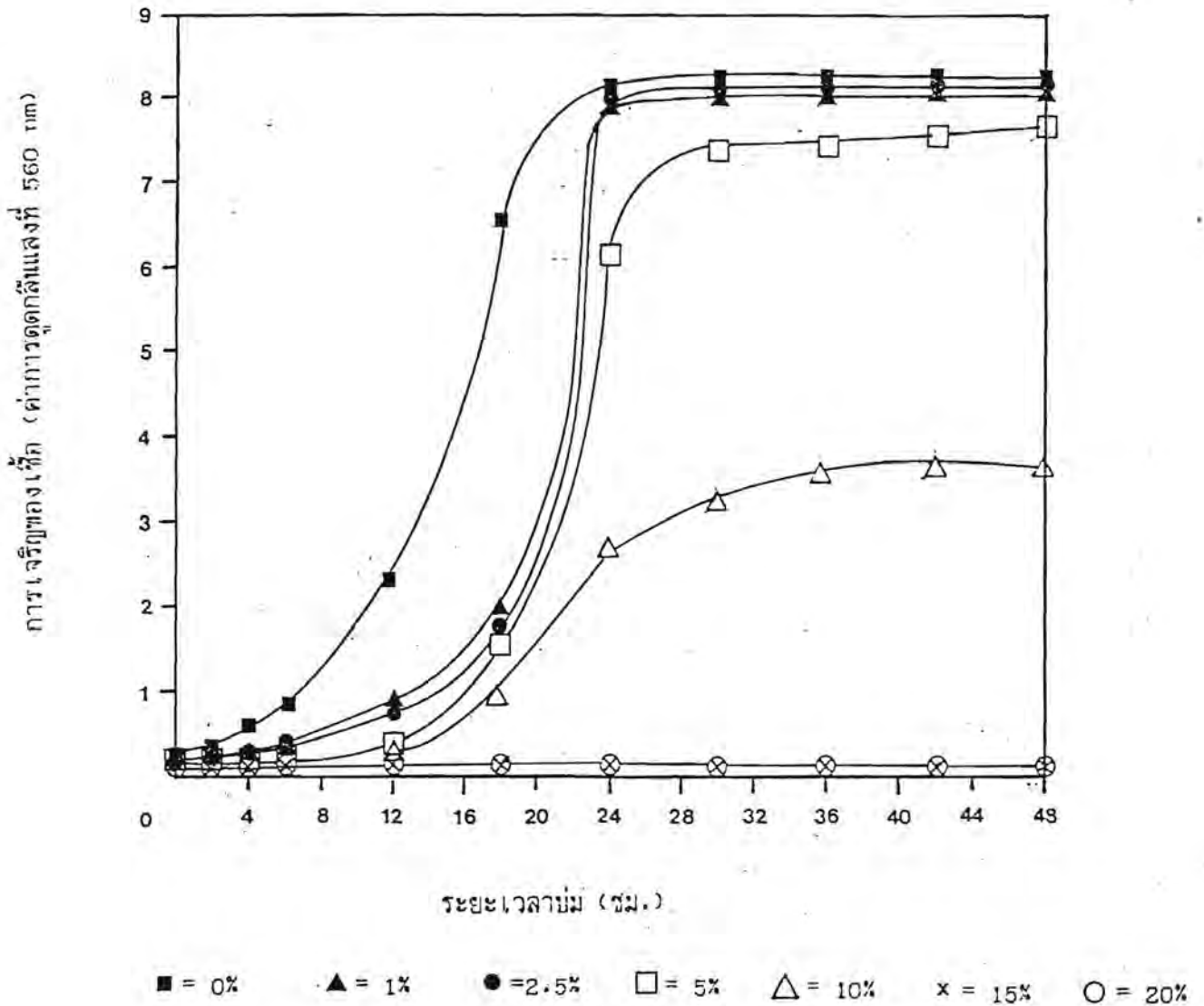
รูปที่ 4 การเจริญของเชื้อ Z-10 ในสูตรอาหาร Yamauchi โดยแปรผันความเป็นกรดต่างเริ่มต้น ทั้งนี้เป็นข้อมูลจากการทดลองเดียวกันกับรูปที่ 3



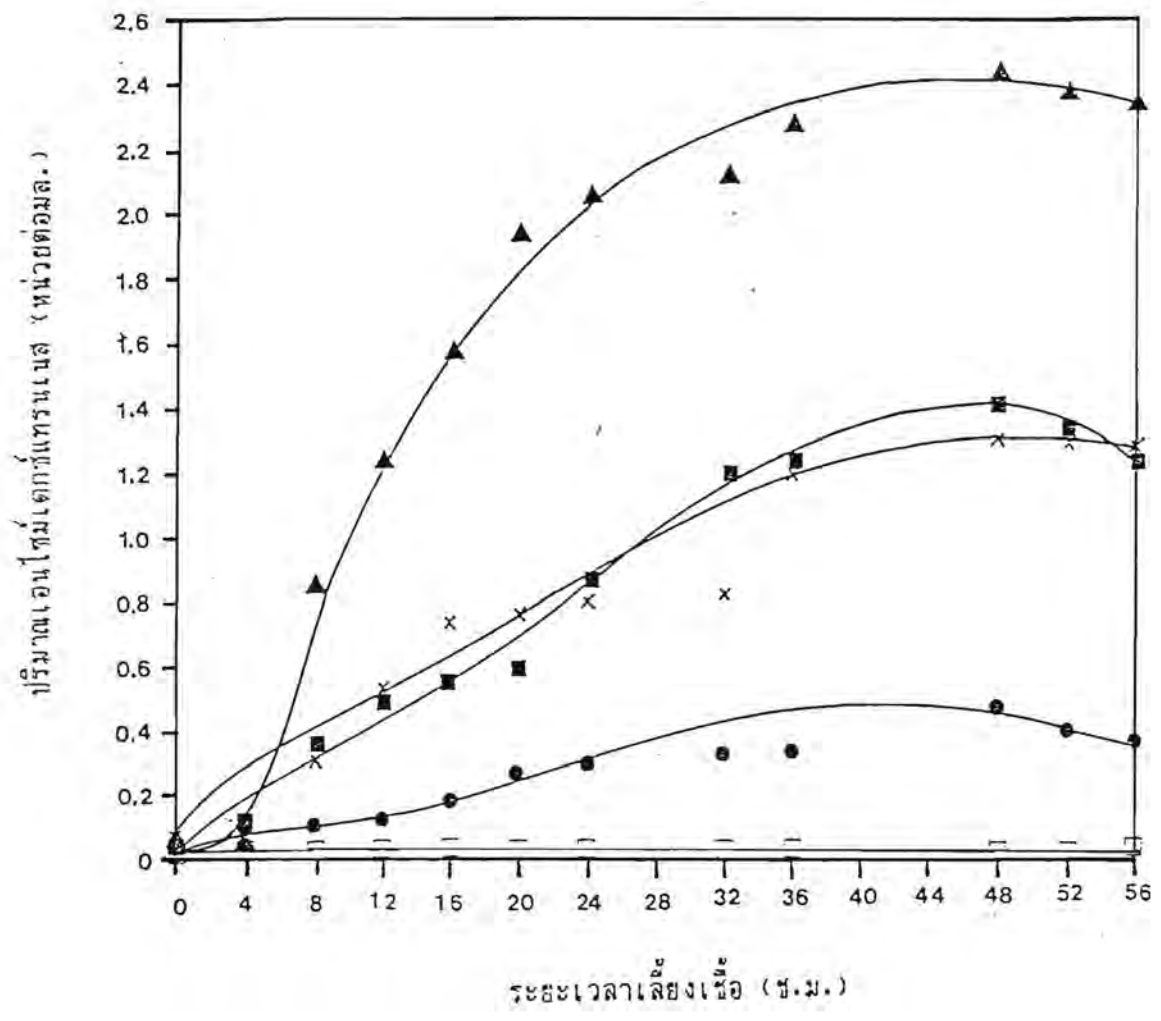
รูปที่ ๕ ผลของ NaCl ในอาหารเลี้ยงเชื้อต่อการผลิตเอนไซม์เคกซ์แทรนเนส
เลี้ยงเชื้อ Z-10 ภายใต้สภาวะเดียวกันกับรูปที่ ๑ และเสริมด้วย NaCl
ตามที่ระบุ



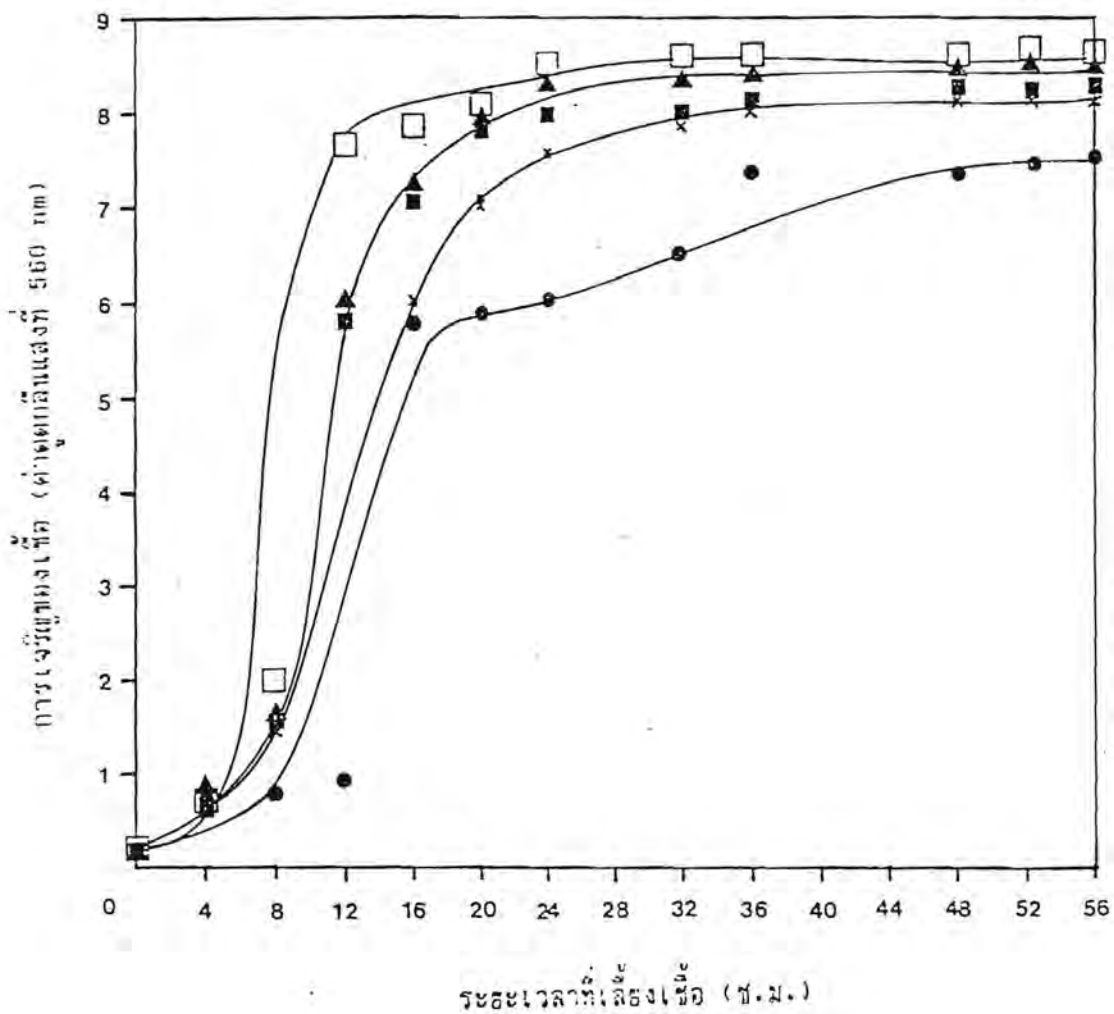
รูปที่ 6 การเจริญของเชื้อ Z-10 ในสูตรอาหาร Yamaguchi ที่เติม NaCl ที่ความเข้มข้นต่าง ๆ โดยเป็นชุดการทดลองเดียวกับรูปที่ 5



รูปที่ 7 ปริมาณของเดกซ์แทรนในอาหารเลี้ยงเชื้อต่อการสร้างเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส
 เลี้ยงเชื้อ 2-10 ในอาหาร Yabaguchi ที่เสริมด้วยเดกซ์แทรนในปริมาณต่าง ๆ
 หรือกลูโคส ที่ความเข้มข้นต่างเริ่มต้น 9.0 อนุกรมห้องและเขย่า 200 rpm
 □ = 2% กลูโคส ▲ = 0.5% เดกซ์แทรน ■ = 1.0% เดกซ์แทรน
 ● = 2.0% เดกซ์แทรน x = 1.5% เดกซ์แทรน



รูปที่ 8 การเจริญของเชื้อ Z-10 ในอาหาร Yamaguchi ที่เสริมด้วยเดกซ์แทรนใน ปริมาณต่าง ๆ ภายใต้สภาวะการเลี้ยงเช่นเดียวกับรูปที่ 7



□ = 0.2% กลูโคส

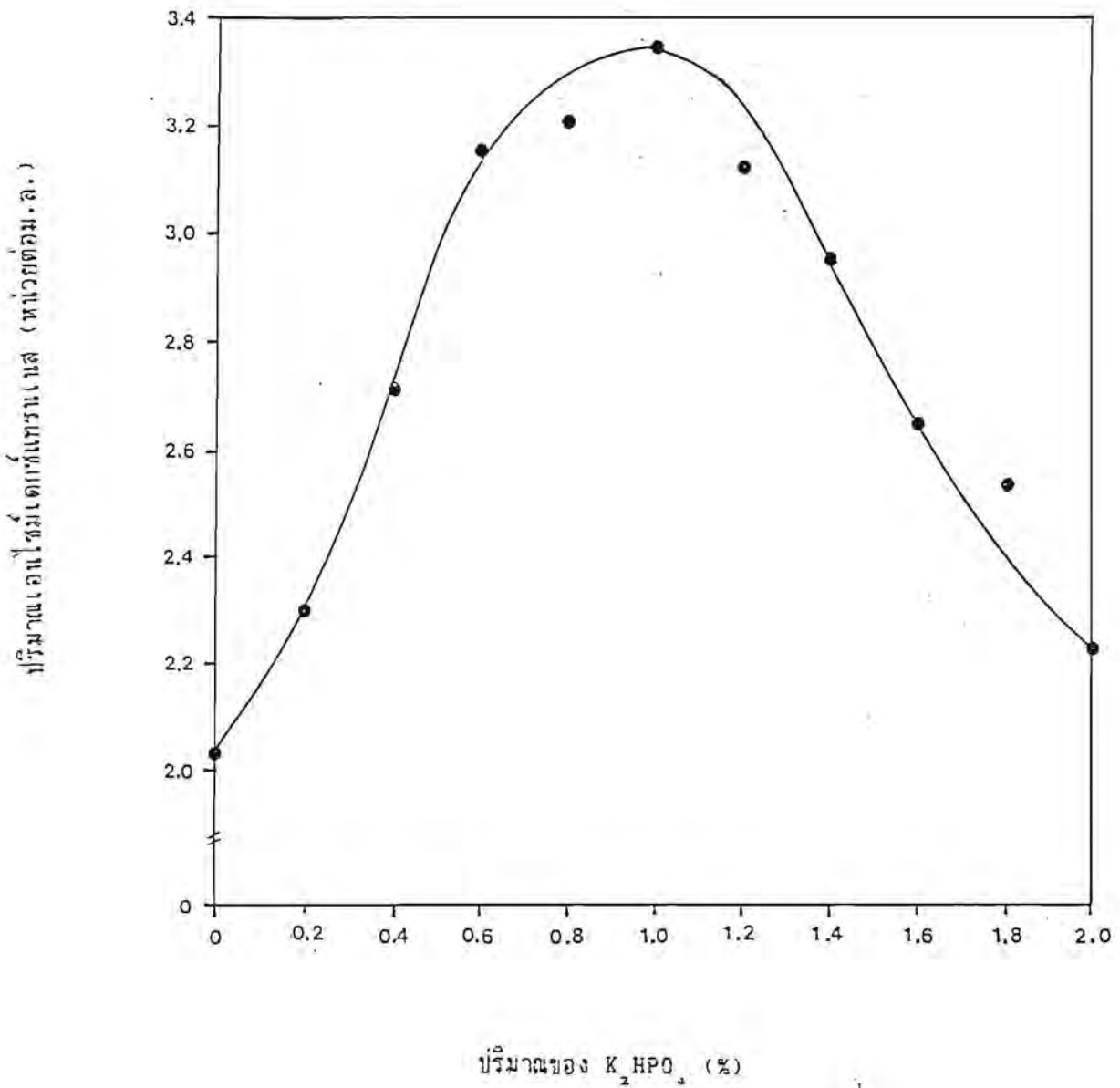
■ = 1.0% เดกซ์แทรน

● = 2.0% เดกซ์แทรน

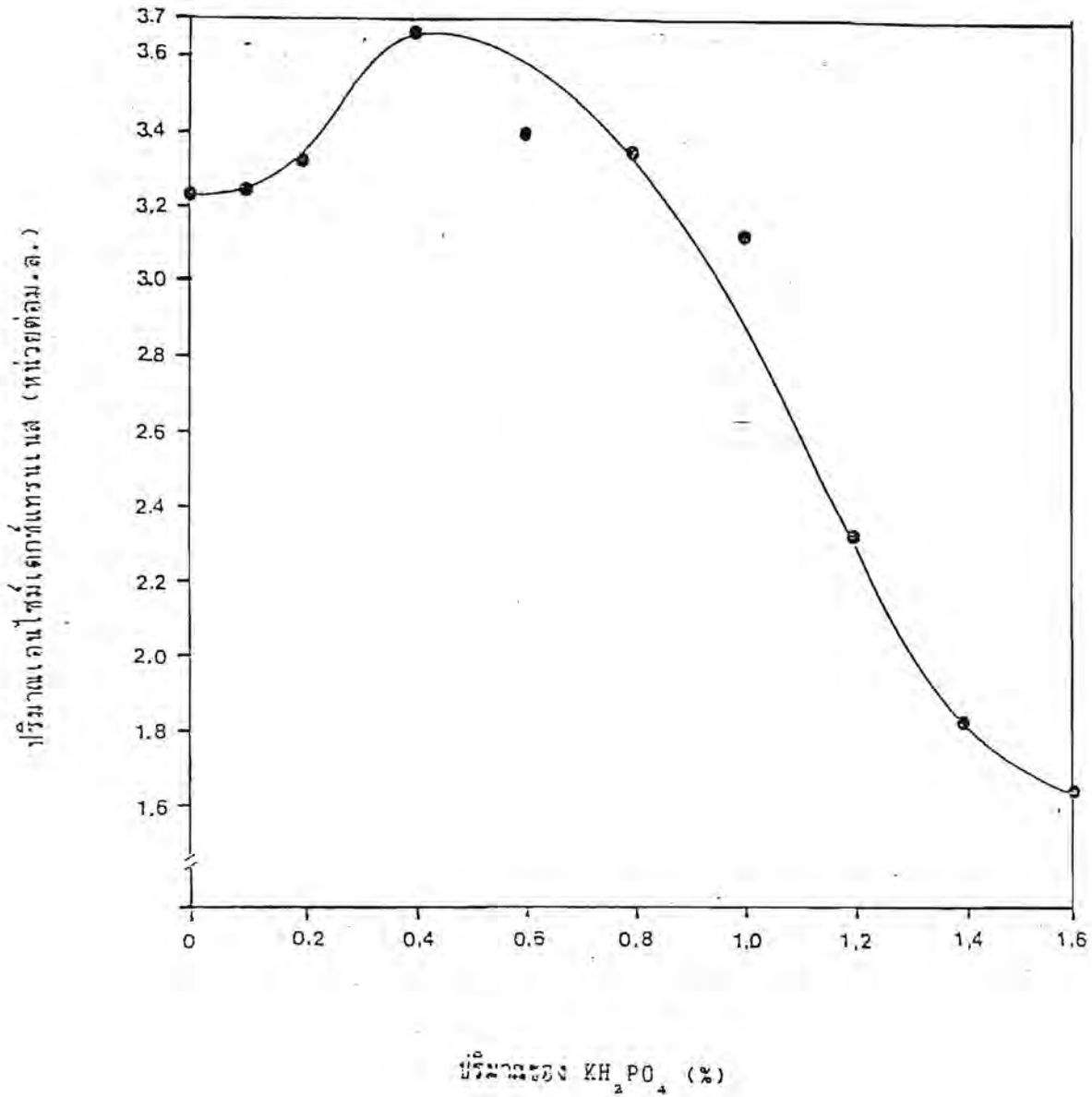
▲ = 0.5% เดกซ์แทรน

x = 1.5% เดกซ์แทรน

รูปที่ 9 ผลของ K_2HPO_4 ต่อการผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส
 เลี้ยงแบคทีเรีย Z-10 ในอาหารเลี้ยงเชื้อ Yamaguchi ที่สภาวะเดียวกันกับ
 รูปที่ 7 แต่เสริมด้วยเดกซ์แทรน 0.5% แล้วแปรผันปริมาณของ K_2HPO_4
 ในช่วง 0-2.0%

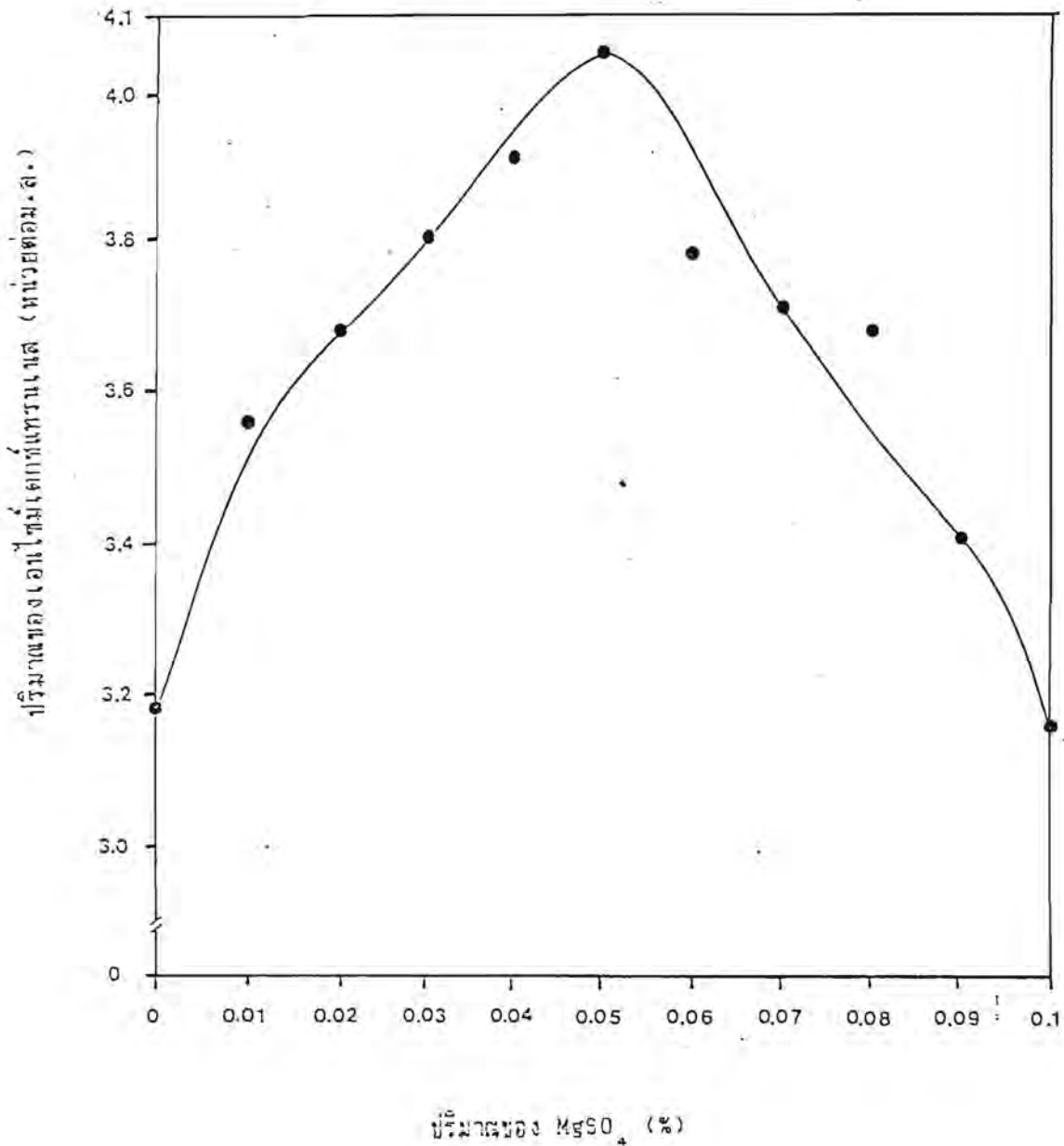


รูปที่ 10 ผลของ K_2HPO_4 ต่อการมีลิซีนในเนื้อสัตว์โดยเชื้อ Z-10
เลี้ยงแบคทีเรีย Z-10 ในอาหารเลี้ยงเชื้อ Yamaguchi ที่สภาวะเดียวกันกับ
รูปที่ 7 แต่เสริมด้วยวิตามิน B₁₂ 0.5% แล้วแปรผันปริมาณของ KH_2PO_4
ในช่วง 0-2.0%



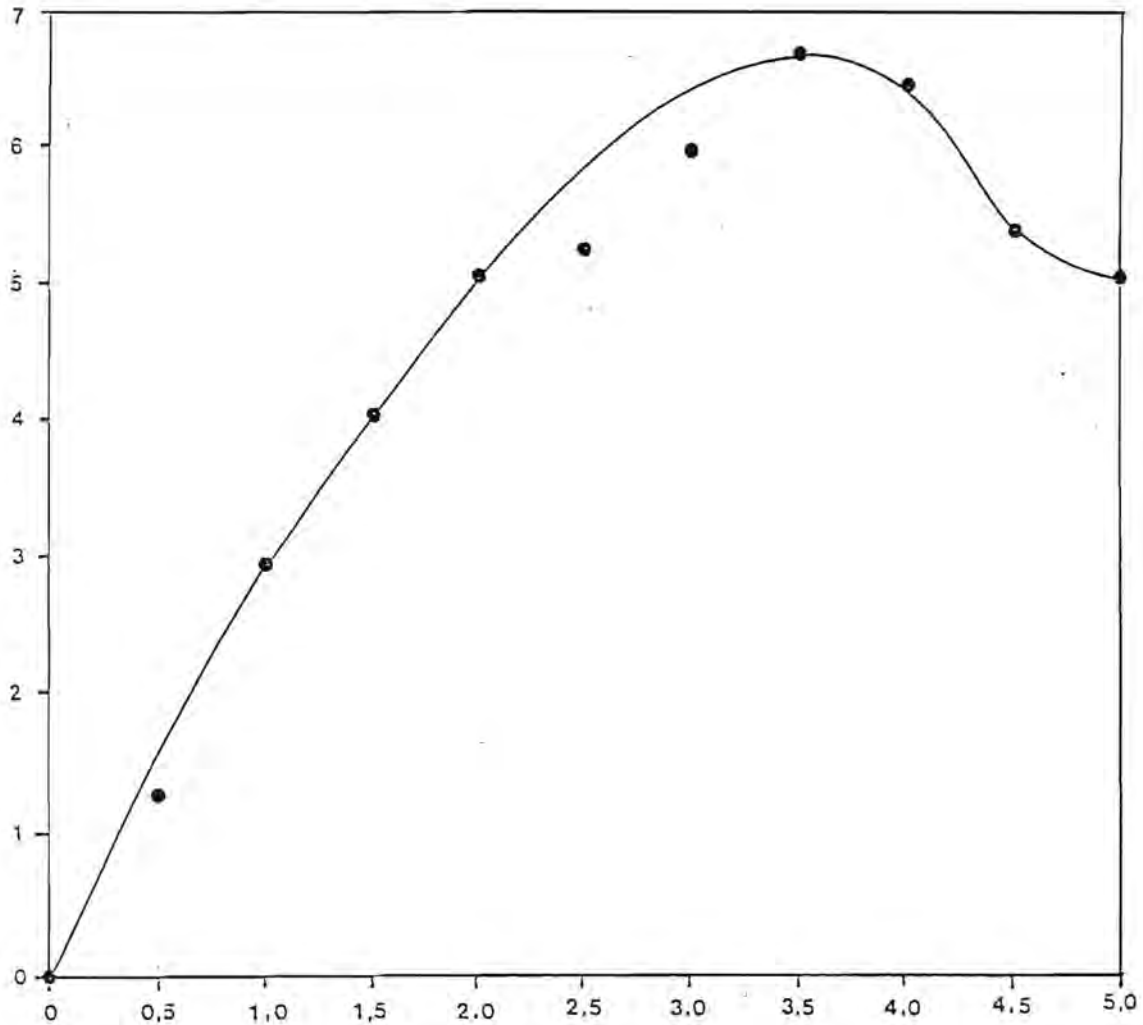
รูปที่ 11 ผลของ $MgSO_4$ การผลิตเอโนไซม์เตกซ์แทรนเนสโดยเชื้อ Z-10

เลี้ยงเชื้อ Z-10 ในอาหาร Yamaguchi ที่ได้รับการปรับปรุงเหมือนที่ใช้ในรูป
ที่ 8 แต่ใช้ KH_2PO_4 0.4% แล้วแปรผันปริมาณของ $MgSO_4$ ในช่วง 0-0.1%



รูปที่ 12 การใช้ Casamino acid เป็นแหล่งของไนโตรเจน

เชื้อ Z-10 ถูกเลี้ยงในอาหาร Yamaguchi สูตรปรับปรุงเช่นเดียวกับที่
ใช้ในรูป 11 แต่ใช้ K_2SO_4 ในปริมาณ .05% แล้วแปรผันปริมาณของ
Casamino acid ในช่วง 0-5%

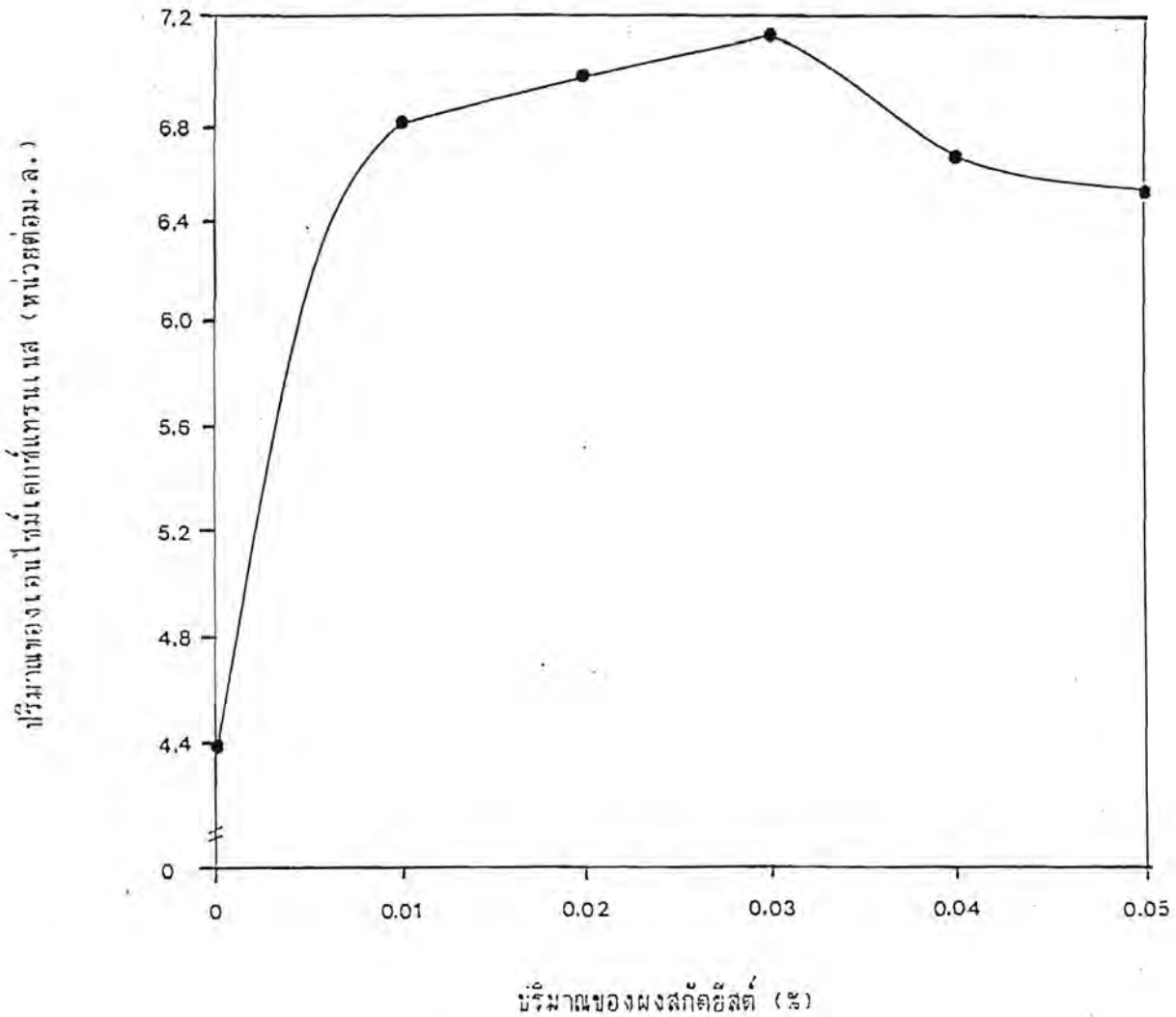


ปริมาณของ Casamino acid (%)

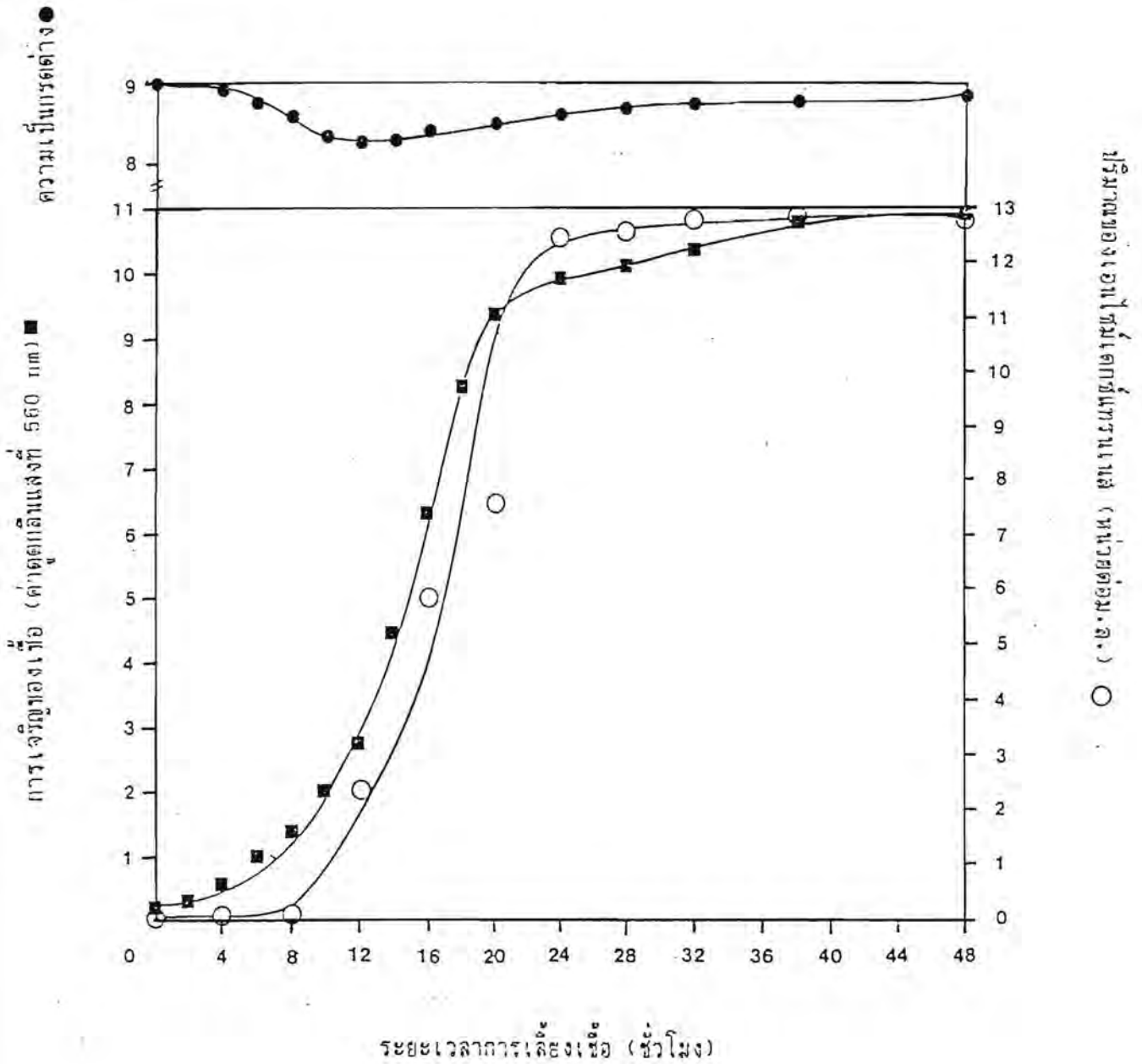
ปริมาณของไนโตรเจนเอง (หน่วยต่อม.ล.)



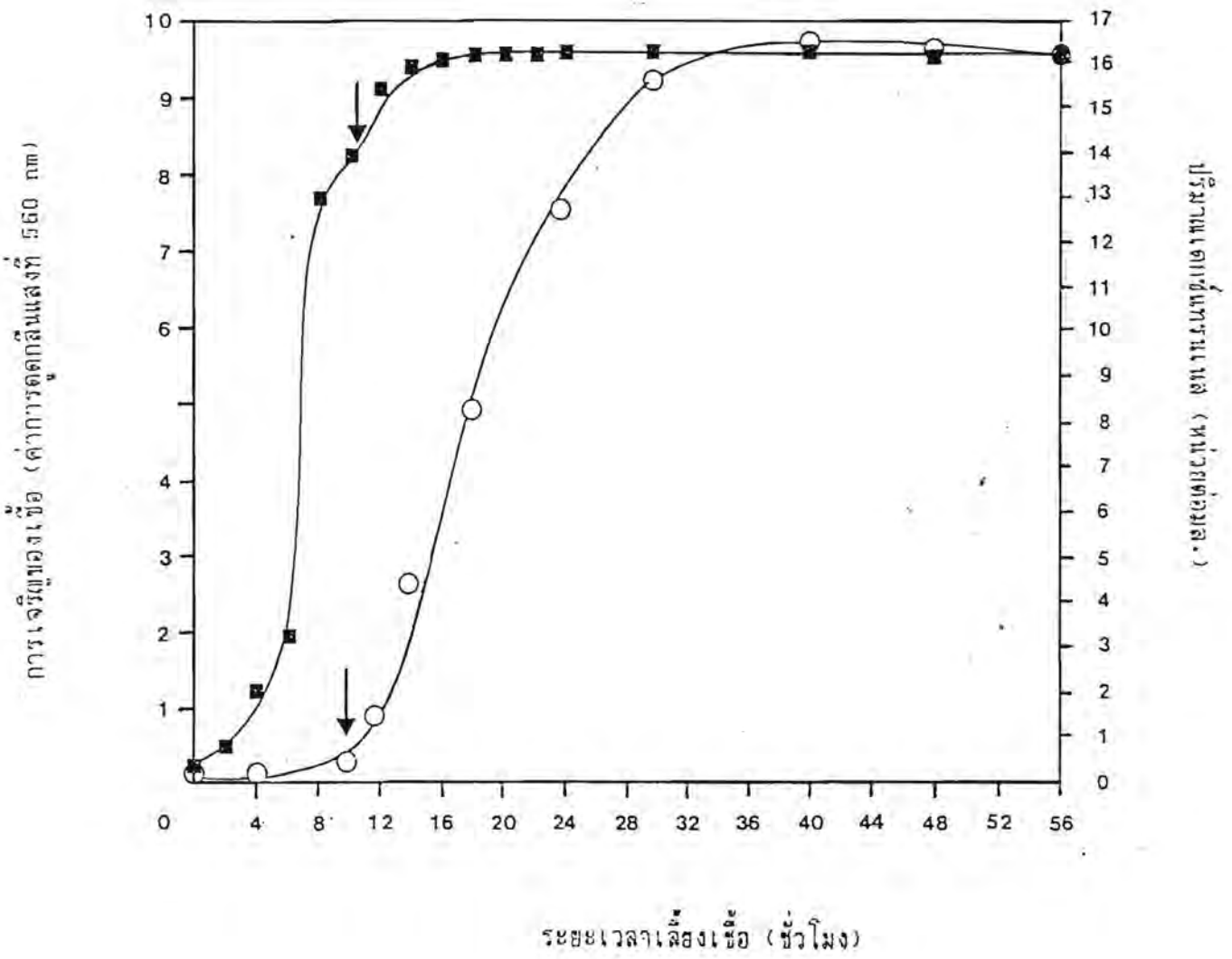
รูปที่ 13 ผลของผงยีสต์สกัดต่อการสร้างเอนไซม์ไลม์เคอร์แทรนเนส
ใช้อาหารเลี้ยงเชื้อที่มีส่วนประกอบเช่นเดียวกับรูปที่ 12 แล้วเติมผงยีสต์สกัด
ในปริมาณ 0 - 0.05% ลงไป



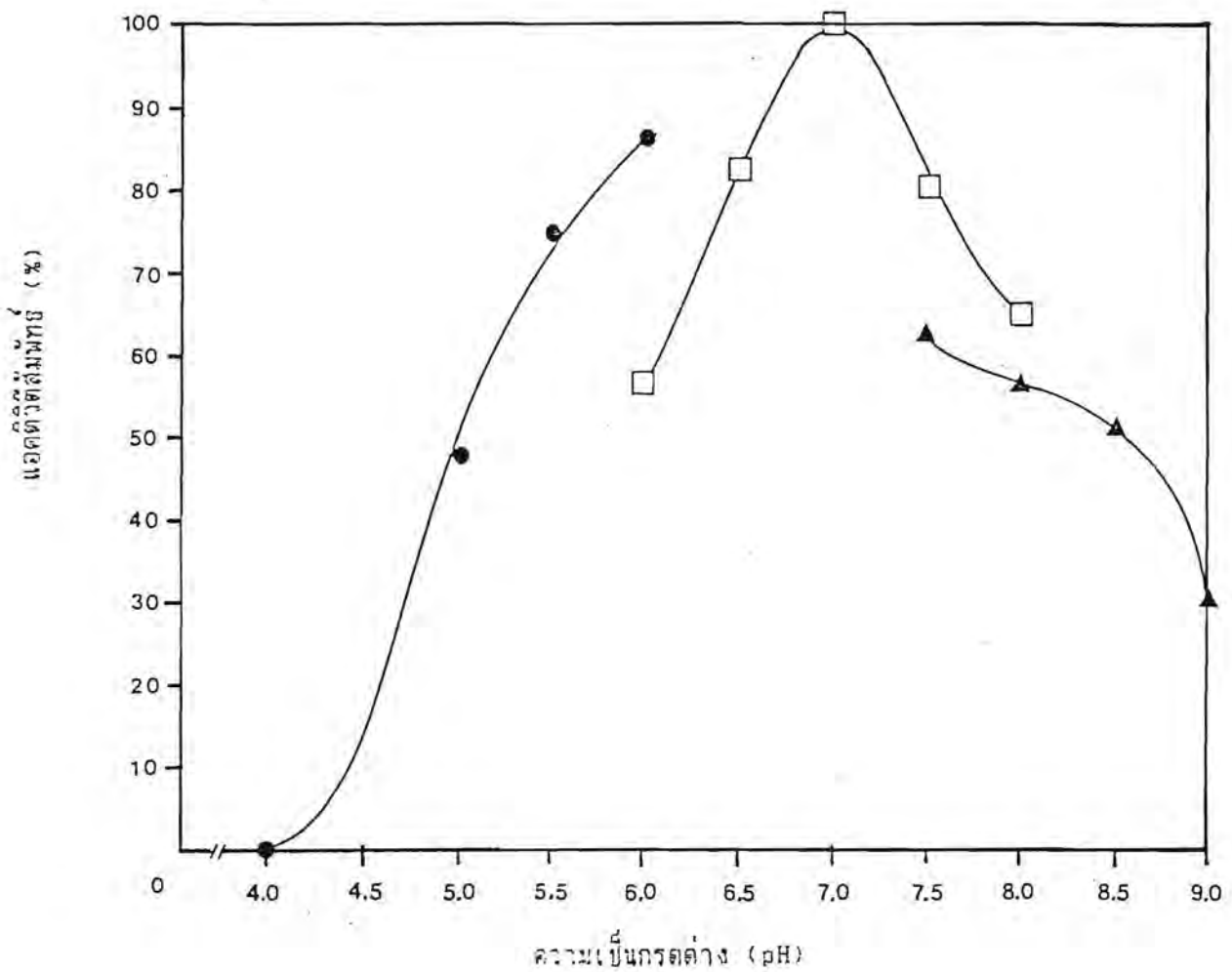
ความสัมพันธ์ระหว่างการเจริญและการสร้างเอนไซม์เตกซ์แทรนเนสโดยเชื้อ Z-10
เลี้ยงเชื้อ Z-10 ในอาหาร Ycasoynch: สูตรปรับปรุง (ตารางที่ 6) ที่อุณหภูมิห้อง
ความเป็นกรดต่างเริ่มต้น 9.0 ภายใต้การเขย่า 200 รอบต่อนาที



รูปที่ 15 การใช้กลูโคสและเดกซ์แทรนเป็นแหล่งของคาร์บอนกับการใช้เดกซ์แทรนอย่างเคียว
 เล็งเชื้อ Z-10 ในอาหาร Yamaguchi สูตรปรับปรุงภายใต้สภาวะมาตรฐาน โดย
 สภาวะแรกใช้ 0.5% กลูโคสเป็นแหล่งคาร์บอนจนเชื้อเจริญถึงระยะ late
 log phase (หัวลูกศร) แล้วเสริม 0.25% เดกซ์แทรนเสริมลงไปเทียบกับ
 สภาวะมาตรฐานที่ใช้ 0.5% เดกซ์แทรนเป็นแหล่งของคาร์บอนเพียงอย่างเดียว



รูปที่ 16 อิทธิพลของความเข้มข้นกรดต่างต่อการทำงานของเอนไซม์เตกซ์แทรนเนส
 บ่มเอนไซม์ที่ระดับสเตรทในระบบบัฟเฟอร์ ดังนี้: ● ซีเตรท-ฟอสเฟต (pH 4-6)
 □ ฟอสเฟต (pH 6-9), ▲ ทริส(ไฮดรอกซีมีเทน)อะมีโนมีเทน (pH 7.5-9)
 โดยให้แอกติวิตีที่ pH 7.0 ซึ่งสูงที่สุดเท่ากับ 100%

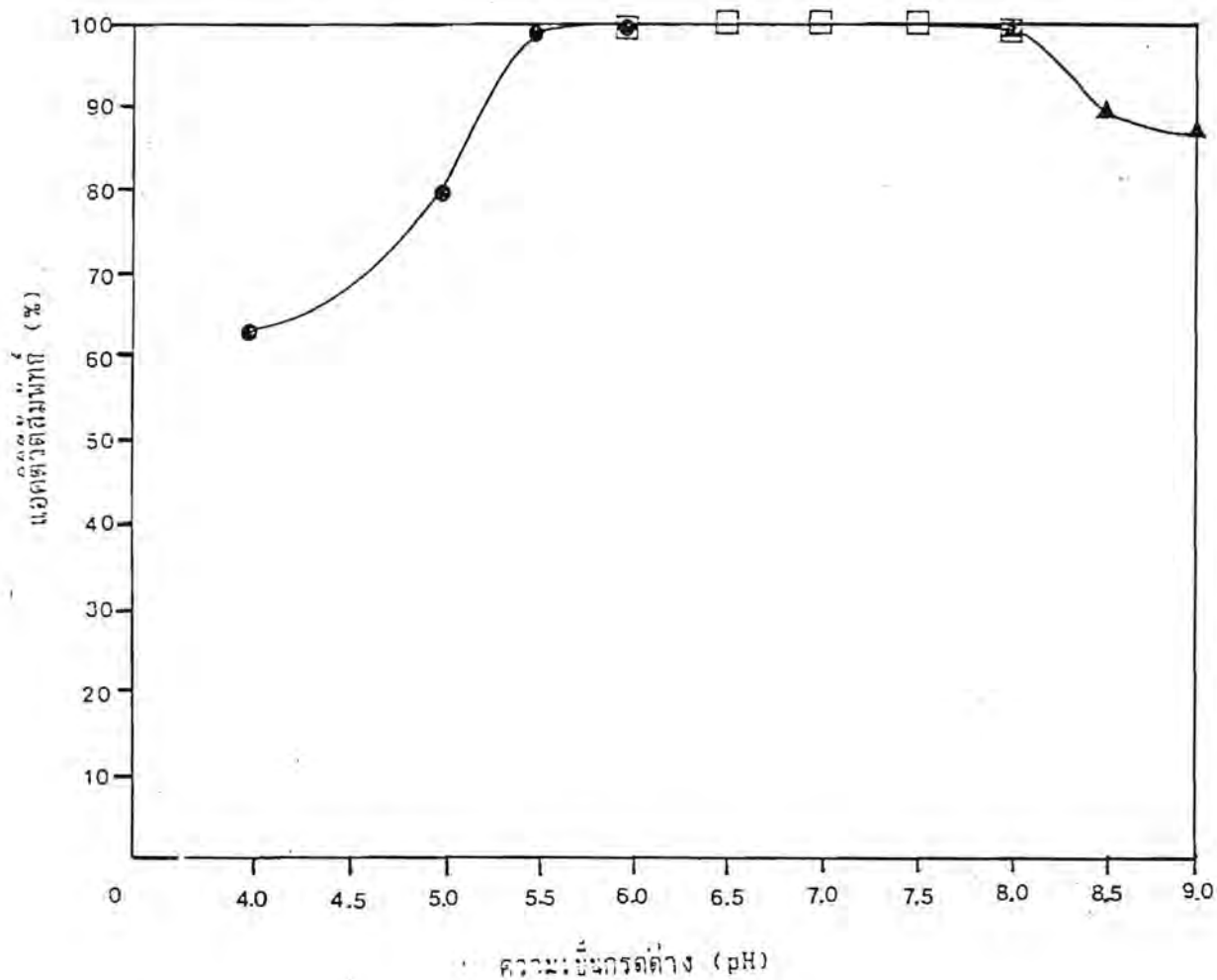


รูปที่ 17 ความเสถียรของเอนไซม์ต่อความเข้มข้นกรดต่าง

ข้มเอนไซม์ในระบบบัฟเฟอร์ต่าง ๆ ดังนี้: ● ซีเตรท-ฟอสเฟต (pH 4-5)

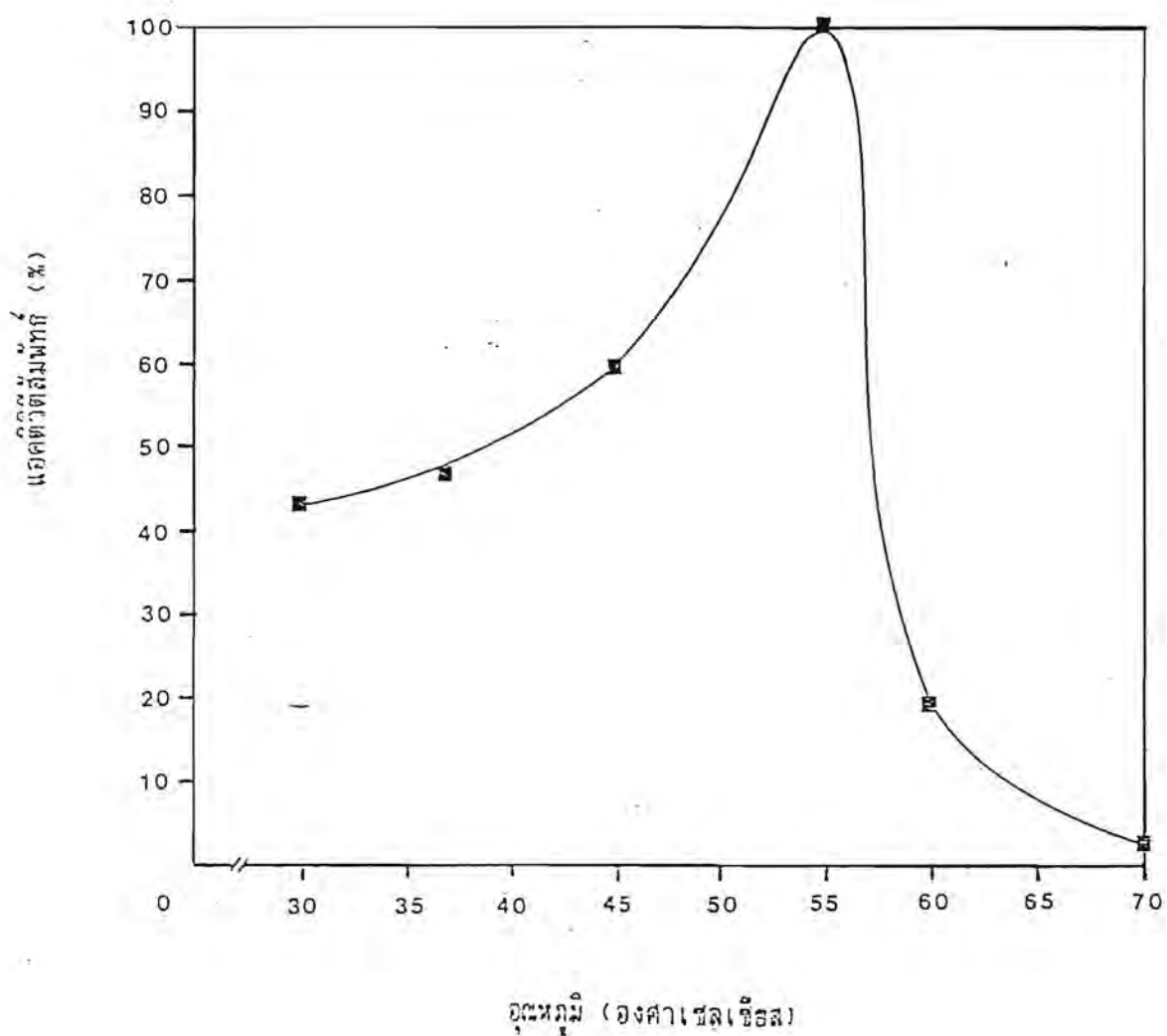
□ ฟอสเฟต (pH 6-8), ▲ ทริส(ไฮดรอกซีมีเทน)อะมิโนมีเทน (pH 7.5-9)

เป็นเวลา 30 นาทีแล้วนำมาหาแอกติวิตีที่ pH 7.0 โดยให้แอกติวิตีที่ pH 7.0 เป็น 100%



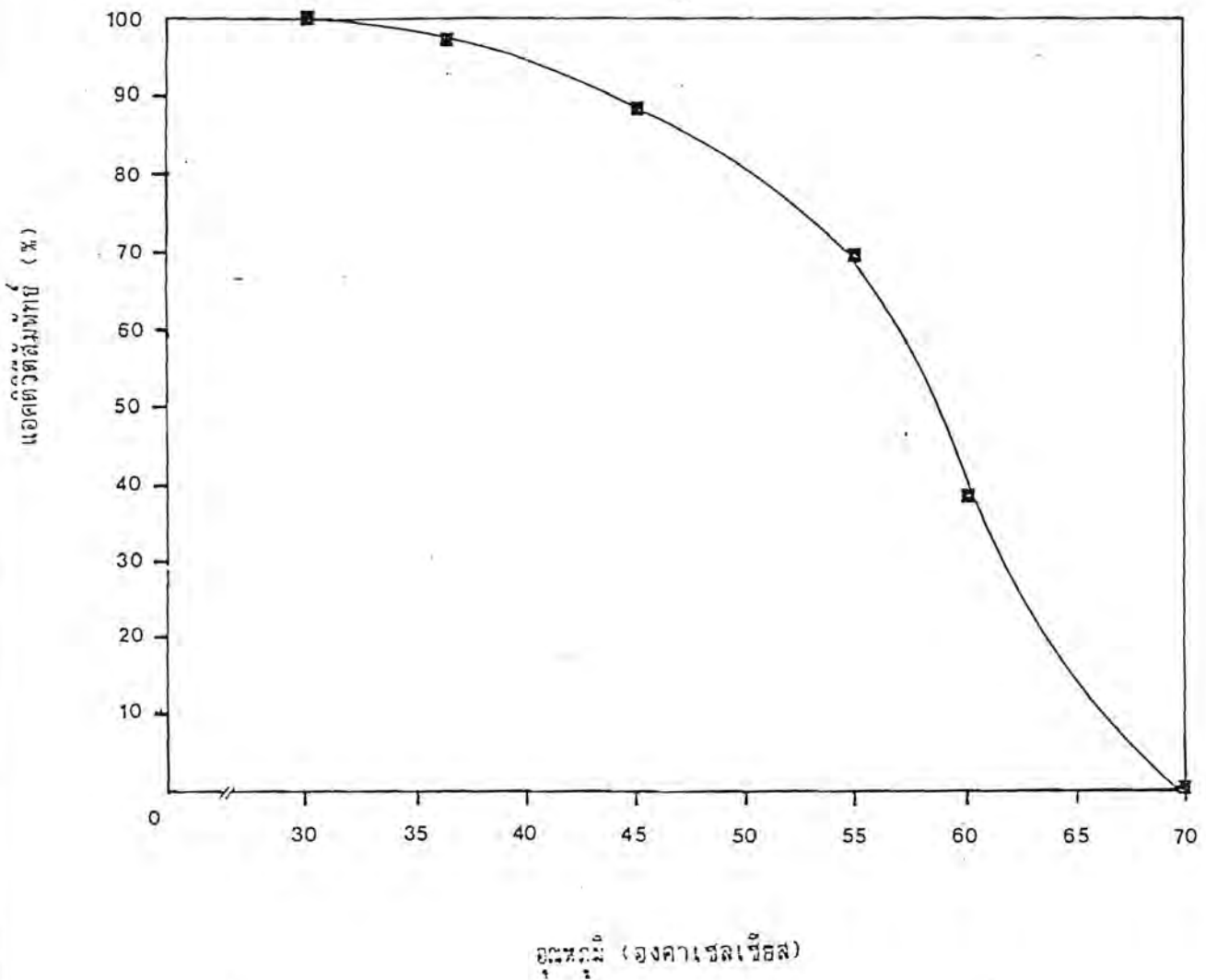
รูปที่ 18 ผลของอุณหภูมิต่อการทำงานของเอนไซม์

: เปรียบเทียบแอกติวิตี้ของระบบเอนไซม์ลิบลเตรทที่บ่มที่อุณหภูมิต่าง ๆ



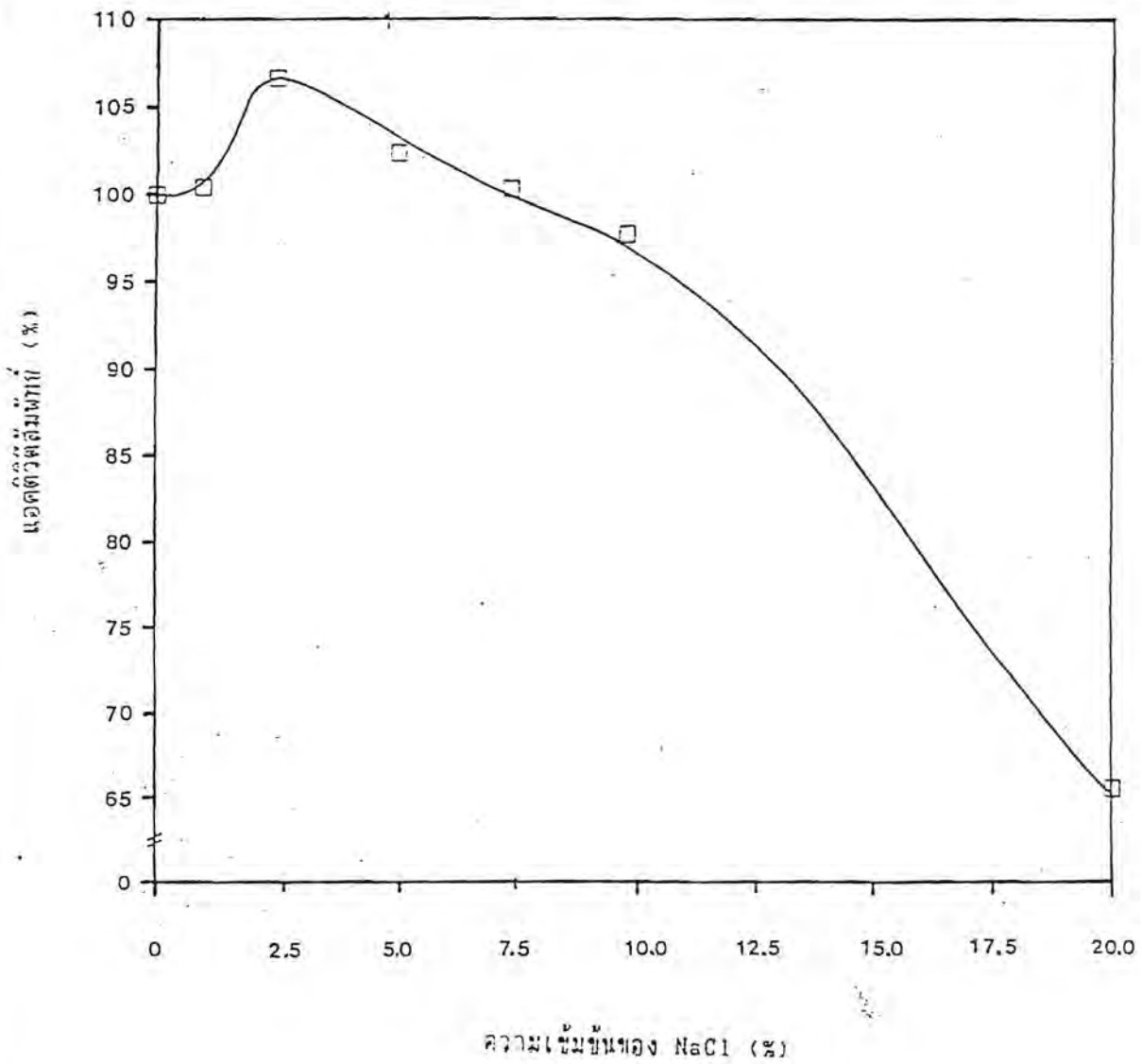
รูปที่ 19 ความเสถียรของเอนไซม์ออกซิมูมิ

ผสมเอนไซม์กับ 0.05 M นอลเฟลคีนเฟอไรท์ที่อุณหภูมิที่กำหนดเป็นเวลา 30 นาที
แล้วนำมาทำปฏิกิริยากับลิบิลเตรทที่อุณหภูมิ 35 °C



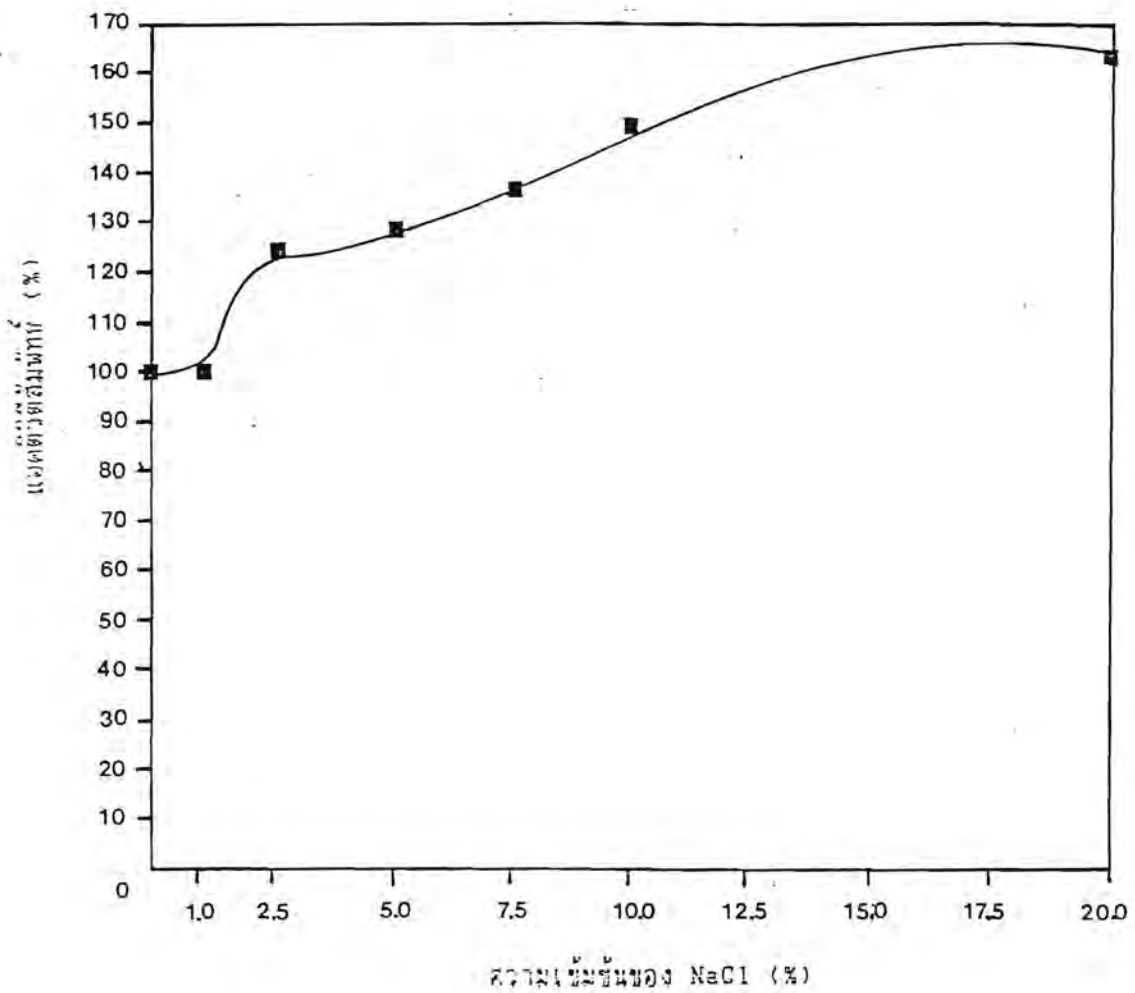
รูปที่ 20 ผลของ NaCl ต่อการทำงานของเอนไซม์

ข้มระบบเอนไซม์ลิบลเตรร่วมกับ NaCl ที่ความเข้มข้นตามที่ระบุในสภาวะ
ทดลองมาตรฐาน

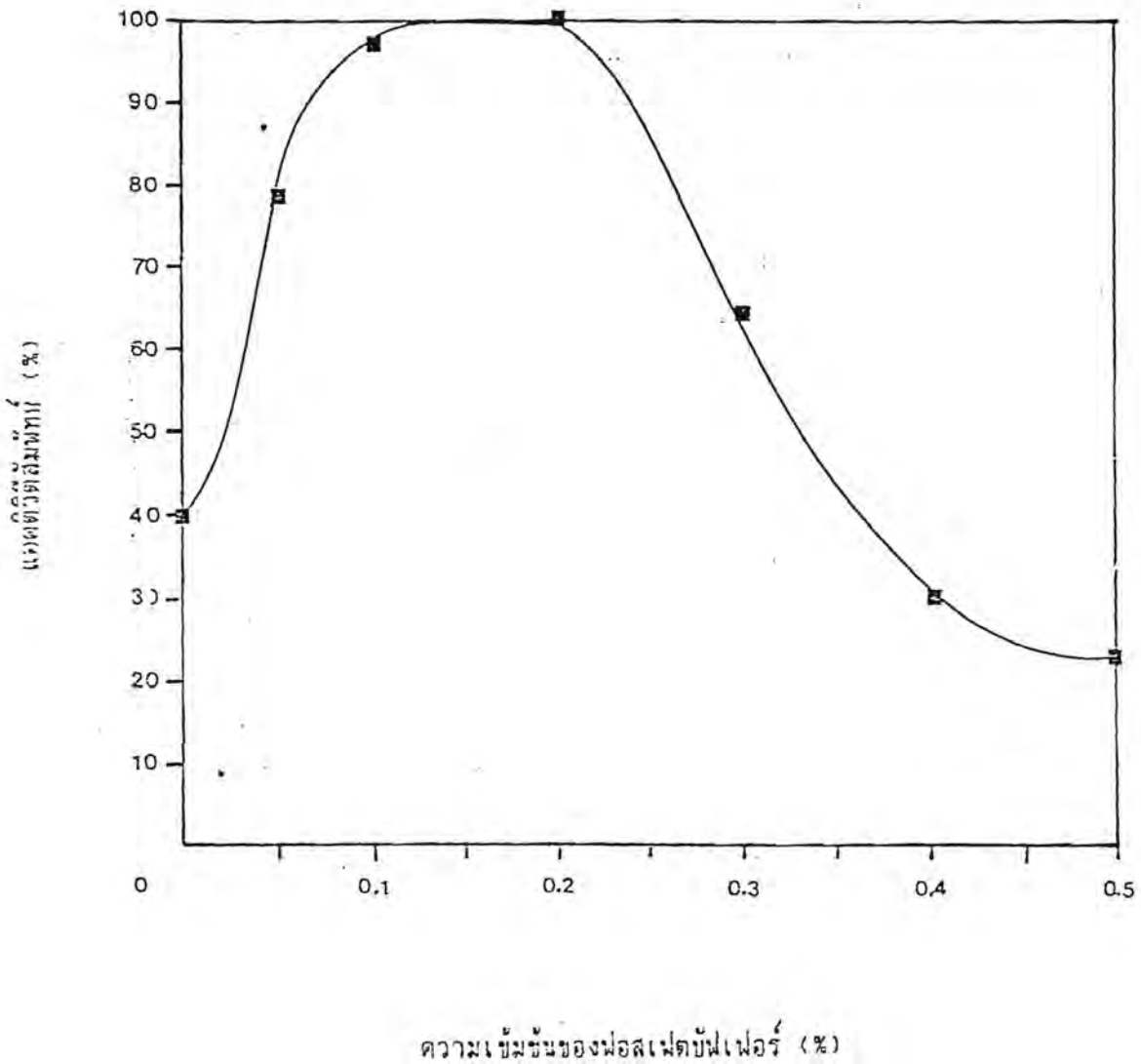


รูปที่ 2: ความเสถียรของแอนไอออน NaCl

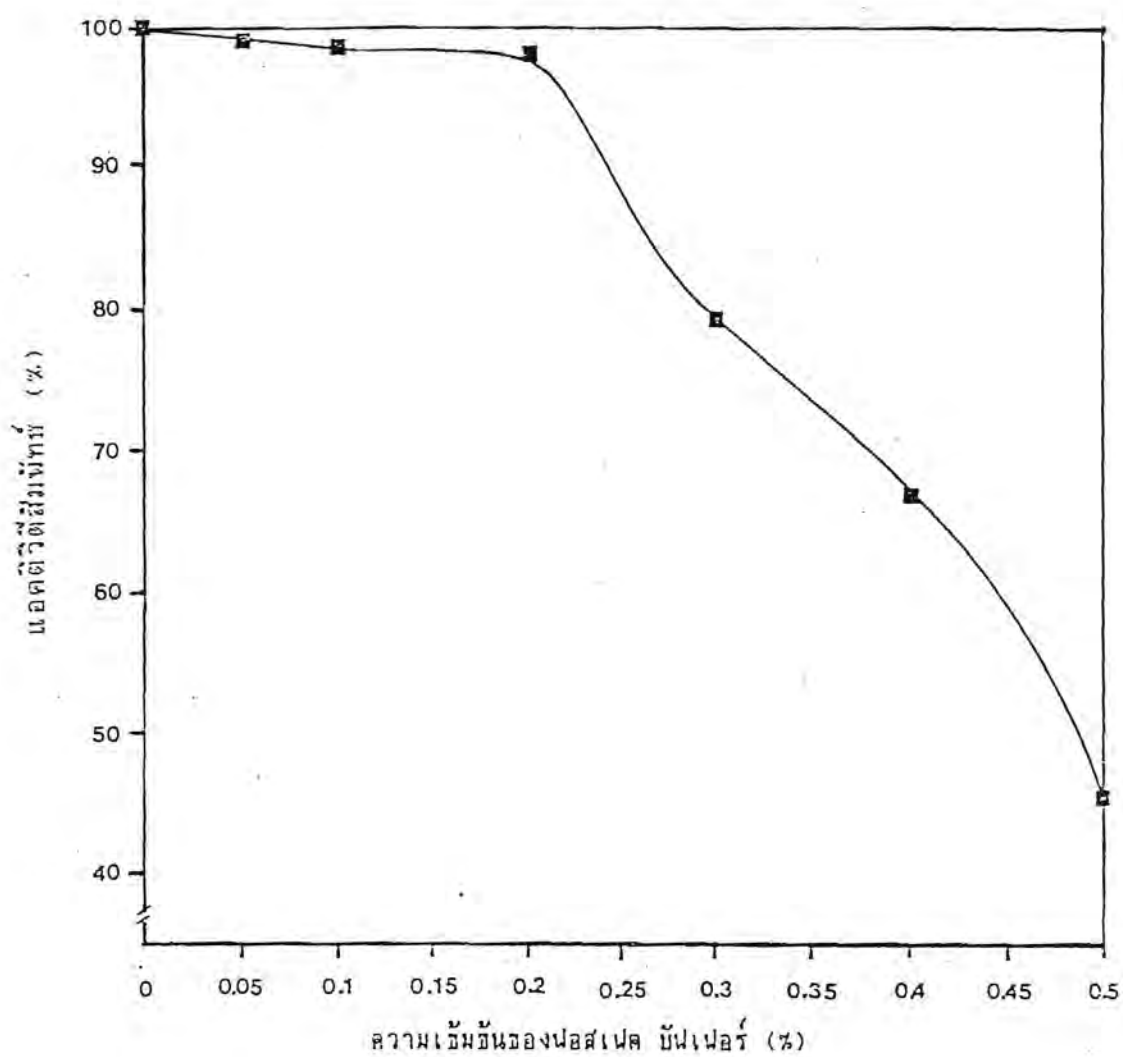
บ่มแอนไอออนในบัฟเฟอร์ที่มี NaCl ความเข้มข้นต่าง ๆ ตามที่ระบุเป็นเวลา 30 นาที
แล้วนำมาตรวจออกซิไดซ์โดยทำให้เจือจางเป็น 2.5%



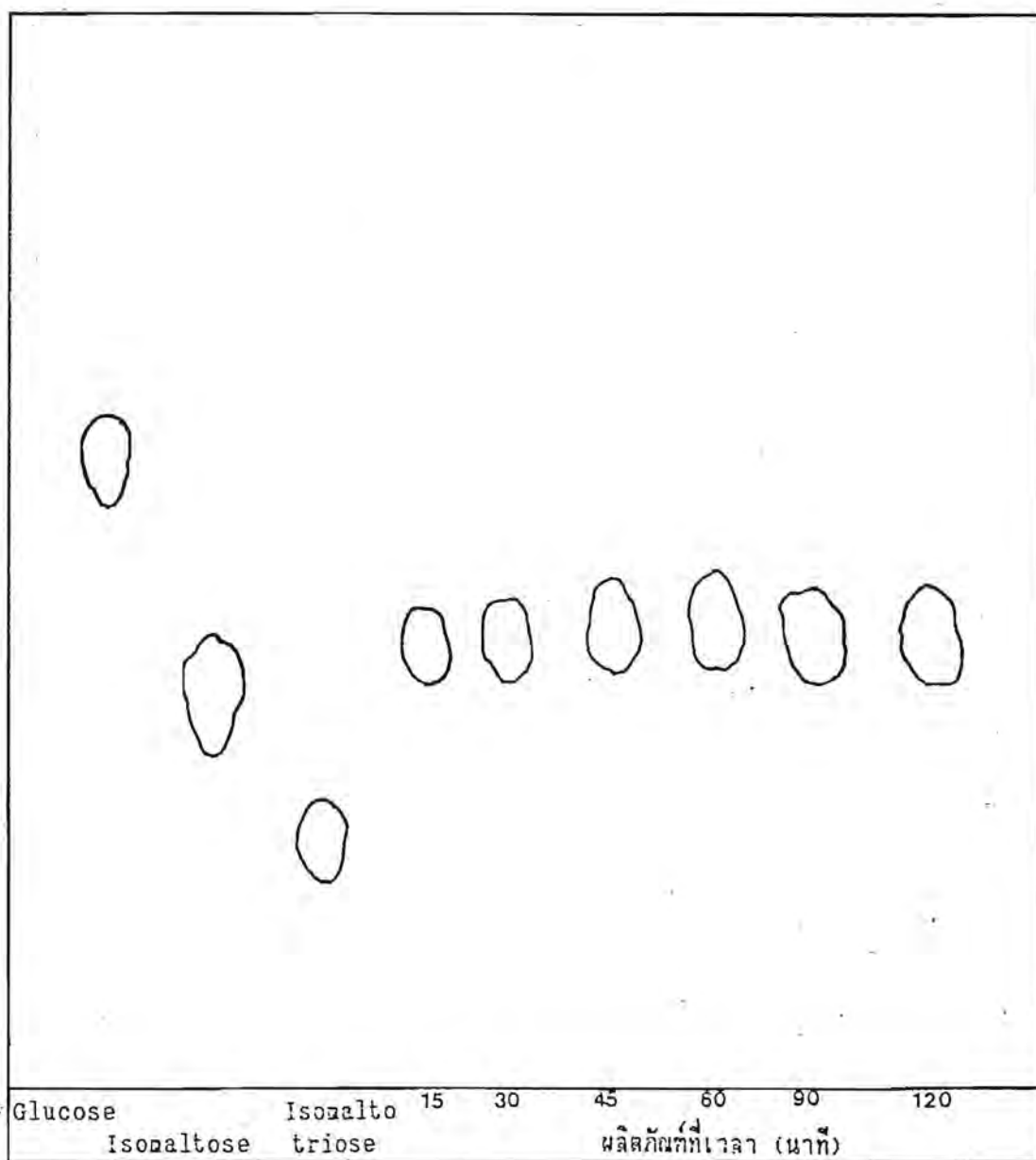
รูปที่ 22 ความเข้มข้นของฟอสเฟตบัพเฟอร์ต่อการทำงานของเอนไซม์
 บ่มเอนไซม์ในสารละลายของปฏิกิริยาโดยแปรผันความเข้มข้นของฟอสเฟตบัพเฟอร์
 เอนไซม์ในช่วง 0-0.5 M



รูปที่ ๒๒ ความเสถียรของเอนไซม์เฮอร์เทรเนสในฟอสเฟตบัฟเฟอร์
 บัฟเฟอร์ในฟอสเฟตบัฟเฟอร์ความเข้มข้นต่าง ๆ ๒๐ นาทีในสภาวะมาตรฐาน
 จากนั้นนำมาตรวจสอบแอกติวิตีโดยให้แอกติวิตีที่สภาวะมาตรฐานเท่ากับ 100%

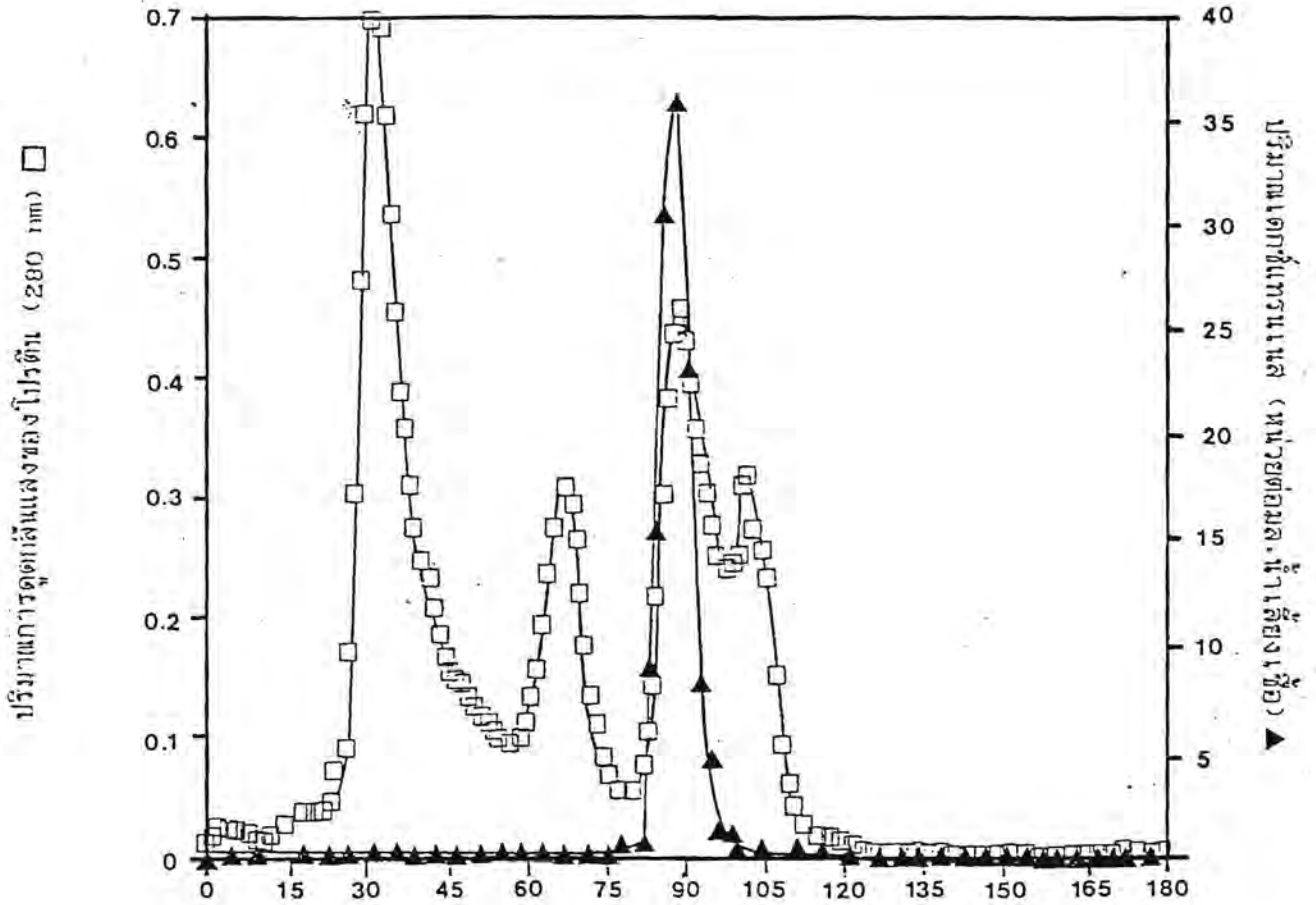


รูปที่ 24 . Paper chromatogram ของไฮโดรไลสเอนม์จาก *Micrococcus* sp. Z-10 ที่เวลาต่าง ๆ กันเทียบกับ standard glucose, isomaltose isomaltotriose บนกระดาษ Whatman no. 1 โดยใช้วิธี ascending ในระบบโซลเวนต์ n-propanol-น้ำ ในอัตราส่วน 70 : 30



รูปที่ 25

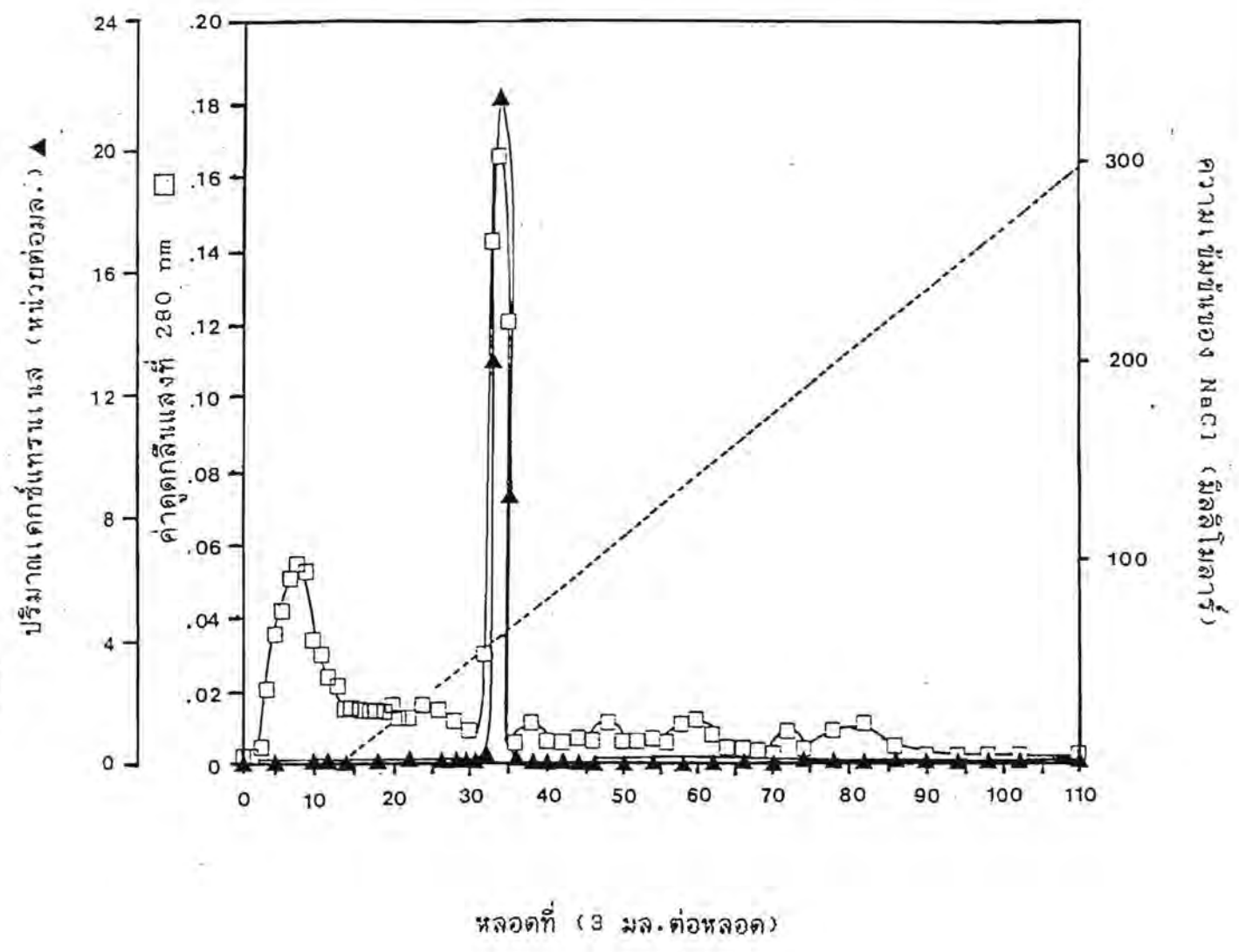
Elution profile ของเดิร์มแทรนเนสจาก *Micrococcus* sp. Z-10 ที่ผ่าน Sepharose 4B โดยตัวอย่างละลายอยู่ใน .05 M sodium phosphate buffer pH 7.0 และใช้ความเร็วของการชะเท่ากับ 30 มล.ต่อชม.



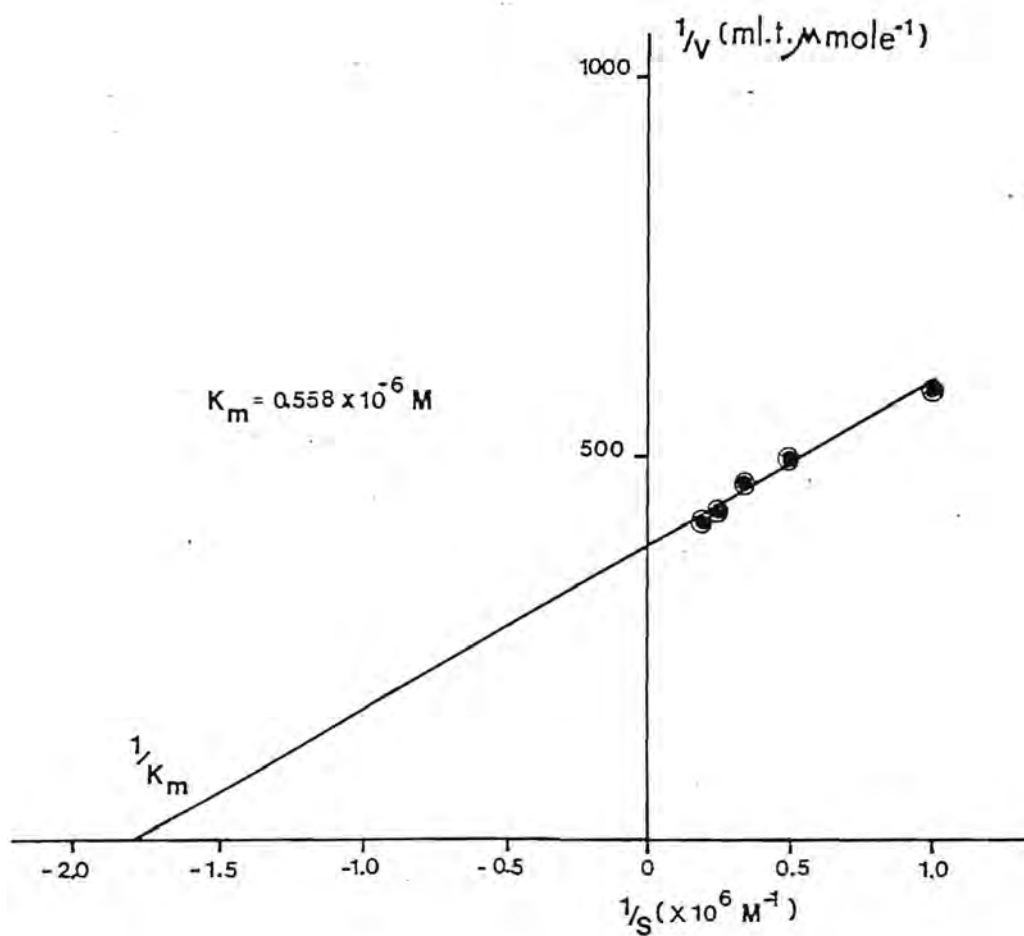
หลอดที่ (3 มล.ต่อหลอด)

รูปที่ 26

Elution profile ของเอนไซม์เคกซ์แทรนเนสจากคอลัมน์ DEAE-Cellulose เอนไซม์ละลายใน .01 M sodium phosphate buffer pH 7.0 แล้ว elute ด้วย gradient ของ 0 - 300 mM NaCl โดยใช้ flow rate 15 มล./ชม.



รูปที่ 27 การหาค่า K_m ของเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสจาก *Micrococcus* sp. Z-10 ต่อ dextran-T2000 ในรูป Lineweaver-Berge plot



ตารางที่ 1 การคัดแยกแบคทีเรียที่สามารถผลิตเอนไซม์เดกซ์แทรนเนสที่แยกจากแหล่งต่างๆ

แหล่งที่เก็บตัวอย่าง	เชื้อแบคทีเรีย ที่แยกได้	เชื้อที่มีเอนไซม์ เดกซ์แทรนเนส
ดินชายเลนบางปู สมุทรปราการ	20	1
ดินชายเลน สมุทรสงคราม	178	
ดินทรายริมชายหาด เกาะนิมิต กระบี่	16	
ดินชายเลน ระนอง	94	2
ดินริมหาด จันทบุรี	75	3
ดินปากแม่น้ำจันทบุรี จันทบุรี	84	5
ดินจากก้นอ่าวไทย จันทบุรี	60	
ดินทะเลลึกบริเวณอ่าวไทย จันทบุรี	36	
ดินทะเลบริเวณที่มีน้ำลดลงไปต่ำสุด จันทบุรี	48	2
ดินทะเลบริเวณที่มีน้ำขึ้นสูงสุด จันทบุรี	72	2
ดินฟาร์มหอยนางรมบริเวณที่มีน้ำลดลงต่ำสุด	48	
ดินฟาร์มหอยนางรมบริเวณที่มีน้ำขึ้นสูงสุด	48	
ดินริมหาดทราย ระยอง	46	3
ดินห่างฟาร์มหอย(ห่างเล็กน้อย) ระยอง	48	
ดินห่างฟาร์มหอย(ห่างมาก) ระยอง	48	
หอยนางรม	24	
น้ำทะเลจากชายหาดบางแสน ชลบุรี	16	
คลังเชื้อแบคทีเรียจากทะเล ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย	131	1
รวม (สายพันธุ์)	1092	19

ตารางที่ 2 แบริดที่เรียที่สามารผลิตเอเนไซม์เดกร์นทรนเนส

ชื่อแบคทีเรีย	แหล่งที่เก็บตัวอย่าง	ความกว้างของบริเวณไฮโดรไลซิสจากซอบโคโลนี (ซม.)
ชื่อหมายเลข B-11	ดินชายเลนบางปู สมุทรปราการ	0.4
ชื่อหมายเลข Z-10	ดินชายเลน ระยอง	1.2
ชื่อหมายเลข Z-56		0.3
ชื่อหมายเลข J-23	ดินริมหาด จันทบุรี	0.8
ชื่อหมายเลข J-47		0.4
ชื่อหมายเลข J-68		0.6
ชื่อหมายเลข K-7	ดินปากแม่น้ำจันทบุรี จันทบุรี	1.0
ชื่อหมายเลข K-25		0.3
ชื่อหมายเลข K-27		0.8
ชื่อหมายเลข K-55		0.4
ชื่อหมายเลข K-61		0.6
ชื่อหมายเลข L-32	ดินทะเลบริเวณที่มีน้ำลงต่ำสุด	0.7
ชื่อหมายเลข L-45		0.8
ชื่อหมายเลข M-48	ดินทะเลบริเวณที่มีน้ำขึ้นสูงสุด	0.5
ชื่อหมายเลข M-52		0.4
ชื่อหมายเลข Y-22	ดินริมหาดทราย ระยอง	0.2
ชื่อหมายเลข Y-34		0.1
ชื่อหมายเลข Y-40		0.8
ชื่อหมายเลข A-94	คลังเชื้อแบคทีเรีย	0.5

ตารางที่ 3. ผลของคาร์โบไฮเดรตชนิดต่อการผลิตเอ็นไซม์เดกซ์แทรนเนส
จากเชื้อแบคทีเรียสายพันธุ์ Z-10

ชนิดของคาร์โบไฮเดรต	ความเข้มข้น	แอกติวิตีสัมพันธ์ (%)
เดกซ์แทรน T-2000	0.5	100
กลูโคส	1.0	7.25
ฟรุคโตส	1.0	11.3
เซลโลไบโอส	1.0	14.3
มอลโตส	1.0	15.0
ซูโครส	1.0	18.7
เซลลูโลส	1.0	30.3
แป้ง	1.0	15.8

ตารางที่ 4 การใช้สารประกอบไนโตรเจนชนิดต่าง ๆ เป็นแหล่งไนโตรเจน

ชนิดของสารประกอบ	ปริมาณเอชไอเอ็มที่ผลิต (หน่วยต่อมล. น้ำเลี้ยงเชื้อ)						
	0.1%	0.2%	0.3%	0.5%	1.0%	1.5%	2.0%
<u>Inorganic nitrogen</u>							
KNO_3	1.65	1.46	1.24	1.02	0.86	ND	ND
NH_4NO_3	1.23	1.67	1.37	1.21	1.09	ND	ND
$NaNO_3$	0.76	1.24	1.63	1.49	1.32	ND	ND
<u>Organic nitrogen</u>							
NH_4Cl	ND	1.70	ND	1.66	1.26	ND	ND
NH_4SO_4	ND	1.29	ND	1.47	1.07	ND	ND
<u>Complex organic N</u>							
Polypeptone	ND	1.09	ND	2.17	4.05	4.13	4.26
Casamino acid	ND	0.71	ND	1.26	2.94	4.02	5.05
Yeast extract	ND	0.82	ND	0.79	1.94	2.44	1.86
Corn steep liquor	ND	0.22	ND	1.51	2.27	1.86	1.63

ND = ไม่ได้ตรวจสอบที่ความเข้มข้นนั้น



ตารางที่ 5 ผลของเกลือแร่ต่อการผลิตเอมไซม์ของเชื้อ Z-10

ชนิดของแร่ธาตุ	ปริมาณเอมไซม์ (หน่วยค่อมล.)	
	ในสภาวะปกติ	เมื่อไม่เติม
CaCl_2	8.19	3.05
H_3BO_3	8.21	3.64
Na_2MoO_4	7.53	5.61
MnCl_2	7.50	7.31
ZnSO_4	7.46	7.40
CuSO_4	7.50	7.80
CoCl_2	7.50	7.27

ตารางที่ 6 สูตรอาหารเลี้ยงเชื้อ *Micrococcus* sp. Z-10
ที่ได้ทำการปรับปรุงแล้ว

สารอาหาร	ความเข้มข้น (%) หรือตามที่ระบุ	
	สูตรเดิม	สูตรปรับปรุง
เดกซ์แทรน	1.0	0.5
กรดคาซามีน*		3.5
ไดโพลัสเซียมไฮโดรเจนฟอสเฟต	0.4	1.0
โพลัสเซียมไดไฮโดรเจนฟอสเฟต	0.2	0.4
แมกนีเซียมซัลเฟต	0.01	0.05
ผงสกัดจากยีสต์	0.01	0.03
NaCl	25 กรัม	25 กรัม
Tris-HCl	1 กรัม	1 กรัม
MgSO ₄ ·7H ₂ O	1 กรัม	1 กรัม
(NH ₄) ₂ SO ₄	1 กรัม	1 กรัม
CaCl ₂ ·2H ₂ O	0.3 กรัม	0.3 กรัม
H ₃ BO ₃	2 มก.	2 มก.
Na ₂ MoO ₄ ·2H ₂ O	0.5 มก.	0.5 มก.
MnCl ₂ ·4H ₂ O	0.4 มก.	0.4 มก.
ZnSO ₄ ·7H ₂ O	50 ๙	0 ๙
CuSO ₄ ·5H ₂ O	0.4 ๙	0 ๙
CoCl ₂ ·6H ₂ O	1 ๙	0 ๙

*สูตรเดิมเป็น โพลีเปปโตน 1.0%
ปรับความเป็นกรด-ด่าง เริ่มต้นเป็น ๙.๐

ตารางที่ 7 ผลของเกลือแร่ชนิดต่าง ๆ ต่อการทำงานของเอนไซม์เตกซ์เทรนเนสจาก *Micrococcus* sp. Z-10 โดยเทียบเป็นเปอร์เซ็นต์ของแอกติวิตีสัมพันธ์กับสภาวะมาตรฐานซึ่งไม่มีการเติมเกลือแร่ใด ๆ

ชนิดของสาร	แอกติวิตีสัมพันธ์ (%)				
	15 mM	10 mM	5 mM	2.5 mM	1 mM
Cysteine	33.7	56.7	156.4	127.9	87.2
Cysteine-HCL	35.6	37.9	41.6	63.2	90.2
EDTA	87.7	110.8	123.2	121.2	116.8
DTT	94.7	108.0	66.4	62.8	57.5
MgSO ₄	178.9	168.9	187.7	203.3	163.9
MgCl ₂	220.0	222.4	217.7	183.5	158.8
MnCl ₂	14.7	33.5	55.0	57.8	85.3
Ca(OH) ₂	57.1	79.2	94.4	112.2	121.1
CuSO ₄	0	0	0	0	0
CuCl ₂	0	0	0	0	0
CoCl ₂	0	1.45	16.2	53.3	84.5
HgCl ₂	0	0	1.32	4.41	7.93
NiCl ₂	0	5.0	7.0	23.5	36.0
ZnCl	0	2.56	2.93	5.49	13.2
FeSO ₄	6.76	13.5	20.8	21.3	42.0
FeCl ₃	0	0	0	2.63	4.78
KCl	80.73	110.4	112.5	102.6	100.0

แอกติวิตีของสภาวะมาตรฐานเท่ากับ 7.10 หน่วยต่อมล.น้ำเลี้ยงเชื้อ

ตารางที่ ๕ ความสามารถในการย่อยสลายน้ำตาลชนิดต่าง ๆ โดยเอนไซม์เดกซ์แทรนเนส จาก *Micococcus* sp. Z-10

ชนิดของน้ำตาล	ชนิดของพันธะ	ผลการย่อยสลาย
Dextran (MW. 17,200)	alpha-1,6	+
Dextran (MW. 153,000)	alpha-1,6	+
Dextran (MW. 487,000)	alpha-1,6	+
Dextran (MW. 70,000)	alpha-1,6	+
Dextran (MW. 2×10^6)	alpha-1,6	+
Dextran (MW. $5-40 \times 10^6$)	alpha-1,6	+
Sephadex G-100	alpha-1,6	+
Nigeran	alpha-1,3	-
Dextrin	alpha-1,4	-
Soluble starch	alpha-1,4	-
Alpha-cellulose	beta-1,4	-
Carboxy methyl cellulose	beta-1,4	-

ตารางที่ ๑ ลักษณะทางสัณฐานวิทยาของเชื้อแบคทีเรียสายพันธุ์ Z-10

คุณสมบัติที่ศึกษา	ลักษณะที่พบ
<p>ลักษณะของเซลล์:</p> <p>รูปร่างของเซลล์</p> <p>การจัดเรียงตัวของเซลล์</p> <p>การเคลื่อนที่</p> <p>การสร้างสปอร์</p> <p>การติดสีแกรม</p> <p>การติดสี acid-fast</p>	<p>รูปร่างกลม (coccus)</p> <p>เซลล์อยู่กันเป็นคู่</p> <p>เซลล์อยู่กันเป็นกลุ่ม 4 เซลล์</p> <p>เซลล์ต่อกันเป็นสายยาว</p> <p>ไม่เคลื่อนที่</p> <p>ไม่สร้างสปอร์</p> <p>แกรมบวก</p> <p>ไม่ติดสี acid-fast</p>
<p>ลักษณะของโคโลนี:</p> <p>บนอาหารเลี้ยงเชื้อแข็ง</p> <p>สีของโคโลนี</p>	<p>โคโลนีกลม ขุนตรงกลาง และขอบโคโลนีเรียบ</p> <p>โคโลนีมีสีเหลือง</p>

ตารางที่ 10 สมบัติทางสรีรวิทยาและทางชีวเคมีบางประการของแบคทีเรีย
สายพันธุ์ Z-10

คุณสมบัติที่ศึกษา	ลักษณะที่พบ
1. คุณสมบัติทางชีวเคมี:	.
การสร้างเอนไซม์คาตาเลส	+
การสร้างเอนไซม์ยูรีเอส	+
การสร้างเอนไซม์ออกซิเดส	+
การสร้างแอมโมเนีย	-
การรีดิวซ์ไนเตรต	+
การสร้างอินโดล	-
MR-VP	
การใช้ซีเเรต	+
การผลิตก๊าซไฮโดรเจนซัลไฟด์	-
การย่อยแป้ง	-
TSI	a/a
2. ปฏิกริยาอินดิเคเตอร์:	
Litmus milk	
3. การเกิดกรดจากการใช้น้ำตาล:	
กลูโคส	+
ไซโลส	+
แมนโนส	+
แรมโนส	+
แลคโตส	+
ซูโครส	+
มอลโตส	+
แมนนิทอล	+



ตารางที่ 11 เปรียบเทียบปริมาณเดกซ์แทรนเนสที่สร้างจากจุลินทรีย์ชนิดต่าง ๆ

ชนิดของจุลินทรีย์	ปริมาณเอนไซม์ ¹ (หน่วยต่อมล.อาหารเลี้ยงเชื้อ)	เอกสารอ้างอิง
<u>Fungi</u>		
<u>Penicillium</u> sp. strain 61	42	1
<u>Penicillium luteum</u>	22	8
<u>Yeast</u>		
<u>Lipomyces starkeyi</u>	14.5	15
<u>Bacteria</u>		
<u>Micrococcus</u> sp. strain Z-10	16.4	การวิจัยนี้
<u>Bacillus circulans</u> strain MT-G2	6	21
<u>Flavobacterium</u> sp. strain EK-14	2.3	7
<u>Brevibacterium</u> sp.	8.0 ²	27

หมายเหตุ

- ¹ = 1 หน่วยเอนไซม์คือปริมาณเอนไซม์ที่ปลดปล่อยน้ำตาลรีดิวซ์เทียบเท่ากับ 1 ไมโครโมล
กลูโคสต่อเวลา 1 นาทีภายใต้สภาวะที่ใช้ทดสอบ
- ² = 1 หน่วยเอนไซม์ในกรณีนี้คือปริมาณเอนไซม์ที่ปลดปล่อยน้ำตาลรีดิวซ์เทียบเท่ากับ 1
ไมโครโมลมอลโตสต่อเวลา 1 นาทีภายใต้สภาวะที่ใช้ทดสอบ

เอกสารอ้างอิง

1. เอก แสงวีเชียร, เดกซ์แทรนเนสจาก Penicillium sp. สายพันธุ์ 61 วิทยานิพนธ์มหาบัณฑิต
ภาควิชาจุลชีววิทยา คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย, 2531
2. Bowen, W.H. 1978. Role of carbohydrate in dental caries. Proceeding
Sweetener and Dental caries, Eds. Shaw, J.H. and G.C. Roussos. Sp.
Supp. Feeding, Weight and Obesity Abstracts, 1978, pp 147-155
3. Buchanan, R.E. and others. 1974. Bergey's Manual of the determinative
Bacteriology. 8th edi., The Williams and Wilkins Co., Baltimore, U.S.A.
4. Burnett, G.W., H.W. Scherp, and G.S. Schuster. 1976. Oral Microbiology
and Infectious Disease. (4th edi.) The William and Wilkins Co.,
Baltimore, M.D., U.S.A.
5. Cole, J.A. 1977. A biochemical approach to the control of dental caries.
Biochem. Soc. Trans. 5:1232-1239
6. Depaola, P.F., H.V. Jordan, and J. Berg. 1974. Temporary suppression of
Streptococcus mutans through tropical application of vancomycin. J.
Dent. Res. 53:108-114
7. Ebisu, S., K. Kato, S. Kotani, and A. Misaki. 1975. Isolation and purification
of Flavobacterium -1,3-glucanase-hydrolyzing; insoluble, sticky
glucan of Streptococcus mutans. J. Bacteriol. 124:1489-1501
8. Fukumoto, J., H. Tsuji, and D. Tsuru. 1971. Studies on mold dextranases I,
Penicillium luteum dextranase : its production and some enzymatic
properties. J. Biochem. 69 1113-1121
9. Gibbons, R.J., and J. van Houte. 1980. Bacterial adherence and the
formations of dental plaque in bacterial adherence. In E.H. Beachey
(edi.), Receptor and Recognition, series B, vol. 6, pp.63-103, Chapman
and Hall, London, U.K.
10. Hamada, S., and H.D. Slade. 1980. Biology, immunology, and cariogenicity of
Streptococcus mutans. Microbiol. Rev. 44:331-384
11. Hamada, S., and H.D. Slade. 1980. Mechanisms of adherence of Streptococcus
mutans to smooth surfaces in vitro. In E.H. Beachey (edi.), pp. 107-135,
Chapman and Hill, London, U.K.

12. Hoffman, S. 1978. Current research trends in preventive dentistry. In H.L. Ward, H. Miller, and A.F. Gardner (edi.), A preventive point of view, pp. 206-230, Charles C. Thomas Publisher, Springfield, IL., U.S.A.
13. Jenkins, G.N. 1978. The Physiology and Biochemistry of mouth. Blackwell Scientific Publications, London, U.K.
14. Jordan, H.V., and P.F. DePaola. 1974. Effect of a topically applied 3 per cent vancomycin gel on Streptococcus mutans on different tooth surfaces. J. Dent. Res. 53:115-120
15. Koenig, D.W., and D.F. Day. 1988. Production of dextranase by Lipomyces starkeyi. Biotech. Letts. 10: 117-122
16. Loesche, W.J. 1986. Role of Streptococcus mutans in human dental decays. Microbiol. Rev. 50:353-380
17. Lowry, O.H., N.J. Rosebrough, A.L. Farr, and R.J. Randall. 1951. Protein measurement with Folin phenol reagents. J. Biol. Chem. 193: 265-275
18. Makinen, K.K. 1978. The use of xylitol in nutritional and medical research with special reference in dental caries. Proceeding "Sweetener and Dental Caries", Eds. Shaw, J.H., and G.G. Roussos. Sp. Supp. Feeding, Weight and Obesity Abstracts, 1978, pp. 193-224
19. Montville, T.J., C.L. Cooney, and A.J. Sinskey. 1978. Streptococcus mutans dextransucrase: A Review. Adv. Appl. Microbiol. 24:55-84
20. Nelson, N. 1944. A photometric adaptation of the Somogyi method for determination of glucose. J. Biol. Chem. 153 375-380
21. Okami, Y., A. Kurasawa, and Y. Hirose. 1980. a newly glucanase produced by a marine Bacillus sp. Agric. Biol. Chem., 44(5): 1191-1192
22. Orland, F.J. 1959. A review of dental research using germ free animals. Ann. N.Y. Acad. Sci. 78:285-289
23. Orstavik, D., F.W. Kraus, and L.C. Henshaw. 1974. In vitro attachment of streptococci to the tooth surface. Infect. Immun. 9:794-800
24. Schroder, H.G.S., and F.B. Van Es. 1980. Distribution of bacteria in industrial sediment of the Ems-Dollard estuary. Neth. J. Sea Res. 14: 168-287
25. Somogyi, M. 1952. Noted on sugar determination. J. Biol. Chem. 195: 19-23

26. Thaniyavarn, S., K.G. Taylor, S. Singh, and R.J. Doyle. 1982. Pyridine analogues inhibit the glucosyltransferase of Streptococcus mutans. Infect. Immun. 37: 1101-1111
27. Yamaguchi, T., and S. Gocho. 1973. Production and properties of alkaline dextranase from a newly isolated Brevibacterium sp. Agric. Biol. Chem. 37 2527-2533