



การอภิปรายผล

ผู้ป่วยที่นำมาศึกษา มีอายุอยู่ระหว่าง 25-40 ปี ได้รับการรักษาโรคมะเร็งด้วยรังสี สภาพแวดล้อมต่าง ๆ และปริมาณรังสีที่ทุกคนได้รับเหมือนกัน

จากการศึกษาพบว่ารังสีทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงทางค่านโครงสร้างของโครโมโซม (^{structural-}chromosomal aberration) คือเกิดการหักที่โครมาติคของโครโมโซม (chromatid break หรือ chromatid gap) และเกิดการหักของโครโมโซม (chromosome break หรือ chromosome gap) เช่นเดียวกับ Glass (1957) Evan (1962), Bender และ Gooch (1967) ที่พบจากการศึกษาการหักของโครโมโซมในผู้ป่วยที่รักษาโรคมะเร็งด้วยรังสีเอกซ์ ในการวิจัยครั้งนี้ยังพบโครโมโซมที่มีลักษณะผิดปกติ คือ ring chromosome dicentric chromosome และ acentric chromosome ซึ่ง Tough และคณะ (1960), Buckton และคณะ (1962) พบว่านอกจากจะเกิด chromatid gap, chromosome gap, chromatid break แล้วยังพบ acentric chromosome, dicentric chromosome และ ring chromosome ในผู้ป่วยที่รักษาโรคมะเร็งด้วยรังสี

การศึกษาจำนวนโครโมโซมที่ผิดปกติ พบว่าจะมีจำนวนเพิ่มขึ้นเมื่อได้รับปริมาณรังสีเพิ่มขึ้น โดยที่จะมีลักษณะการเพิ่มจำนวนของโครโมโซมที่ผิดปกติเป็นแบบเส้นตรง เมื่อผู้ป่วยได้รับปริมาณรังสีไม่มากกว่า 1,600 rads และจำนวนโครโมโซมที่ผิดปกติที่ตรวจพบในแต่ละปริมาณของรังสีจะมีจำนวนแตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ที่ระดับความเชื่อมั่น 99 % เมื่อผู้ป่วยได้รับปริมาณรังสีเพิ่มขึ้นเป็น 3,200 และ 4,000 rads จำนวนโครโมโซมที่ผิดปกติจะมีจำนวนไม่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ที่ระดับความเชื่อมั่น 99 % ทำให้กราฟช่วงท้าย (3,200 และ 4,000 rads) ลดลง กราฟมีลักษณะแบบ

quadratic regression ตามรูปกราฟที่ 7,8 จำนวนโครโมโซมที่ผิดปกติมีสหพันธ์
กับปริมาณรังสีที่ผู้ป่วยได้รับ โดยมีสมการรีเกรชันเป็น

$$Y = 7.701 + 2.9 \times 10^{-2} X - 6.2 \times 10^{-6} X^2 \quad (R^2 = 92.22 \%) \text{ คัด } 10 \text{ ซ้ำ}$$

และ $Y = 9.466 + 2.3 \times 10^{-2} X - 4.33 \times 10^{-6} X^2 \quad (R^2 = 89.34 \%) \text{ คัด } 4 \text{ ซ้ำ}$

เหตุที่ผู้ป่วยได้รับปริมาณรังสี 3,200 และ 4,000 rads. แล้วทำให้จำนวนโครโมโซมที่ผิดปกติลดลง อาจเป็นไปได้ 2 กรณี กรณีแรกจำนวนเซลล์ที่ตรวจได้ในระยะเมตาเฟสมีจำนวนลดลงเมื่อเปรียบเทียบกับขณะที่ผู้ป่วยได้รับปริมาณรังสีต่ำกว่า 3,200 rads. เพราะว่าปริมาณรังสีขนาดสูง สามารถทำลายเซลล์ที่ได้รับรังสีนั้นได้ เนื่องจากเซลล์นั้นมีโครโมโซมที่ผิดปกติอย่างมากจนทำให้เซลล์ถูกทำลาย (Glass, 1957) ในการวิจัยครั้งนี้เห็นได้ว่า ผู้ป่วยคนที่ 1, 2, 4, 6, 7 และคนที่ 8 เมื่อได้รับปริมาณรังสีขนาด 4,000 rads. เซลล์จะไม่สามารถเจริญเติบโตได้เลย ผลก็คือ ไม่พบเมตาเฟสเลย ส่วนในคนที่ 3, 5, 9 และคนที่ 10 สามารถพบเมตาเฟสได้น้อยลง กรณีที่สองอาจเป็นเพราะว่าการทดลองนี้เราไม่ได้ศึกษาจำนวนโครโมโซมที่ผิดปกติชนิดอื่น ทำให้ได้จำนวนโครโมโซมที่ผิดปกติต่ำ

การศึกษาการหักของโครโมโซม ดังแสดงในตารางที่ 38 พบว่าในผู้ป่วยก่อนได้รับรังสีมีปริมาณการหักของโครโมโซมเฉลี่ย 3.4% ซึ่งใกล้เคียงกับผลของ Honda T., Kamada N. และ Bloom A.D. (1969) ที่พบว่าในคนปกติที่อาศัยอยู่ในเมือง Hiroshima มีการหักของโครโมโซมเฉลี่ย 3.3% ที่ได้จากการศึกษาเมตาเฟส 5347 เซลล์ ส่วนคนปกติที่อาศัยอยู่ในเมือง Nagasaki มีการหักของโครโมโซมเฉลี่ย 5.3% ที่ได้จากการศึกษาเมตาเฟส 1814 เซลล์ Marshall Islanders (1965) พบว่าในคน

ตารางที่ 38 - เปรียบเทียบการหักของโครโมโซมในคนปกติ

กลุ่มตัวอย่าง	ผู้วิจัย	ปี	จำนวนเมตาเฟส	โครโมโซมหัก %
คนปกติ 10 คน จากเมือง Hiroshima	Honda, T., Kamada N. และ Bloom A.D.	1969	5,374	3.3
คนปกติ 10 คน จากเมือง Nagasaki	Honda, T., Kamada N. และ Bloom A.D.	1969	1,814	5.3
คนปกติ 80 คน	Marshall Islanders	1965	1,000	5.4
คนปกติ 4 คน	Bender M.A. และ Gooch P.C.	1963	401	2.5
คนปกติ 5 คน	Goh K. Reddy M.M. และ Hempelmann L.H.	1962	483	2.04 ± 0.97
คนปกติ 10 คน	Honda T., Kamada N. และ Bloom A.D.	1969	1,000	5.4
คนปกติ 2 คน	Gayle L.L. Goh, K-0	1973	29,709	4.25
คนปกติ 10 คน	การวิจัยครั้งนี้	1981	1,000	3.4

ปกติมีการหักของโครโมโซมเฉลี่ย 5.4% จากการศึกษาเมตตาเฟส 1,000 เซลล์ Bender M.A. และ Gooch P.C. (1963) พบว่าในคนปกติมีการหักของโครโมโซมเฉลี่ย 2.5 % จากการศึกษาเมตตาเฟส 401 เซลล์ Goh K., Reddy M.M. และ Hempelmann L.H. (1962) พบว่าในคนปกติมีการหักของโครโมโซมเฉลี่ย $2.04 \pm 0.97\%$ จากการศึกษาเมตตาเฟส 483 เซลล์ Honda T., Kamada N. และ Bloom A.D. (1969) พบว่าในคนปกติมีการหักของโครโมโซม 5.4% จากการศึกษาเมตตาเฟส 1000 เซลล์ และ Gayle, L.L. และ Goh, K-O (1973) ศึกษาการหักของโครโมโซมในคนปกติ พบมีการหักของโครโมโซมเฉลี่ย 4.25 % จากการศึกษาเมตตาเฟสทั้งหมด 29709 เซลล์ เมื่อผู้ป่วยได้รับปริมาณรังสีเพิ่มขึ้น ปริมาณการหักของโครโมโซมจะเพิ่มขึ้นเป็นเส้นตรง (รูปกราฟที่ 9) จำนวนโครโมโซมที่หักเมื่อได้ปริมาณรังสีขนาด 0, 200, 400, 800, 1600 rads จะมีจำนวนแตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ที่ระดับความเชื่อมั่น 99 % เมื่อผู้ป่วยได้รับปริมาณรังสีเพิ่มขึ้นเป็น 3,200 และ 4,000 rads จำนวนการหักของโครโมโซมจะไม่แตกต่างกันอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติที่ระดับความเชื่อมั่น 99 % ทำให้กราฟช่วงท้าย (3,200 และ 4,000 rads) ลดลง กราฟมีลักษณะแบบ quadratic regression ตามรูปกราฟที่ 9, 10 ปริมาณโครโมโซมที่หักมีสัมพันธ์กับปริมาณรังสีที่ผู้ป่วยได้รับโดยมีสมการรีเกรชันเป็น

$$Y = 5.29 + 1.4 \times 10^{-2}X - 2.95 \times 10^{-6}X^2 \quad (R^2 = 95.14\%) \quad \text{คิด } 10 \text{ ชั่วโมง}$$

$$\text{และ } Y = 6.088 + 1.1214 \times 10^{-2}X - 2.05 \times 10^{-6}X^2 \quad (R^2 = 92.112\%) \quad \text{คิด } 4 \text{ ชั่วโมง}$$

Bender M.A. และ Gooch P.C. (1963) พบว่าเมื่อเลี้ยงเม็ดเลือดขาวในหลอดทดลองแล้วนำมาฉายรังสีเอกซ์ การหักของโครโมโซมจะเพิ่มขึ้นเป็นเส้นตรงตามปริมาณของรังสีที่เพิ่มขึ้น แต่จากการทดลองจำนวนการหักของโครโมโซมมีแนวโน้มว่าจะลดลงเมื่อได้รับปริมาณรังสี 3,200 และ 4,000 rads ที่เป็นเช่นนั้นน่าจะมีเหตุผลเช่นเดียวกับกรณีแรกของโครโมโซมที่ผิดปกติที่มีจำนวนลดลงเมื่อได้รับปริมาณรังสี 3,200 และ 4,000 rads

ในกรณีของจำนวน dicentric chromosome จะตรวจไม่พบในคนไข้ก่อนได้รับรังสีเช่นเดียวกับที่ Sahmickel R. (1966), Marshall Islanders (1965) ทดลอง เมื่อผู้ป่วยได้รับปริมาณรังสีเพิ่มขึ้น จำนวน dicentric chromosome จะเพิ่มขึ้นในช่วง 200 ถึง 800 rads หลังจากนั้นจำนวน dicentric chromosome จะลดลง เหตุผลเช่นเดียวกับจำนวนการหักของโครโมโซม จำนวนโครโมโซมที่เป็น dicentric chromosome มีสหสัมพันธ์กับปริมาณรังสีที่ผู้ป่วยได้รับโดยมีสมการรีเกรซันเป็น ตามรูปกราฟที่ 11, 12

$$Y = 0.047 + 2.5 \times 10^{-2}X - 1.68 \times 10^{-5}X^2 + 3.17 \times 10^{-9}X^3 \quad (R^2 = 96.88\%)$$
 ซึ่งมีกราฟเป็นแบบ cubic regression เมื่อคิด 10 ขั้ว

และ
$$Y = -0.222 + 2.9 \times 10^{-2}X - 2.52 \times 10^{-5}X^2 + 8.10 \times 10^{-9}X^3 - 8.68 \times 10^{-13}X^4 \quad (R^2 = 98.82\%)$$
 ซึ่งมีกราฟเป็นแบบ quartic regression เมื่อคิด 4 ขั้ว

ในกรณีของจำนวน acentric chromosome จะตรวจไม่พบในผู้ป่วยก่อนได้รับรังสี และเมื่อผู้ป่วยได้รับปริมาณรังสีเพิ่มขึ้น จำนวน acentric chromosome จะเพิ่มขึ้นในช่วง 200 ถึง 1600 rads หลังจากนั้นจำนวน acentric chromosome จะลดลง เหตุผลเช่นเดียวกับจำนวนการหักของโครโมโซม โครโมโซมที่เป็น acentric chromosome มีสหสัมพันธ์กับปริมาณรังสีที่ผู้ป่วยได้รับโดยมีสมการรีเกรซันเป็น ตามรูปกราฟที่ 13, 14

$$Y = 0.336 + 3.9 \times 10^{-3}X - 8.9 \times 10^{-7}X^2 \quad (R^2 = 92.04\%)$$
 ซึ่งมีกราฟเป็นแบบ quadratic regression เมื่อคิด 10 ขั้ว

$$Y = 0.426 + 3.38 \times 10^{-3}X - 6.82 \times 10^{-7}X^2 \quad (R^2 = 87.52\%)$$
 ซึ่งมีกราฟเป็นแบบ quadratic regression เมื่อคิด 4 ขั้ว

ส่วนจำนวน ring chromosome นั้นในการวิจัยครั้งนี้พบได้น้อยเช่นเดียวกับ Honda T., Kamada N. และ Bloom A.D. (1969) ศึกษาในคนที่เคยได้รับรังสีจากระเบิดปรมาณูเมื่อครั้งสงครามโลกครั้งที่สอง พบว่าจากเมตตาเฟสทั้งหมด 6778 เซลล์มี ring chromosome 3 rings เท่านั้น, Marshall Islanders (1965) ได้ทดลองในคนที่เคยได้รับรังสี พบว่าจากเมตตาเฟส 1,700 เซลล์มี ring chromosome 1 ring

เท่านั้น ส่วน Schmickel R. (1966) พบ ring chromosome เพียง 2 rings จาก เมตคาเฟสทั้งหมด 2144 เซลล์ ซึ่งศึกษาจากการเลี้ยงเม็ดเลือดขาวในหลอดทดลองแล้ว ให้ได้รับรังสี การวิจัยครั้งนี้สามารถพบ ring chromosome ได้ 9 rings. จากเมตคาเฟสทั้งหมด 8,800 เซลล์ ซึ่งจำนวนการเกิด ring chromosome มีได้แค่ 0.1% เท่านั้น ซึ่งพบได้เมื่อคนไข้ได้รับรังสี 800 rads ขึ้นไป เป็นไปได้ว่าการเกิด ring chromosome นี้ต้องมีปริมาณรังสีที่สูงและโอกาสเกิดมีได้น้อย

การหักของโครโมโซมแบบ chromatid break และ chromatid gap นานไ้มากกว่า chromosome break และ chromosome gap อาจเนื่องมาจากเม็ดเลือดขาวที่ได้จากผู้ป่วยได้รับรังสีในขณะที่เซลล์อยู่ในระยะ S- period มากกว่าเซลล์ที่อยู่ในระยะอื่น ซึ่งช่วงนี้เป็นช่วงที่มีความไวต่อรังสีมาก (เทพมงคล, ไพรัช 2520) จึงทำให้เกิด chromatid break และ chromatid gap ไ้มากกว่า chromosome break และ chromosome gap

โครโมโซมกลุ่ม C จะมีการหักของโครโมโซมมากกว่ากลุ่มโครโมโซมอื่น เพราะจำนวนโครโมโซมกลุ่ม C มี 7 คู่ ซึ่งมีมากกว่าโครโมโซมกลุ่มอื่น เพราะฉะนั้นโอกาสที่จะได้รับผลจากรังสีจึงมีมาก ทั้งขนาดของโครโมโซมก็มีขนาดไม่เล็กเหมือนกลุ่มโครโมโซมกลุ่ม E, F และ G ซึ่งจะไม่พบการหักของโครโมโซมกลุ่มนี้เลย