

การพัฒนาเครื่องหมายติดภายในและการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมต่อการเติบโตของกุ้งกุลาดำ
Penaeus monodon FABRICIUS, 1798 โดยวิธี FULL-SIB ANALYSIS



นายกำธร เลิศสำรวยพันธุ์

สถาบันวิทยบริการ

วิทยานิพนธ์นี้เป็นส่วนหนึ่งของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต

สาขาวิชาชีววิทยาทางทะเล ภาควิชาวิทยาศาสตร์ทางทะเล


คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ปีการศึกษา 2543

ISBN 974-13-0441-2

ลิขสิทธิ์ของจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

DEVELOPMENT OF INTERNAL TAG AND ESTIMATION OF HERITABILITY ON GROWTH
OF BLACK TIGER SHRIMP *Penaeus monodon* FABRICIUS, 1798
BY FULL-SIB ANALYSIS



Mr. Kumthorn Lertsumruaybhand

สถาบันวิทยบริการ

จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย
A Thesis Submitted in Partial Fulfillment of the Requirements
for the Degree of Master of Science

Department of Marine Science

Graduate School

Chulalongkorn University

Academic year 2000

ISBN 974-13-0441-2

หัวข้อวิทยานิพนธ์ การพัฒนาเครื่องหมายดีเอ็นเอและการประมาณค่าอัตราพันธุกรรม
ต่อการเติบโตของกุ้งกุลาดำ *Penaeus monodon* FABRICIUS, 1798
โดยวิธี FULL-SIB ANALYSIS

โดย นายกำธร เลิศสำราญพันธุ์

ภาควิชา วิทยาศาสตร์ทางทะเล

อาจารย์ที่ปรึกษา รองศาสตราจารย์ ดร. เผดิมศักดิ์ จารยะพันธุ์

อาจารย์ที่ปรึกษาร่วม ดร. สุภัทรา อุไรวรรณ

คณะวิทยาศาสตร์ จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย อนุมัติให้หัวข้อวิทยานิพนธ์เล่มนี้เป็นส่วนหนึ่ง
ของการศึกษาตามหลักสูตรปริญญาวิทยาศาสตรบัณฑิต

.....คณบดีคณะวิทยาศาสตร์
(รองศาสตราจารย์ ดร. วันชัย โพธิ์พิจริต)

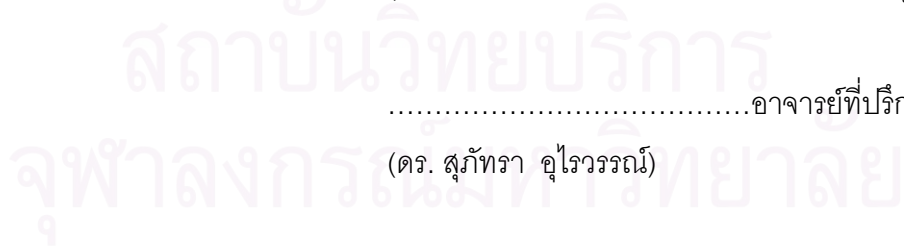
คณะกรรมการสอบวิทยานิพนธ์

.....ประธานกรรมการ
(ดร. ศุภิชัย ตั้งใจตรง)

.....อาจารย์ที่ปรึกษา
(รองศาสตราจารย์ ดร. เผดิมศักดิ์ จารยะพันธุ์)

.....อาจารย์ที่ปรึกษาร่วม
(ดร. สุภัทรา อุไรวรรณ)

.....กรรมการ
(อาจารย์ รุ่งตะวัน พนากุลชัยวิทย์)



นายกัทร เลิศสำราญพันธุ์ : การพัฒนาเครื่องหมายติดภายในและการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมต่อการเติบโตของกุ้ง
กุลาดำโดยวิธี FULL-SIB ANALYSIS (DEVELOPMENT OF INTERNAL TAG AND ESTIMATION OF
HERITABILITY ON GROWTH OF BLACK TIGER SHRIMP *Penaeus monodon*, FABRICIUS, 1798 BY FULL-
SIB ANALYSIS) อารยที่ปรึกษา : อาจารย์ที่ปรึกษา : รศ.ดร. เติมศักดิ์ จารยะพันธุ์, อาจารย์ที่ปรึกษาร่วม :
ดร. สุภัทรา อุไรวรรณ, 98 หน้า. ISBN 974-13-0441-2

ได้พัฒนาเครื่องหมายชนิดติดภายในตัวกุ้ง (internal tag) เพื่อเก็บข้อมูลในสภาพการเลี้ยงในบ่อซีเมนต์ เครื่องหมายที่พัฒนาขึ้น
ได้ผลิตจากวัสดุเหลือใช้ 8 คือสายเคเบิลโทรศัพท์ทำการติดเครื่องหมายลงไปในตัวกุ้งโดยใช้เข็มฉีดยาขนาดของรูเข็มเบอร์ 19 ใส่เครื่องหมาย
ที่ด้านท้องบริเวณกล้ามเนื้อระหว่างเส้นประสาทของขาว่ายน้ำคู่ที่ 5 ทำการทดสอบความเหมาะสมระหว่างเครื่องหมายกับขนาดของตัวกุ้งซึ่ง
การทดลองออกเป็น 2 ชุด ในชุดที่ 1 ใช้กุ้ง 2 ขนาด คือ ขนาดเล็กมีความยาวเฉลี่ย 5.53 เซนติเมตร และขนาดใหญ่ 9.02 เซนติเมตร กุ้ง
ขนาดใหญ่ที่นำมาติดเครื่องหมายมีอัตราการรอดตายสูงกว่าที่มีขนาดเล็กอย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ($P < 0.05$) การทดลองชุดที่ 2 ใช้กุ้งขนาด
ความยาวเฉลี่ย 10.41 เซนติเมตร นำมาติดเครื่องหมายแล้วเลี้ยงเปรียบเทียบกับกลุ่มที่ไม่ติดเครื่องหมายพบว่าอัตราการเติบโตและอัตรา
การรอดตายของกุ้งทั้ง 2 กลุ่มไม่แตกต่างกันทางสถิติ จากการทดสอบดังกล่าวแสดงให้เห็นว่าเครื่องหมายที่ติดภายในตัวกุ้งไม่มีผลต่ออัตรา
การเติบโตและอัตราการรอดตายของกุ้งเมื่อใช้กับกุ้งที่มีขนาดความยาวประมาณ 9.00 เซนติเมตร ขึ้นไป

ในการศึกษาการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมของลักษณะการเติบโตวิธีการผสมพันธุ์แบบคู่ผสมเดียวเพื่อผลิตลูกกุ้งทำการ
ทดลอง 3 ชุด ชุดที่ 1 ผลิตลูกกุ้งจำนวน 40 ครอบครัว ในช่วง 2-4 พฤษภาคม 2541 การทดลองชุดที่ 2 ผลิตลูกกุ้งกุลาดำจำนวน 30 ครอบครัว
ในช่วง 16-23 มกราคม 2542 และการทดลองชุดที่ 3 ผลิตลูกกุ้งกุลาดำจำนวน 14 ครอบครัวในวันที่ 26 มกราคม 2543 ทำการเลี้ยงแยก
แต่ละครอบครัวและเก็บตัวอย่างแบบสุ่ม นำข้อมูลของน้ำหนักตัวและความยาวรวมมาวิเคราะห์หาค่าที่ประกอบความแปรปรวนแล้วจึงนำ
ค่าที่ได้มาคำนวณค่าอัตราพันธุกรรมอย่างหยาบที่ช่วงอายุต่าง ๆ พบว่า เมื่ออายุเพิ่มขึ้นค่าอัตราพันธุกรรมที่ประมาณได้มีค่าลดลง โดยกุ้ง
กุลาดำชุดที่ 1 ค่าอัตราพันธุกรรมที่ประมาณได้ของความยาวที่อายุ 30 ถึง 200 วัน อยู่ในช่วง 0.24 ± 0.059 ถึง 0.56 ± 0.99 และอัตราพันธุ
กรรมของน้ำหนักที่อายุ 60 ถึง 200 วัน อยู่ในช่วง 0.24 ± 0.059 ถึง 0.56 ± 0.99 ในกุ้งชุดที่ 2 ค่าอัตราพันธุกรรมของความยาวที่อายุ 45 และ
145 วัน มีค่าเท่ากับ 0.3 ± 0.075 และ 0.20 ± 0.056 และค่าอัตราพันธุกรรมของน้ำหนักที่อายุ 145 วันมีค่าเท่ากับ 0.09 ± 0.032 และในกุ้งชุดที่
3 ค่าอัตราพันธุกรรมของความยาวที่อายุ 40 ถึง 150 วัน อยู่ในช่วง 0.029 ± 0.037 ถึง 0.46 ± 0.162 ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพ
แวดล้อม และทางลักษณะปรากฏของลักษณะความยาวและน้ำหนักในกุ้งกุลาดำชุดที่ 1 และ 2 มีค่าเป็นไปในทิศทางเดียวกันคืออยู่ในช่วง
0.63 ถึง 1.4 ดังนั้นเมื่อค่าอัตราการเติบโตของลักษณะความยาวเพิ่มขึ้นน้ำหนักก็เพิ่มขึ้นด้วยและค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏที่เปรียบ
เทียบในทุกตัวแปรโดยสมบูรณ์ของกุ้งกุลาดำครอบครัวต่าง ๆ ที่อายุต่าง ๆ กันของกุ้งทั้ง 3 ชุด เมื่อวัดเป็นความยาวและน้ำหนักตัวของกุ้งมี
ค่าสหสัมพันธ์แตกต่างกันไปตามสภาพของสิ่งแวดล้อมของการเลี้ยงแต่ละครั้งมีค่าอยู่ในช่วง -0.121 ถึง 0.856 ดังนั้นค่าอัตราพันธุกรรมของ
อัตราการเติบโตของกุ้งกุลาดำทั้ง 3 กลุ่มได้นั้นแสดงให้เห็นถึงระดับความแปรปรวนทางพันธุกรรมในกุ้งแต่ละครอบครัว (full-sib family)
อย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ โดยเฉพาะในส่วนของส่วนที่สามารถนำมาใช้ประโยชน์โดยการคัดเลือกให้มีโปรแกรมการคัดเลือกเพื่อการผลิตพันธุ์ในลักษณะ
ของการทำการคัดพันธุ์เพื่อเพิ่มอัตราการเติบโตของกุ้งกุลาดำได้ โดยค่าอัตราพันธุกรรมของความยาวที่ได้มีค่าอยู่ในช่วง 0.2-0.24 เมื่อกุ้ง
อายุได้ 145 และ 150 วัน ซึ่งจัดได้ว่ามีค่าอยู่ในระดับเดียวกันกับในสัตว์น้ำชนิดอื่นที่ได้ทำการศึกษามาแล้ว

ภาควิชา วิทยาศาสตร์ทางทะเล
สาขาวิชา ชีววิทยาทางทะเล
ปีการศึกษา 2543

ลายมือชื่อ นิสิต.....
ลายมือชื่อ อาจารย์ที่ปรึกษา.....
ลายมือชื่อ อาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....

4072210423 : MAJOR MARINE SCIENCE

KEY WORD: *Penaeus monodon* / BLACK TIGER SHRIMP / Heritability / growth

Kumthorn Lertsumruaybhand : DEVELOPMENT OF INTERNAL TAG AND ESTIMATION OF HERITABILITY ON GROWTH OF BLACK TIGER SHRIMP *Penaeus monodon* FABRICIUS, 1798 BY FULL-SIB ANALYSIS.

Thesis Advisor : Assoc. Prof. Padermsak jarayabhand, Ph.D. , Co-Advisor : Supattra Uraiwan, Ph.D. 98 pp. ISBN 974-13-0441-2

The internal tag made from telephone cable was used to identify shrimp. The tag was injected between the intersegment and the muscle on the ventral surface of the fifth pleopods with a syringe 19 gauge needle. Two groups of shrimp were used to test effect of tagging on growth and survival. Experiment one tested for fit size of shrimp to tagging. Small size average body length 5.53 cm. and large size average body length 9.02 cm. The large size of shrimp had significantly high survival rate than those of the small size. Experiment two the average body length at 10.41 cm of shrimp was used to compare tag and untag shrimp for growth rate and survival rate. No statistical difference was found between growth rate and survival rate.

Three experiments of estimation of heritabilities for growth in shrimps were conducted using single pair mating. Three groups of shrimp in each of experiment comprised of 40,30 and 14 families. They were produced during 2-4 May 1998, 16-23 January 1999 and 26 January 2000, respectively. Each full-sib family was randomly reared in separate units. Length and weight were recorded and analyzed for various variance components. The broad sense heritabilities were estimated at different ages. The estimated heritabilities were low when the shrimp became old. In the first group, the heritabilities estimated for length at 30-200 day were 0.24 ± 0.059 - 0.56 ± 0.099 ; heritabilities estimates for weight at 30-200 day were 0.24 ± 0.058 - 0.40 ± 0.081 . In the second group, the heritabilities estimates for length at 45 and 145 day were 0.30 ± 0.075 and 0.20 ± 0.056 , respectively, and for weight at 145 day was 0.09 ± 0.032 . In third group, the heritabilities estimates for length at 40-150 day were 0.029 ± 0.037 - 0.46 ± 0.162 . Genetic correlations environmental correlations and phenotypic correlations between length and weight of experiments groups one and two were ranged 0.63 -1.4 and phenotypic correlations of growth at different ages was varied on different environment. In conclusion, this study shows the significant genetic controls growth in the black tiger shrimp. In addition, the heritability of body length were ranged 0.2 – 0.4 between at ages of 145 and 150 days. These results was similar to the estimated of heritabilities in other aquatic animal. Therefore, these investigated will be used in selective breeding program in black tiger shrimp to increase production efficiency.

ภาควิชา วิทยาศาสตร์ทางทะเล

สาขาวิชา ชีววิทยาทางทะเล

ปีการศึกษา 2543

ลายมือชื่อผู้นิสิต.....

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษา.....

ลายมือชื่ออาจารย์ที่ปรึกษาร่วม.....

กิตติกรรมประกาศ

วิทยานิพนธ์ฉบับนี้เป็นส่วนหนึ่งของโครงการวิจัย โปรแกรมคัดเลือกเพื่อการผสมพันธุ์กุ้งกุลาดำ *Penaeus monodon* Fabricius ระยะที่ 1 พันธุศาสตร์เชิงปริมาณและการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมของอัตราการเติบโต โดยได้รับการสนับสนุนทุนการศึกษาจากสำนักงานพัฒนาวิทยาศาสตร์และเทคโนโลยีแห่งชาติ รหัสโครงการ BT-39-06-ATI-06-05

ขอขอบพระคุณ รองศาสตราจารย์ ดร. เเดิมศักดิ์ จาระพันธ์ อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ ที่กรุณาชี้แนะและให้คำปรึกษาในด้านต่าง ๆ และเปิดโอกาสให้ทำงานวิทยานิพนธ์นี้ได้อย่างเต็มที่ ขอขอบพระคุณ ดร.สุภัทรา อุไรวรรณ อาจารย์ที่ปรึกษาวิทยานิพนธ์ร่วม และอาจารย์ รุ่งตะวัน พนากุลชัยวิทย์ ที่ได้กรุณาให้คำปรึกษาในด้านแนวคิด รวมถึงช่วยกรุณาตรวจสอบแก้ไขวิทยานิพนธ์ฉบับนี้จนสำเร็จลุล่วงไปได้ด้วยดี

ขอขอบพระคุณ ดร. สุภิชัย ตั้งใจตรง รองศาสตราจารย์ ดร. เเดิมศักดิ์ จาระพันธ์ ดร.สุภัทรา อุไรวรรณ อาจารย์ รุ่งตะวัน พนากุลชัยวิทย์ ที่กรุณาสละเวลาอันมีค่ามาเป็นกรรมการสอบวิทยานิพนธ์

ขอขอบคุณ ผอ. พิเชิต ศรีมุกดา คุณ บังอร ศรีมุกดา ศูนย์พัฒนาการเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำชายฝั่ง จันทบุรี ที่ได้กรุณาให้ความสนับสนุนและเอื้อเฟื้อ ในด้านการใช้สถานที่ในการเลี้ยงพ่อแม่พันธุ์กุ้งกุลาดำในบ่อดิน

ขอขอบคุณ ไพบูลย์ฟาร์ม ที่ได้เอื้อเฟื้อลูกพันธุ์กุ้งกุลาดำ

ขอขอบคุณ บริษัทลูกพันธุ์น้ำ จำกัด ที่สนับสนุนในด้านการใช้สถานที่ในการเลี้ยงกุ้งกุลาดำ

ขอขอบคุณ ภาวณี พัฒนจันทร์ และ คุณ วิโรจน์ หิรัญชัยพฤกษ์ ที่ให้คำปรึกษาและแนะนำ

ขอขอบคุณ คุณหมวย ประยูรศักดิ์ และครอบครัว คุณเดชา จันทะมาศ คุณวิชัย อินจันทร์ คุณเอกพล อ่วมนุช และทุกคนที่สถานีวิจัยสัตว์น้ำทะเลอ่างศิลาและบริษัทลูกพันธุ์น้ำ จำกัด ที่อำนวยความสะดวกและให้ความช่วยเหลือระหว่างการเลี้ยงกุ้งกุลาดำ

ขอขอบคุณ ขอขอบคุณเพื่อน ๆ รุ่นพี่และรุ่นน้อง ภาควิชาวิทยาศาสตร์ทางทะเล จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย ที่ให้ความช่วยเหลือในด้านต่าง ๆ

สุดท้ายนี้ขอกราบขอบพระคุณ คุณพ่อ คุณแม่ รวมถึงพี่น้อง ที่คอยเป็นกำลังใจโดยตลอดมา

สารบัญ

หน้า

| | |
|-------------------------|---|
| บทคัดย่อภาษาไทย..... | ง |
| บทคัดย่อภาษาอังกฤษ..... | จ |
| กิตติกรรมประกาศ..... | ฉ |
| สารบัญตาราง | ช |
| สารบัญรูป..... | ญ |

บทที่

| | |
|----------------------------|----|
| 1 บทนำ..... | 1 |
| 2 สำนวนเอกสาร..... | 8 |
| 3 อุปกรณ์และวิธีศึกษา..... | 34 |
| 4 ผลการศึกษา..... | 50 |
| 5 วิจัยณ์ผลการศึกษา..... | 59 |
| 6 สรุปและข้อเสนอแนะ..... | 64 |
| รายการอ้างอิง..... | 66 |
| ภาคผนวก..... | 72 |
| ประวัติผู้เขียน..... | 96 |

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

สารบัญตาราง

| ตารางที่ | หน้า |
|----------|---|
| 1 | เปรียบเทียบความแตกต่างจากการ tag ต่อกการรอดตายและอัตราพบ tag ของกุ้ง Lobsters <i>Homarus gammarus</i> ที่อายุต่าง ๆ17 |
| 2 | การประมาณค่าอัตราพันธุกรรม (Falconer, 1989).....27 |
| 3 | องค์ประกอบของความแปรปรวนทางพันธุกรรมในการวิเคราะห์แบบเครือญาติ (Falconer,1989).....28 |
| 4 | ค่าอัตราพันธุกรรมของกุ้ง30 |
| 5 | จำนวนครอบครัวการผลิตลูกกุ้งกุลาดำและเวลาที่เพาะได้ชุดที่ 1 ทราย และชุดที่ 2 และ 3 สดุด-ตรัง.....39 |
| 6 | การอนุบาลลูกกุ้งกุลาดำในถัง 500 ลิตร.....41 |
| 7 | อัตราการรอดตายของกุ้งกุลาดำขนาดเล็กและขนาดใหญ่ที่ติดเครื่องหมาย.....50 |
| 8 | อัตราการเติบโตของกุ้งกุลาดำที่ติดเครื่องหมายและไม่ติดเครื่องหมาย.....51 |
| 9 | อัตราการรอดของกุ้งกุลาดำที่ติดเครื่องหมายและไม่ติดเครื่องหมาย 51 |
| 10 | ค่าสูงสุด (Max.) ค่าต่ำสุด (Min.) ค่าเฉลี่ย (Mean) ค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.D.) และค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวน (C.V.) และจำนวนกุ้ง (n) มีความยาว (เซนติเมตร) และน้ำหนักตัว (กรัม) ของกุ้งชุดที่ 1 ที่อายุ 30,60,90,120,150 และ 200 วัน.....53 |
| 11 | ค่าสูงสุด (Max.) ค่าต่ำสุด (Min.) ค่าเฉลี่ย (Mean) ค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.D.) และค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวน (C.V.) และจำนวนกุ้ง (n) มีความยาว (เซนติเมตร) และน้ำหนักตัว (กรัม) ของกุ้งชุดที่ 2 ที่อายุ 45 และ 145 วัน.....54 |
| 12 | ค่าสูงสุด (Max.) ค่าต่ำสุด (Min.) ค่าเฉลี่ย (Mean) ค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.D.) และค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวน (C.V.) และจำนวนกุ้ง (n) มีความยาว (เซนติเมตร) ที่อายุ 40 80 และ 150 วัน (ที่เลี้ยงในถังและในกระชัง) ของกุ้งกุลาดำชุดที่ 3.....55 |

| | | |
|----|--|----|
| 13 | ค่าอัตราพันธุกรรม (Heritability) คำนวณโดยวิธี full-sib analysis และค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.E.) ของกึ่งกุลาดำชุดที่ 1..... | 55 |
| 14 | ค่าอัตราพันธุกรรม (Heritability) ของความยาวคำนวณโดยวิธี full-sib analysis และค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.E.) ของกึ่งกุลาดำชุดที่ 2..... | 56 |
| 15 | ค่าอัตราพันธุกรรม (Heritability) ของความยาวคำนวณโดยวิธี full-sib analysis และค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.E.) ของกึ่งกุลาดำชุดที่ 3 | 56 |
| 16 | ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม (r_G) ทางสภาพแวดล้อม (r_E) ทางลักษณะปรากฏของ (r_P) ลักษณะปรากฏระหว่างความยาวและน้ำหนักตัวที่อายุ 30,60,90,120,150 และ 200 วัน ของกึ่งชุดที่ 1 และชุดที่ 2 อายุ 145 วัน ของกึ่งชุดที่ 2 | 57 |
| 17 | ค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของความยาว (LT) ในส่วน ก. และน้ำหนัก ตัว (WT) ในส่วน ข. ที่ อายุ 30,60,90,120,150 และ 200 วัน ของกึ่งชุดที่ 1 โดยเปรียบเทียบในทุกตัวแปรโดยสมบูรณ์..... | 58 |
| 18 | ค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของความยาว (LT) และน้ำหนักตัว (WT) ที่อายุ 45 และ 145 ของกึ่งกุลาดำชุดที่ 2..... | 58 |
| 19 | ค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของความยาว (LT) ที่อายุ 40 วัน 80 วัน 150 วัน เลี้ยงในถัง (P) และ 150 วัน เลี้ยงในกระชัง (I) ของกึ่งกุลาดำชุดที่ 3 โดยเปรียบเทียบในทุกตัวแปรโดยสมบูรณ์..... | 59 |

สารบัญรูป

| รูปที่ | | หน้า |
|--------|---|------|
| 1 | ปริมาณการผลิตกุ้งทะเลของประเทศไทย..... | 2 |
| 2 | จำนวนฟาร์มเพาะเลี้ยงกุ้งทะเลในประเทศไทย..... | 2 |
| 3 | รูปแบบของการเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำที่พบในประเทศไทย | 3 |
| 4 | ผลผลิตสัตว์น้ำภายใต้โปรแกรมการคัดพันธุ์ | 5 |
| 5 | กายวิภาคทั่วไป และภาพแสดงอวัยวะพิเศษของกุ้งกุลาดำ..... | 10 |
| 6 | ขบวนการผสมพันธุ์กุ้งกุลาดำโดยวิธีธรรมชาติ | 12 |
| 7 | วงชีวิตของกุ้งกุลาดำ | 15 |
| 8 | แนวทางในการวิจัยเพื่อพัฒนาและปรับปรุงพันธุ์สัตว์น้ำโดยวิธีการทางพันธุ ศาสตร์ปริมาณ | 16 |
| 9 | แนวทางการปรับปรุงพันธุ์กุ้งกุลาดำ | 18 |
| 10 | เครื่องหมายที่ติดตัวกุ้งกุลาดำ..... | 35 |
| 11 | กุ้งกุลาดำที่นำมาติดเครื่องหมาย..... | 35 |
| 12 | แหล่งที่มาของพ่อแม่พันธุ์กุ้งที่ใช้ในการทดลอง..... | 37 |
| 13 | แผนผังการผลิตลูกกุ้งกุลาดำโดยใช้การผสมแบบคู่ผสมเดียว..... | 39 |
| 14 | ถังเลี้ยงกุ้งกุลาดำขนาด 500 ลิตร..... | 42 |
| 15 | แผนผังการเลี้ยงและเก็บข้อมูลในกุ้งกุลาดำชุดที่ 1..... | 42 |
| 16 | แผนผังการเลี้ยงและเก็บข้อมูลในกุ้งกุลาดำชุดที่ 2..... | 44 |
| 17 | บ่อเลี้ยงกุ้งกุลาดำขนาด 24 ลูกบาศก์เมตร..... | 44 |
| 18 | แผนผังการเลี้ยงและเก็บข้อมูลในกุ้งกุลาดำชุดที่ 3..... | 46 |
| 19 | กระชังเลี้ยงกุ้งกุลาดำ..... | 46 |

บทที่ 1

บทนำ

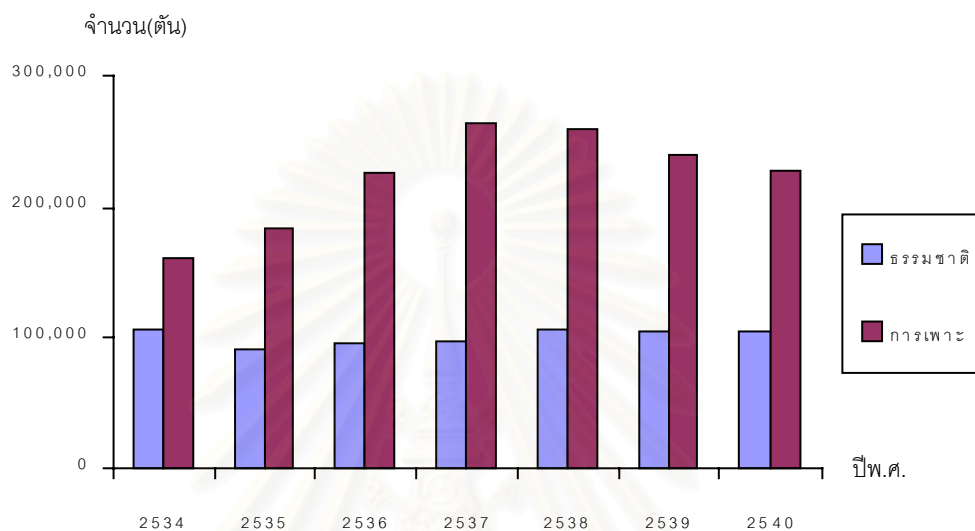
กุ้งกุลาดำเป็นสัตว์น้ำเศรษฐกิจของไทยที่ส่งออกในรูปแบบกุ้งสดแช่แข็งมีมูลค่าเป็นอันดับ 1 ของการส่งออกหมวดสินค้าอาหารของไทย ในช่วง 5 เดือนแรกของปี พ.ศ. 2543 (ม.ค.-พ.ค.) ส่งออกได้มูลค่า 20,126 ล้านบาท (เวรียา สรรคชา, 2543) ผลผลิตของกุ้งกุลาดำของประเทศไทยส่วนใหญ่มาจากการเพาะเลี้ยงมากกว่าการจับมาจากธรรมชาติในขณะเดียวกันปริมาณการจับจากธรรมชาติมีแนวโน้มลดลง ซึ่งในปี พ.ศ. 2534 และ 2540 มีอัตราการจับ 106,495 ตัน และ 105,737 ตัน ตามลำดับ (รูปที่ 1) และเมื่อเปรียบเทียบกับการเพาะเลี้ยงจากจำนวนฟาร์มที่เพิ่มขึ้นซึ่งในปี พ.ศ. 2534 และ 2540 มีจำนวนฟาร์ม 18,998 ฟาร์ม และ 23,723 ฟาร์ม ตามลำดับ

(รูปที่ 2) (ฝ่ายสถิติและสารสนเทศการประมง, 2541) ในช่วง 6 เดือนแรกของปี พ.ศ. 2543 มีปริมาณผลผลิต 66,022 ตัน และประมาณการผลิตตลอดปีจากพื้นที่การเลี้ยงประมาณ 540,000 ไร่ มีผลผลิตประมาณ 220,000 ตัน การผลิตกุ้งกุลาดำยังคงเป็นการเพาะเลี้ยงแบบระบบเปิด

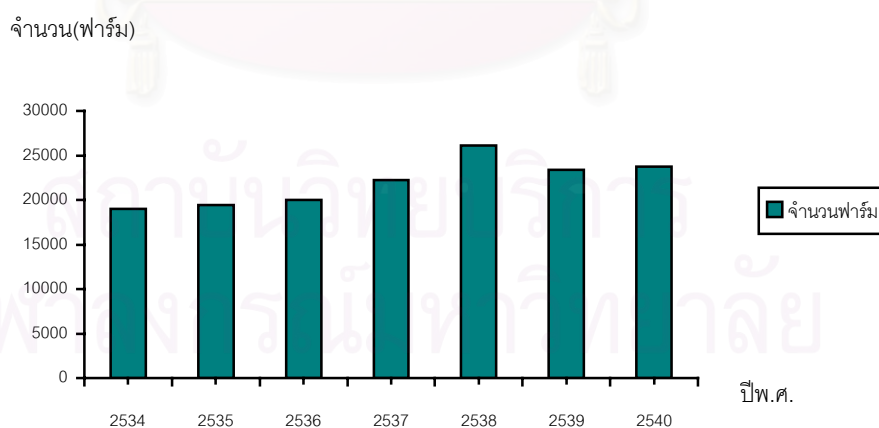
(รูปที่ 3) คือ นำพ่อแม่พันธุ์จากธรรมชาติมาใช้ทุกครั้งที่มีการผลิตลูกกุ้งจากการขยายตัวของธุรกิจการเพาะเลี้ยงกุ้งกุลาดำทำให้ความต้องการพ่อแม่พันธุ์เพื่อใช้ในธุรกิจการผลิตลูกพันธุ์เพื่อรองรับการขยายตัวของการเพาะเลี้ยงกุ้งเพิ่มตามทำให้การใช้พ่อแม่พันธุ์จากธรรมชาติอย่างเดียวจึงไม่เพียงพอต่อความต้องการ (สุภัทรา อุไรวรรณ, 2543) จากการสำรวจของกองเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำชายฝั่ง พบว่า การใช้พ่อแม่พันธุ์จากแหล่งน้ำธรรมชาติเพิ่มขึ้นจาก 37,200 ตัว เป็น 85,960 ตัว หรือ 2.3 เท่า ในช่วงระหว่างปี พ.ศ. 2529-2530 ซึ่งแนวโน้มความต้องการจะเพิ่มขึ้นกว่า 5-6 เท่า ในทุก ๆ ปี (เรณู ยาชิโร และ สมิง ทรงถาวรทวี, 2539) ดังนั้นจึงมีการศึกษาเกี่ยวกับการผลิตพ่อแม่พันธุ์กุ้งกุลาดำในบ่อเลี้ยงเพื่อเป็นแหล่งพ่อแม่พันธุ์เสริมจากแหล่งธรรมชาติที่ลดน้อยลง เช่น

Aquacop (1983) ได้ศึกษาประสบความสำเร็จในการผลิตพ่อแม่พันธุ์กุ้งกุลาดำ โดยการย้ายบ่อ 3 ครั้ง ในเวลา 9 -12 เดือน โดยลดความหนาแน่นจากระยะโพสลาวาที่ขนาด 20 ตัวต่อตารางเมตร เหลือ 1-2 ตัวต่อตารางเมตร เมื่อมีน้ำหนัก 60 กรัม ในประเทศไทยมีการศึกษาเพื่อผลิตพ่อแม่พันธุ์กุ้งกุลาดำจากบ่อเลี้ยงเช่นกัน โดยที่ศูนย์พัฒนาการเพาะเลี้ยงชายฝั่งสตูลทำการเลี้ยงกุ้งกุลาดำในบ่อดินเพื่อเป็นพ่อแม่พันธุ์ โดยใช้อัตราการปล่อย 25 ตัวต่อตารางเมตร ที่ระยะโพสลาวา 20 เลี้ยงจนอายุครบ 197 วัน จึงคัดแยกเพศ อย่างละ 2,000 ตัว แล้วปล่อยเลี้ยงรวมในอัตราปล่อย 1.4 ตัว

ต่อตารางเมตร จนอายุครบ 363 วัน จึงได้พ่อแม่พันธุ์ผสมบรูณ์เพศ เพศเมียมีขนาดเฉลี่ย 104.7 กรัม เพศผู้มีขนาดเฉลี่ย 73.02 กรัม (คณิต ไชยาคำ และคณะ, 2541)

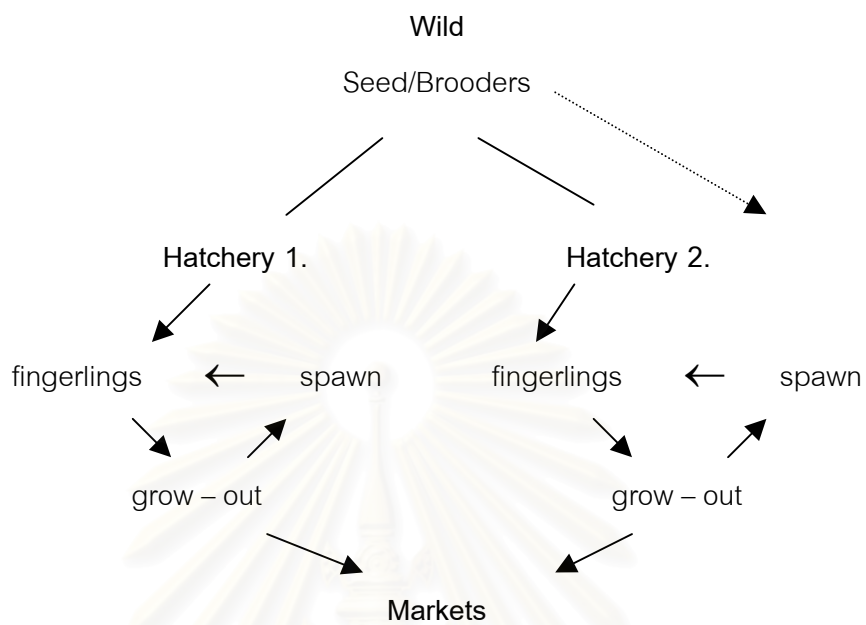


รูปที่ 1 ปริมาณการผลิตกุ้งทะเลของประเทศไทย

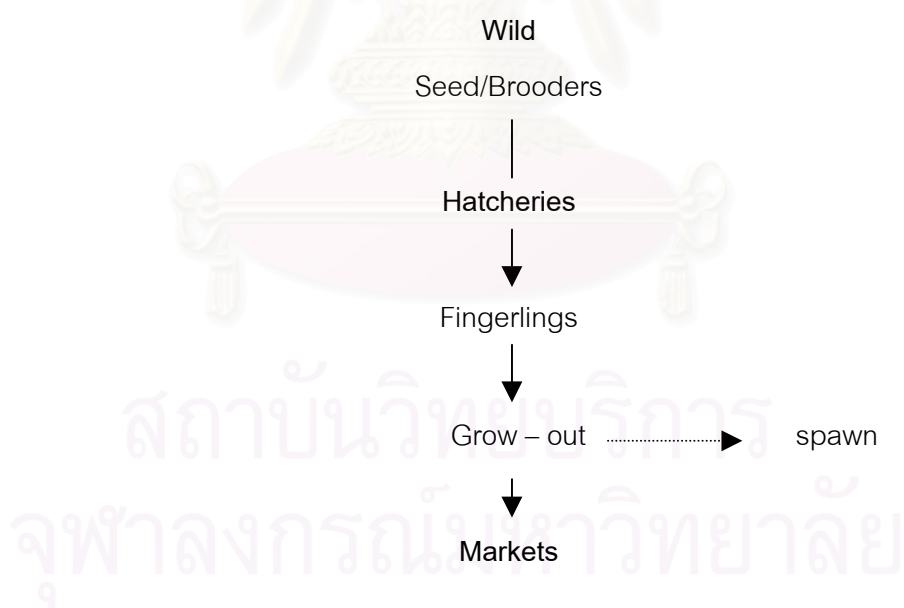


รูปที่ 2 จำนวนฟาร์มเพาะเลี้ยงกุ้งทะเลในประเทศไทย

ก



ข

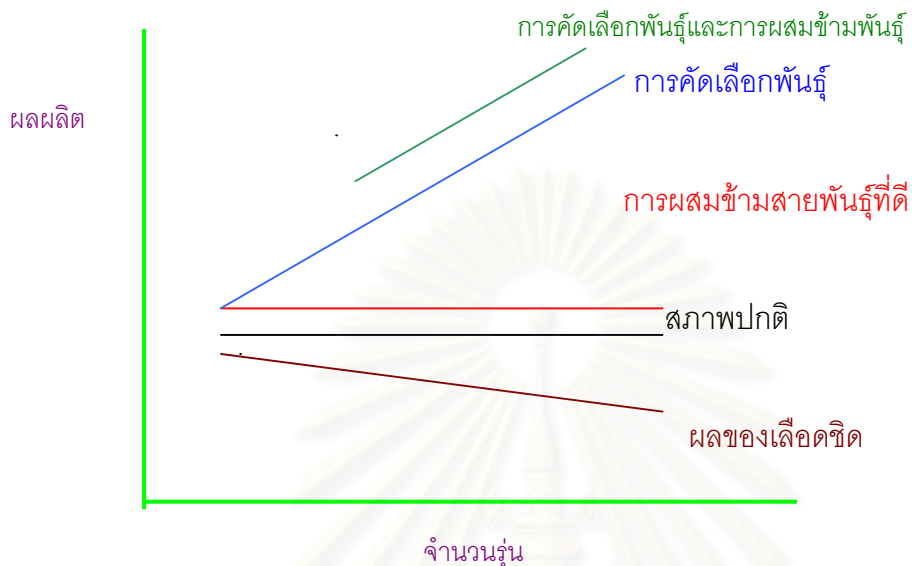


รูปที่ 3 รูปแบบของการเพาะเลี้ยงกุ้งกุลาดำในประเทศไทย

ก ระบบปิด (closed system) ข ระบบเปิด (open system)

(ที่มา : สุภัทรา อุไรวรรณ, 2543)

แนวทางการเพิ่มผลผลิตสัตว์น้ำในอดีตได้มุ่งเน้นไปที่การปรับปรุงองค์ประกอบต่าง ๆ เช่น การปรับปรุงคุณภาพอาหารและน้ำ วิธีการเลี้ยง การจัดการฟาร์ม เป็นต้น ล้วนแต่เป็นการปรับปรุงสภาพแวดล้อมภายนอกของตัวสัตว์น้ำ ซึ่งการจัดการด้านสภาพแวดล้อมเพียงด้านเดียวมีขีดจำกัด เมื่อเทียบกับการจัดการด้านพันธุกรรมควบคู่ไปด้วย อธิบายได้ตามรูปที่ 4 คือผลผลิตสัตว์น้ำที่ได้ต่อรุ่นมีแนวโน้มลดลงเพราะการจัดการมุ่งเน้นไปด้านสิ่งแวดล้อมเพียงด้านเดียวหรือขาดการจัดการด้านพันธุกรรมที่เหมาะสมถ้าปล่อยไว้ในสภาพที่ปกติ โดยไม่ต้องเข้าไปจัดการด้านต่าง ๆ แล้วผลผลิตที่ได้ต่อรุ่นจะคงที่ เพราะในขณะที่ทำการคัดเลือกพันธุ์ที่ดีที่สุดหรือทำการผสมข้ามพันธุ์พบว่าผลผลิตที่ได้เพิ่มสูงกว่าที่ได้ปกติ แต่ทั้ง 3 กรณี คือ สภาพปกติสายพันธุ์ที่ดีและการผสมข้ามพันธุ์นั้น พบว่าผลผลิตที่ได้ต่อรุ่นยังคงที่ แต่เมื่อใดก็ตามที่มีการนำโปรแกรมการคัดเลือกพันธุ์เข้ามาช่วยแล้วผลผลิตที่ได้ต่อรุ่นมีแนวโน้มสูงขึ้น โดยเฉพาะเมื่อทำการคัดเลือกพันธุ์ร่วมกับการผสมข้ามพันธุ์ สุภัทธา อุไรวรรณ (2533) กล่าวถึงการปรับปรุงพันธุ์โดยวิธีการทางพันธุศาสตร์ว่าเป็นการพัฒนาในด้านพันธุกรรมของสัตว์ให้ได้พันธุ์ที่มีลักษณะดี เช่น สัตว์น้ำที่มีอัตราการเจริญเติบโตดีจะถูกคัดเลือกเป็นพ่อแม่พันธุ์ที่มีลักษณะที่ดีไปสู่รุ่นลูกต่อไปจะทำให้เพิ่มผลผลิตขึ้นได้อีกในระดับหนึ่ง ทั้งในด้านคุณภาพและปริมาณ จากที่กล่าวมาข้างต้นจะเห็นว่าการนำความรู้ด้านพันธุศาสตร์มาใช้ในการปรับปรุงพันธุ์ประกอบด้วยความรู้ด้านการเพาะเลี้ยง เพื่อให้สามารถควบคุมทุกขั้นตอนของการผลิตได้เป็นสิ่งจำเป็น ซึ่งการเพาะเลี้ยงแบบพัฒนาหมายความว่าการจัดการควบคุมการผลิตในทุกส่วน การเพาะฟักในโรงเรือนแล้วนำลูกกุ้งมาอนุบาลและเลี้ยงต่อเป็นกุ้งที่ขนาดตลาดและเลี้ยงบางส่วนจนถึงขนาดพ่อแม่พันธุ์ที่สมบูรณ์เพศแล้วนำกลับมาเพาะพันธุ์นอกจากนี้ความรู้ทางด้านพันธุศาสตร์เชิงโมเลกุลก็นับว่าเป็นสิ่งจำเป็นเพราะพ่อแม่พันธุ์ธรรมชาติเพื่อเป็นแหล่งของการคัดเลือกพันธุ์ควรมีความแปรปรวนของจีนสูงเพื่อให้ได้ลักษณะตามต้องการ ในการคัดเลือกพันธุ์ภายใต้โปรแกรมการปรับปรุงพันธุ์ประกอบการเพาะเลี้ยงนั้นมีหลายวิธี ซึ่ง Doyle (1983) ได้กล่าวถึงเทคนิคในการคัดเลือกพันธุ์ที่สามารถศึกษาได้โดยใช้ลักษณะการเติบโตที่ระดับอาหารต่าง ๆ อายุการเก็บผลผลิตหรือการเติบโตอันเนื่องมาจากผลของพันธุกรรมต่อสภาพการเลี้ยงต่าง ๆ กัน เป็นต้น ในขณะที่ Gjedrem (1983) กล่าวว่าก่อนจะทำโปรแกรมการคัดเลือกพันธุ์นั้นต้องมีจุดประสงค์ที่แน่นอน ซึ่งจุดประสงค์ของลักษณะที่ต้องการปรับปรุงจะแตกต่างกันไปตามชนิดของสัตว์น้ำและความก้าวหน้าของแต่ละประเทศ (Mahon, 1983) สำหรับในกลุ่มพวกกุ้ง ลักษณะที่ต้องการทำการปรับปรุงส่วนใหญ่ได้แก่อัตราการเติบโต คุณภาพเนื้อ อัตราการตายในระยะเวลาอ่อนและวัยรุ่น



รูปที่ 4 ผลผลิตสัตว์น้ำภายใต้โปรแกรมการคัดเลือกพันธุ์ (ดัดแปลงจาก Tave, 1993)

ในโปรแกรมการคัดเลือกพันธุ์สัตว์น้ำใด ๆ ก็ตามค่าอัตราพันธุกรรมจัดได้ว่ามีความสำคัญอย่างยิ่งในการศึกษาการถ่ายทอดลักษณะทางปริมาณ สำหรับการกำหนดวิธีการปรับปรุงพันธุ์ เนื่องจากเป็นค่าที่บ่งบอกถึงปริมาณความแปรปรวนทางพันธุกรรมเปรียบเทียบกับความแปรปรวนทั้งหมดที่เกิดขึ้นและใช้ในการทำนายความก้าวหน้าหรือการตอบสนองต่อการคัดเลือก โดยทั่วไปแล้วโปรแกรมการคัดเลือกพันธุ์จะตั้งอยู่บนพื้นฐานคุณค่าของพ่อแม่พันธุ์แต่ละตัว การคัดเลือกพันธุ์สามารถแบ่งออกตามวิธีดำเนินการดังนี้ Gall, (1990) และ Falconer, (1989)

(1) Individual Selection หรือ Mass Selection เป็นการการคัดเลือกพันธุ์โดยพิจารณาจากลักษณะปรากฏของสัตว์น้ำนั้นๆ (phenotypic value) โดยเลือกตัวหรือกลุ่มที่มีลักษณะปรากฏตามต้องการมากที่สุดจะถูกคัดเลือกเป็นพ่อแม่พันธุ์ วิธีการนี้จัดเป็นวิธีการที่ง่ายที่สุดและได้ผลดีในลักษณะที่มักมีการถ่ายทอดสูง (h^2 สูง) เช่น รูปร่าง สีสัน ข้อมูลรายตัวของลักษณะปรากฏที่สนใจมีความจำเป็นการคัดเลือกพันธุ์

(2) Family Selection เป็นการคัดเลือกพันธุ์โดยพิจารณาสัตว์ทั้งครอบครัวหรือครอบครัว โดยพิจารณาจากค่าเฉลี่ยของลักษณะปรากฏของครอบครัว ซึ่งครอบครัวไหนเด่นจะเลือกเป็นพ่อแม่พันธุ์ การคัดเลือกพันธุ์วิธีจำเป็นต้องใช้สถานที่มากเนื่องจากจะต้องเลี้ยงแยกในแต่ละครอบครัว และ

เริ่มจากจำนวนครอบครัวมากๆ เป็นวิธีการที่ได้ผลดีในลักษณะที่มีการถ่ายทอดต่ำ (h^2 ต่ำ) หรือลักษณะที่ต้องทำการฆ่าสัตว์ทดลอง เช่น ลักษณะปริมาณไขมัน ปริมาณเนื้อ เป็นต้น

(3) Within-Family Selection เป็นการคัดเลือกพันธุ์โดยพิจารณาลักษณะปรากฏของสัตว์ภายในครอบครัว ซึ่งจะคัดเลือกเฉพาะสัตว์ที่มีลักษณะต้องการจากทุกครอบครัวเป็นพ่อแม่พันธุ์ วิธีการนี้เหมาะสำหรับลักษณะที่มีการถ่ายทอดต่ำ หรือมีการผสมพันธุ์ไม่พร้อมกัน ซึ่งจะทำให้ความแตกต่างระหว่างครอบครัวมีมากและไม่สามารถใช้วิธีการคัดเลือกพันธุ์แบบ Family Selection ได้ การคัดเลือกพันธุ์แบบ Within-Family Selection ยังใช้เนื้อที่น้อยกว่าอีกด้วย

(4) Combined Selection เป็นการรวมการคัดเลือกพันธุ์แบบที่ 2 และ 3 ไว้ด้วยกันโดยพิจารณาคัดพ่อแม่พันธุ์จากสัตว์ที่มีลักษณะปรากฏที่น่าสนใจ เด่นที่สุดในแต่ละครอบครัวของกลุ่มที่มีค่าเฉลี่ยของลักษณะดีด้วย เป็นที่คาดหวังว่าวิธีการนี้จะให้ผลดีที่สุด แต่ในการดำเนินการนั้นใช้เนื้อที่มากเช่นเดียวกับ Family Selection

(5) Progeny testing เป็นการคัดเลือกพันธุ์โดยพิจารณาจากลักษณะปรากฏในรุ่นลูก เป็นวิธีที่มีประสิทธิภาพมาก แต่อาศัยระยะเวลาและการเก็บข้อมูลประวัติที่ดีถ้าหากค่าอัตราพันธุกรรมของลักษณะที่ต้องการคัดเลือกมีค่าสูงก็อาจใช้วิธีการคัดเลือกโดยตรงได้ เช่น การคัดเลือกโดยดูลักษณะพ่อแม่พันธุ์เอง (individual selection) อย่างไรก็ตามวิธีนี้อาจทำให้มีโอกาสเกิดการผสมเลือดชิดได้ ซึ่งก็อาจแก้ไขได้โดยการใช่วิธีการคัดเลือกโดยดูลักษณะของครอบครัว (family selection) หรือใช้ทั้งสองแบบร่วมกัน แต่ในบางครั้งลักษณะภายนอกที่ต้องการคัดเป็นลักษณะที่มีค่าอัตราพันธุกรรมต่ำ เช่น ลักษณะที่แสดงออกในเพศใดเพศหนึ่ง หรือ ลักษณะที่ต้องฆ่าสัตว์เพื่อวัดลักษณะ เราอาจจะใช้การคัดเลือกพันธุ์โดยดูจากบันทึกของลูก (progeny selection) ซึ่งเป็นการคัดพันธุ์ที่ใช้ลักษณะของลูกในการตัดสินใจเลือกพ่อแม่พันธุ์

ดังนั้นโปรแกรมคัดเลือกเพื่อการผสมพันธุ์ของกึ่งกุลาดำจึงมีความสำคัญอย่างยิ่งต่อการพัฒนาการเลี้ยงกึ่ง นอกจากจะส่งผลให้ได้ลูกพันธุ์ที่มีคุณภาพดีแล้ว ยังจะช่วยให้ธุรกิจการทำฟาร์มกึ่งกุลาดำสามารถดำเนินการไปสู่การพัฒนาอย่างยั่งยืนได้ โดยไม่จำเป็นต้องพึ่งพ่อแม่พันธุ์จากธรรมชาติช่วยลดความแปรปรวนของคุณภาพพ่อแม่พันธุ์ อย่างไรก็ตามการจัดโปรแกรมคัดเลือกเพื่อการผสมพันธุ์จำเป็นจะต้องหาวิธีการตีเครื่องหมายเพื่อติดตามรายตัวกึ่งในแต่ละครอบครัวและหาค่าอัตราพันธุกรรมของลักษณะที่ต้องการรวมถึงค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏต่าง ๆ เพื่อนำผลที่ได้เหล่านี้มาใช้ประกอบกัน อันจะเป็นประโยชน์ต่อการพัฒนาสายพันธุ์กึ่งกุลาดำของไทยให้มีประสิทธิภาพและความยั่งยืน

วัตถุประสงค์

- 1 พัฒนารูปแบบของเครื่องหมายเพื่อใช้ในการติดตามข้อมูลสำหรับการศึกษาค่าอัตราพันธุกรรมในกิ้งกูดำ
- 2 ประเมินค่าอัตราพันธุกรรมของการเติบโตกิ้งกูดำที่อายุต่าง ๆ จนถึงอายุที่ขนาดตลาด
- 3 ประเมินค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของกิ้งกูดำ



สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

บทที่ 2

สำรวจเอกสาร

2.1 อนุกรมวิธานและชีววิทยาบางประการของกุ้งกุลาดำ

2.1.1 อนุกรมวิธาน

| | |
|------------|--------------|
| Phylum | Arthropoda |
| Class | Crustacea |
| Subclass | Malacostraca |
| Superorder | Eucarida |
| Order | Decapod |
| Suborder | Natantia |
| Family | Penacidae |
| Genus | Penaeus |

Penaeus monodon Fabricius, 1798

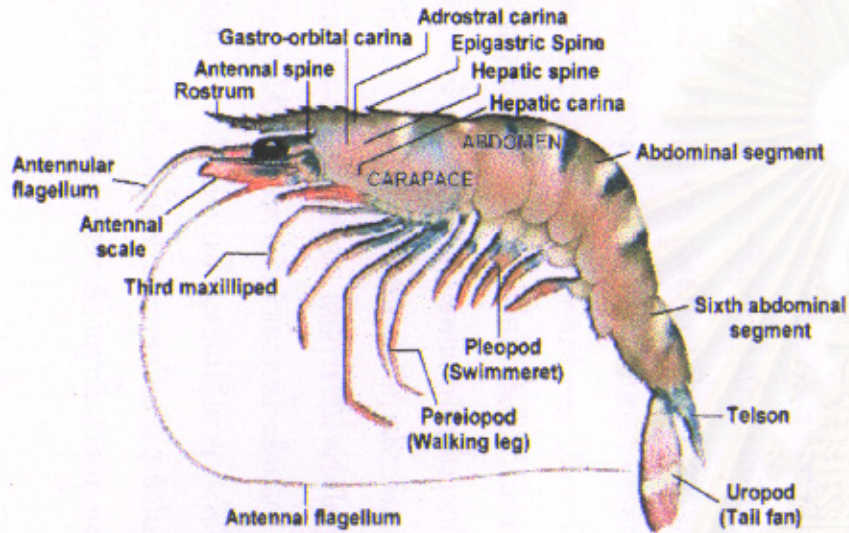
ชื่อสามัญ (common name) กุ้งกุลาดำ , BLACK TIGER SHRIMP

2.1.2 การกระจาย

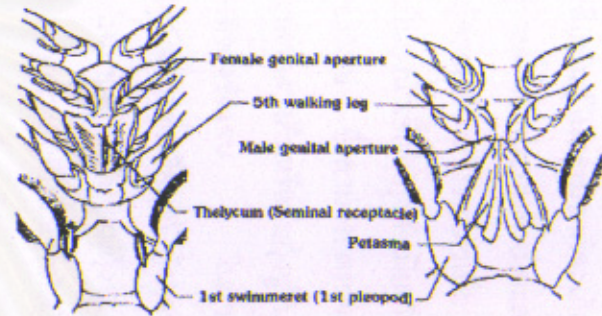
กุ้งกุลาดำเป็นกุ้งทะเลที่มีขนาดใหญ่ที่สุดในสกุล *Penaeus* มีการแพร่กระจายอย่างกว้างขวางในน่านน้ำแถบอินโด-แปซิฟิกตะวันตก ได้แก่ ประเทศอัฟริกาใต้ ทรานซาเนีย เคนยา ไชมาเลีย มาดากัสการ์ ซาอุดีอาระเบีย โอมาร์ ปากีสถาน อินเดีย บังคลาเทศ ศรีลังกา อินโดนีเซีย ไทย มาเลเซีย สิงคโปร์ ย่างกุ้ง ใต้หวัน เกาหลี ญี่ปุ่น ออสเตรเลีย ปาปัวนิวกินี (Motoh, 1985) ในประเทศไทยพบได้ทั้งในแถบอ่าวไทยและอันดามัน เพราะกุ้งกุลาดำสามารถอยู่อาศัยได้ในน้ำที่มีอุณหภูมิสูงและความเค็มต่ำ ดังนั้นในบางครั้งจึงพบได้ในบริเวณป่าชายเลนหรือปากแม่น้ำ (Anderson, 1993) ตัวเต็มวัยส่วนใหญ่มักอาศัยในน้ำลึกห่างชายฝั่งและชอบพื้นทะเลที่เป็นดินทรายหรือดินโคลน (วัลลภ คงเพิ่มพูน, 2532)

2.1.3 ลักษณะโดยทั่วไป

โดยทั่วไปผิวนอกของลำตัวกุ้งปกคลุมด้วย cuticle ซึ่งประกอบด้วย chitin ทำให้เปลือกแข็งยกเว้นบริเวณข้อต่อ เปลือกหุ้มตัวซึ่งเป็นโครงร่างภายนอก เรียกว่า exoskeleton แบ่งออกเป็น ส่วน ๆ คือ เปลือกตอนที่คลุมส่วนหัว-อกทั้งหมด เรียก carapace เปลือกที่คลุมส่วนท้อง แบ่งเป็น 2 ส่วน คือ ส่วนที่คลุมด้านหลัง เรียก tergum ส่วนที่คลุมส่วนท้อง เรียก sternum ลำตัว กุ้งแบ่งได้ 2 ส่วน คือ ส่วนหัว-อก (cephalothorax) มี 13 ปล้อง (ส่วนหัวมี 5 ปล้อง ส่วนอกมี 8 ปล้อง) และส่วนท้อง (abdomen) มี 6 ปล้อง ตอนหน้าสุดของส่วน cephalothorax มีลักษณะเป็น ฟันแหลมยื่นไปด้านหน้า เรียก กรี (rostrum) ใต้กรีมามีตารวม (compound eye) ข้างละ 1 ตา ซึ่งติดอยู่กับก้านตา (eye stalk) ทำให้ตากุ้งเคลื่อนไหวได้หลายทิศทาง ปากอยู่ระหว่างขากรรไกร เหนือขาทั้งสองข้างมีเปลือกที่ค่อนข้างใสและนิ่มปกคลุม เรียก branchiostegite ระบายคี่ในส่วน ต่าง ๆ มีโครงสร้างและหน้าที่แตกต่างกัน หน้าที่ของระบายคี่เรียงจากส่วนหน้าสุดไปถึงส่วนหลังสุด คือ ส่วนหนวด (antennules, antennae) ทำหน้าที่ในการสัมผัสและรับความรู้สึกจากภายนอก ขากรรไกรล่าง (mandible) ใช้ในการฉีกอาหาร ขณะที่ขากรรไกรบน (maxillae) และระบายคี่ตอนอก (maxilliped) ใช้ในการจับเหยื่อ ก้าม (chelipeds) ทำหน้าที่ป้องกันและจับเหยื่อ ขาเดิน (pereiopod) ใช้ในการเคลื่อนที่ จับอาหารและทำความสะอาดลำตัว ขาวายน้ำ (pleopods) ใช้ในการว่ายน้ำและเป็นที่ยึดไข่ในกุ้งเพศเมียบางชนิด ส่วนของทวาร (anus) จะเป็นช่องเปิดเล็ก ๆ อยู่ ด้านล่างของหาง (telson) และหางซึ่งอยู่บริเวณปลายสุดของส่วนท้องมีจะลักษณะแหลมขนาน ข้างด้วยแพนหาง (uropods) ทั้งสองส่วนนี้ร่วมกันทำหน้าที่ในการบังคับทิศทางเคลื่อนที่ จากการที่ระบายคี่ ท้อง แพนหางสามารถยืดหดได้ กุ้งจึงสามารถเคลื่อนที่ไปในทิศทางต่าง ๆ ได้ทั้ง ด้านหน้า-หลัง ด้านข้าง-ทแยง (รูปที่ 5ก) (Anderson, 1993) กุ้งกุลาดำจะมีลำตัวสีน้ำเงินเข้มปนสีม่วง และมีแถบสีม่วงเข้มหรือสีดำพาดขวางลำตัวสลับกับแถบสีจาง ดังนั้นจึงเห็นลักษณะสีลำตัวเป็น ปล้องตามแถบสี เปลือกตัวเกลี้ยงไม่มีขน โคนและปลายกรีมืดขึ้นเล็กน้อยหรือค่อนข้างตรง ด้าน บนของกรีมี่ฟัน 6-8 ซี่ ด้านล่างมี 2-4 ซี่ ช่องข้างกรีมี่ทั้งสองด้านแคบและยาวไม่ถึงฟัน กรีมี่สุดท้าย hepatic carina อยู่ในแนวระดับ gastro-orbital carina อยู่ค่อนข้างไปทางด้านหลังประมาณครึ่งหนึ่งของระยะทางระหว่าง hepatic spine กับ post-orbital region ของเปลือกหัว รอบปลายหางและ ขาวายน้ำมีขนสีแดง ขาเดินคู่ที่ 5 ไม่มี exopodite (ระบายคี่ด้านนอก) กุ้งตัวเมียมีอวัยวะเพศ เรียกว่า thelycum อยู่บริเวณส่วนอก ระหว่างขาเดินคู่ที่ 4-5 มีลักษณะกลมหรือค่อนข้างกลม ส่วน อวัยวะเพศผู้ เรียกว่า petasma มีลักษณะคล้ายฝ่าบาง ๆ จึงซ้อนกันเป็นท่อนติดอยู่กับโคนขาวาย น้ำ คู่ที่ 1 (รูปที่ 5ข) (กรมประมง, 2530; Anderson, 1993)



ก



อวัยวะเพศเมีย

อวัยวะเพศผู้

ข

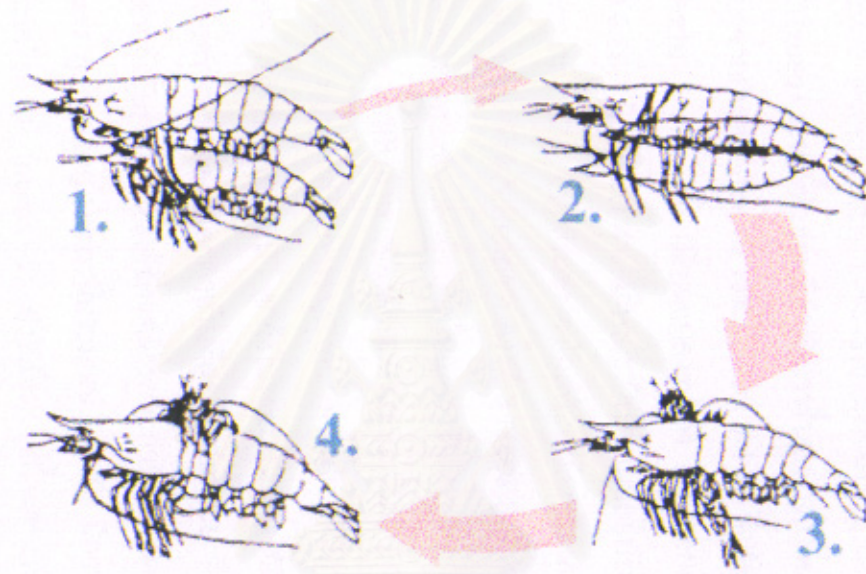
รูปที่ 5 กายวิภาคทั่วไป (ก) และภาพแสดงอวัยวะเพศเมียและเพศผู้ (ข) ของกุ้งกุลาดำ

(ดัดแปลงมาจาก Umer Barry Publication Inc., internet)

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

2.1.4 การสืบพันธุ์

การสืบพันธุ์ในธรรมชาติจะเกิดขึ้นเมื่อตัวเมียลอกคราบและอวัยวะเพศเมียยังอ่อนตัวอยู่ โดยตัวผู้ว่ายน้ำเข้าประกบตัวเมียและแรงเร้าให้ตัวเมียว่ายน้ำไปด้วยกัน ทั้งคู่ว่ายน้ำขนานกันไปโดยกึ่งตัวผู้จะอยู่ด้านล่างของตัวเมีย เมื่อได้จังหวะตัวผู้จะหงายท้องรัดตัวเมียพร้อมปล่อยน้ำเชื้อซึ่งถูกเก็บในถุงน้ำเชื้อให้กึ่งตัวเมียเก็บในอวัยวะเพศเมีย (รูปที่ 6) ตัวเมียที่ได้รับการผสมจะมีการพัฒนาของรังไข่ ซึ่งสามารถตรวจสอบระดับการเจริญของรังไข่ได้โดยการใช้ไฟฉายส่องใต้ท้องแม่พันธุ์ในเวลากลางคืนหรือจับกึ่งตัวผู้ขึ้นดูแถบไข่ทางด้านหลัง หากมีการพัฒนาของรังไข่จะเห็นรังไข่เป็นเงาในตัวกึ่งชัดเจน ในการเพาะพันธุ์เมื่อแม่กึ่งมีการเจริญของรังไข่ในระยะที่ 3-4 จึงแยกแม่กึ่งใส่ถังเพาะที่เตรียมไว้ กึ่งกุดาค่าจะวางไข่ในเวลากลางคืนตั้งแต่เวลา 20.00-04.00 นาฬิกา ของวันใหม่ ขณะที่วางไข่แม่กึ่งจะว่ายน้ำวนรอบ ๆ ไข่จะถูกขับออกมาจากบริเวณทางเปิดตรงโคนขาเดินคู่ที่ 3 และผสมกับน้ำเชื้อตัวผู้ซึ่งไหลออกจากถุงเก็บน้ำเชื้อทางรูเปิดเล็ก ๆ ที่บริเวณโคนขาเดินคู่ที่ 4 ของตัวเมีย เป็นการผสมภายนอก ไข่จะมีโอกาสผสมกับน้ำเชื้อเท่าใดขึ้นกับปริมาณไข่และน้ำเชื้อที่แม่กึ่งปล่อยออกมาแต่ละครั้ง แม่กึ่งใช้เวลาในการไข่ครั้งหนึ่ง 3-5 นาที ไข่ที่ได้รับการผสมแล้วในระยะแรกมีลักษณะกลมมีเมือกหุ้มต่อมาจะค่อย ๆ เปลี่ยนเป็นรูปผลึกโดยทั่วไปไข่จะหนักกว่าน้ำทะเลเล็กน้อยดังนั้นไข่จึงจมสู่ก้นถัง ไข่จะฟักเป็นตัวภายหลังการผสมแล้วประมาณ 12 ชั่วโมง หากไข่ที่ได้จับกันเป็นก้อนหรือรวมกลุ่มกันจะทำให้ข้อทรายฟักต่ำ ดังนั้นจึงต้องมีการกวนไข่ให้ฟุ้งกระจาย (วัลลภ คงเพิ่มพูน, 2532) สำหรับในประเทศไทยแหล่งพ่อแม่พันธุ์แบ่งได้ 2 แหล่ง คือ ทางภาคใต้และภาคตะวันออก โดยทางภาคใต้ได้จากจังหวัด ภูเก็ต พังงา ตรัง กระบี่ ระนอง และสตูล ส่วนทางภาคตะวันออกได้จากจังหวัด จันทบุรี และตราด (กรมประมง, 2530) เมื่อรวบรวมพ่อแม่พันธุ์ขึ้นบนเรือได้จะเก็บไว้ในถังน้ำและให้อากาศอยู่ตลอดเวลา หากพบว่ากึ่งตัวใดตายจะนำออกทันที เมื่อพ่อแม่พันธุ์ขึ้นจากเรือจะลำเลียงยังโรงเพาะฟักโดยนำกึ่งใส่กล่องโฟมหรือถัง เติมน้ำทะเลพอท่วมตัวกึ่งและเติมอากาศจากนั้นลดอุณหภูมิของน้ำทะเลลงเหลือประมาณ 18-20 องศาเซียส โดยการใช้น้ำแข็งใส่ถุงพลาสติกผูกปากกล่องในภาชนะที่บรรจุกึ่ง เมื่ออุณหภูมิได้ตามต้องการจึงนำเอาถุงน้ำแข็งออก ปิดภาชนะเพื่อควบคุมอุณหภูมิให้คงที่ หากอุณหภูมิสูงจะทำให้กึ่งอ่อนเพลียและแม่กึ่งอาจวางไข่ในขณะที่ลำเลียงได้ แต่ถ้าหากการลำเลียงใช้ระยะเวลาไม่ไกลหรือใช้ระยะเวลาไม่เกิน 3 ชั่วโมง ก็ไม่จำเป็นต้องลดอุณหภูมิเพียงแต่ใส่น้ำทะเลและให้อากาศตลอดการลำเลียงเท่านั้น (วัลลภ คงเพิ่มพูน, 2532)



รูปที่ 6 ขบวนการผลมพันธุ์กุ้งกุลาดำโดยวิธีธรรมชาติ

(ที่มา : Primavera, 1979)

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

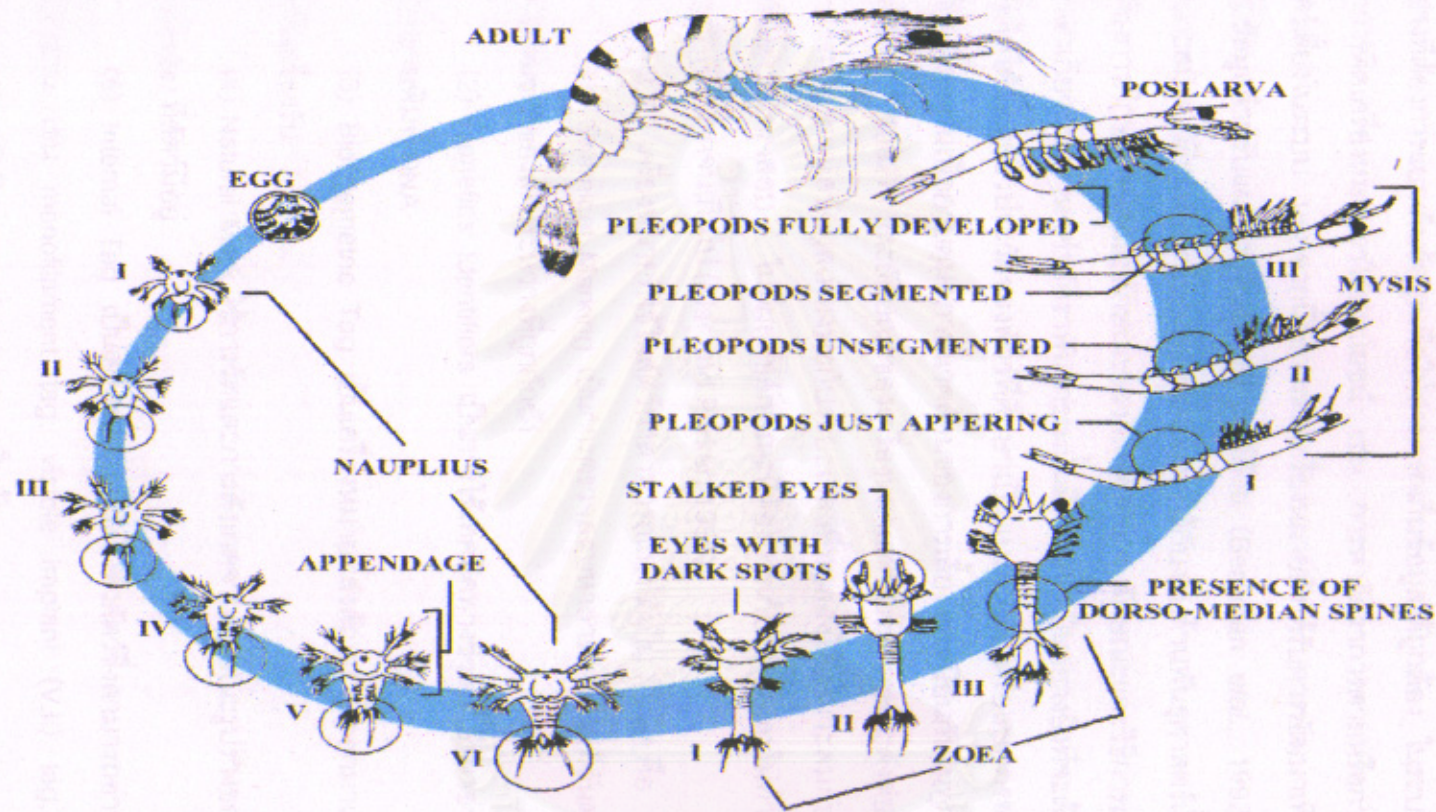
2.1.5 การเจริญเติบโต

ลูกกุ้งจะมีพัฒนาการเปลี่ยนแปลงรูปร่างภายหลังการฟัก (รูปที่ 7) ดังนี้ ตัวอ่อนระยะที่ 1 (nauplius) ลูกกุ้งวัยนี้จะมีลักษณะลำตัวประกอบด้วยระยางค์ 3 คู่ คู่แรกด้านหัวเป็นระยางค์ที่ไม่มีก้านแยกออกมา ระยางค์คู่ที่ 2-3 อยู่ต่ำถัดลงไปตามลำดับ ปลายระยางค์แยกเป็น 2 แฉก ตัวอ่อนระยะนี้มีการลอกคราบ 6 ครั้งและมีการเจริญเติบโตทุกครั้งที่มีการลอกคราบจึงมีขนาดตั้งแต่ 0.3-0.5 มิลลิเมตร ใช้ระยะเวลาประมาณ 40-50 ชั่วโมง (2 วัน) จึงเปลี่ยนแปลงรูปร่างเข้าสู่ระยะที่ 2 ตัวอ่อนระยะที่ 1 จะใช้ไข่แดงที่ติดตัวเป็นอาหารดังนั้นจึงยังไม่กินอาหาร ตัวอ่อนระยะที่ 2 (zoea) ระยะนี้ตัวอ่อนมีลำตัวยาวขึ้นรูปร่างเปลี่ยนไปจากตัวอ่อนระยะที่ 1 คือ ส่วนหัวและอกแยกจากกันอย่างชัดเจน ใช้ระยะเวลา 3-4 วัน จึงพัฒนาการเข้าสู่ตัวอ่อนระยะที่ 3 ซึ่งจะใช้การลอกคราบ 3 ครั้ง เพื่อเปลี่ยนแปลงรูปร่าง คือ ลอกคราบครั้งที่ 1 (zoea 1) ขนาดลำตัวประมาณ 0.85-1 มิลลิเมตร ตามีลักษณะเป็นรอยนูนอยู่บริเวณหัว ลอกคราบครั้งที่ 2 (zoea 2) ลำตัวยาวประมาณ 1.2-1.4 มิลลิเมตร ตาไหล่พ้นเปลือกหัวและมีก้านตา มีกรีแหลมยื่นไปด้านหน้า มีหนาม 1 คู่ อยู่ระหว่างตา ลอกคราบครั้งที่ 3 (zoea 3) ลำตัวยาวประมาณ 1.5-2 มิลลิเมตร เริ่มมีแพนหางโดยแพนหางชั้นนอกมีขนาดใหญ่กว่าชั้นใน รอบ ๆ แพนหางมีขน มีระยางค์ว่ายน้ำเกิดขึ้นที่ปล้องอกทั้ง 5 สำหรับอาหารของตัวอ่อนในระยะนี้ได้แก่ สาหร่ายเซลล์เดียว เช่น คีโตเซอรอสและสเกลลีโตนีมา นอกจากนี้ในการอนุบาลบางครั้งมีการให้อาหารเสริมโดยการละลายอาหารผ่านผ้ากรองขนาด 50-70 ไมครอน ลูกกุ้งในระยะนี้ไม่ควรได้รับแสงสว่างมากนักเพราะลูกกุ้งอาจเกิดความเครียดทำให้ตัวคดงอและตายในที่สุด ตัวอ่อนระยะที่ 3 (mysis) ระยะนี้ลูกกุ้งเริ่มมีลักษณะรูปร่างคล้ายกุ้งวัยรุ่นมองเห็นได้ชัดแต่ลักษณะการว่ายน้ำต่างกัน คือ ว่ายน้ำโดยใช้หัวที่มลงและติดตัวขึ้นลง ลูกกุ้งจะอยู่ในระยะนี้ประมาณ 3-4 วัน มีการเปลี่ยนแปลงโดยการลอกคราบ 3 ครั้ง ลอกคราบครั้งที่ 1 (mysis 1) ยังไม่มีขาว่ายน้ำแต่จะเห็นลักษณะเป็นปุ่มยื่นออกมาจึงยังใช้ระยางค์จากอกในการว่ายน้ำ ส่วนหัวและอกเริ่มเชื่อมติดกัน การลอกคราบครั้งที่ 2 (mysis 2) ส่วนหัวและอกเชื่อมติดกันโดยสมบูรณ์ ระยางค์คู่ที่ 1-3 ตรงปลายเปลี่ยนเป็นก้ามหนีบ ปล้องแรกของขาว่ายน้ำปรากฏชัดเจน ลอกคราบครั้งที่ 3 (mysis 3) ขาว่ายน้ำปรากฏให้เห็นชัดเจน ลำตัวมีความยาวประมาณ 4.04-4.50 มิลลิเมตร ตัวอ่อนระยะนี้สามารถจับแพลงค์ต่อนสัตว์เล็ก ๆ กินได้ ตัวอ่อนระยะที่ 4 (postlarva) ลูกกุ้งระยะนี้มีระยางค์ครบเหมือนกุ้งวัยรุ่น การว่ายน้ำของลูกกุ้งจะขนาดในแนวระดับและเริ่มเปลี่ยนแปลงนิสัยจากการว่ายน้ำมาเกาะนิ่งตามพื้น หลังการลอกคราบแต่ละครั้งรูปร่างลักษณะจะเปลี่ยนแปลงไปสมบูรณ์ยิ่งขึ้น มีสีและลายเกิดขึ้น ในธรรมชาติลูกกุ้งระยะนี้จะอยู่ตามป่าชายเลนหรือแหล่งน้ำกร่อยประมาณ 3-4 เดือน เมื่อเติบโตเป็นกุ้งวัยรุ่นจะเดิน

ทางลงสู่ทะเลลึกเพื่อเติบโตและผสมพันธุ์ต่อไป (บังอร ศรีมุกดา และ เตริยม ธิสาเวทย์, 2527; กรม
ประมง, 2530; วัลลภ คงเพิ่มพูน, 2532; อนันต์ ต้นสุตะพานิช และคณะ, 2538)



สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



รูปที่ 7 วงชีวิตของกุ้งกุลาดำ
(ดัดแปลงจาก Motosh, 1985)

สถาบันวิจัยและพัฒนา
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

2.2 การติดเครื่องหมาย

การติดเครื่องหมายหรือการติดรหัส (tagging) เป็นขบวนการติดวัสดุติดตามลงในสัตว์ตัวอย่างที่ต้องการแยกเก็บข้อมูลเพื่อให้สามารถเก็บข้อมูลได้ถูกต้อง ในระบบการเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำก็นำการติดเครื่องหมายมาใช้ประโยชน์ เช่น การหาอัตราการตายหรือการหาอัตราการเติบโตของสัตว์เลี้ยงในระบบ นอกจากนี้วิธีการติดเครื่องหมายยังได้รับการพัฒนาเพื่อใช้เป็นเครื่องมือในการเก็บข้อมูลสำหรับแผนงานทางพันธุศาสตร์ด้วย (Bergman *etal.*, 1992) การพิจารณาถึงความเหมาะสมของวิธีการติดเครื่องหมายที่จะนำมาใช้กับงานด้านพันธุศาสตร์นั้นควรคำนึงถึง ลักษณะที่ต้องการศึกษา ชนิดและลักษณะของสัตว์ตัวอย่าง ลักษณะและวิธีการเก็บข้อมูล สำหรับในการศึกษาเกี่ยวกับการหาค่าอัตราพันธุกรรมนั้นมีความจำเป็นอย่างยิ่งที่จะต้องใช้การติดเครื่องหมายเพื่อให้ได้ข้อมูลชีวประวัติของสัตว์ที่ศึกษาเป็นแบบรายตัวหรือแบบครอบครัวและทำให้สามารถเลี้ยง รวมกันเพื่อควบคุมสภาพแวดล้อมของการเลี้ยงให้เหมือนกันในทุก ๆ หน่วยทดลองได้ (Nielsen, 1992) และลักษณะของเครื่องหมายที่ดีควรมีลักษณะดังต่อไปนี้ คือ ราคาไม่แพง สามารถรักษารหัสข้อมูลเพียงพอกับระยะเวลาที่ทดลองได้เหมาะสมกับขนาดของสัตว์ตัวอย่าง ง่ายต่อการตรวจสอบ ไม่มีผลต่อลักษณะที่ต้องการเก็บข้อมูลและไม่ทำให้เกิดการตายเนื่องจากการติดรหัสมากเกินไป (Klar and Parker, 1986)

2.2.1 เครื่องหมายที่ใช้ในสัตว์น้ำสามารถแบ่งได้เป็น 7 ชนิด คือ

- (1) Chemical Marking เป็นการตรวจสอบหาสารเคมีที่ไม่มีอันตรายและมีการเก็บสะสมโดยธรรมชาติของสัตว์ระหว่างที่ถูกกักขัง
- (2) Genetics Identifiers เป็นการใช้เทคนิคทางชีวเคมีเข้ามาช่วยในการแยก เช่น การตรวจลายพิมพ์ DNA
- (3) Biotelemetric Tag เป็นเครื่องหมายที่ส่งสัญญาณออกมาและสามารถตรวจวัดโดยอาศัยเครื่องรับ
- (4) Natural Mark ใช้การวัดและการสังเกตจากลักษณะรูปร่างของสัตว์รวมถึงตัวเบียน (Parasite) ที่สัตว์มีอยู่
- (5) Internal Tag เป็นเครื่องหมายที่ฝังในตัวสัตว์ซึ่งสามารถอ่านเบอร์หรือรหัสได้โดยใช้เครื่องอ่าน เช่น monofilament tag, visible implant (V.I.) tag, passive integrated transponder (PIT) tag, code wire tag เป็นต้น

(6) External Mark เป็นการเปลี่ยนแปลงลักษณะบางอย่างของสัตว์เพื่อให้สามารถสังเกตได้ เช่น การใช้สีป้าย การคลิบครีบ ซึ่งมักจะใช้ในกรณีที่ระยะเวลาการศึกษาสั้นเพราะใช้งานง่ายและมีผลต่อสรีระของสัตว์น้อย

(7) External Tag เป็นเครื่องหมายที่ติดภายนอกตัวสัตว์โดยมีส่วนหนึ่งติดอยู่ในผิวหนังหรือเนื้อเยื่ออีกส่วนหนึ่งยื่นออกมาซึ่งเป็นส่วนที่มีเบอร์หรือรหัส สามารถมองเห็นได้ด้วยตาเปล่าเครื่องหมายชนิดนี้เป็นเครื่องหมายชนิดที่เก่าแก่ที่สุดและนิยมใช้กันอย่างกว้างขวาง ตัวอย่างของเครื่องหมายชนิดนี้ได้แก่ floy tag, streamer tag

2.2.2 เครื่องหมายที่ใช้ในสัตว์น้ำกลุ่มครัสเตอเรเชีย

การติดเครื่องหมายในสัตว์น้ำกลุ่มครัสเตอเรเชียสิ่งที่ต้องพิจารณาคือการลอกคราบซึ่ง Linnane and Mercer (1998) ได้เปรียบเทียบผลของ tag 5 ชนิดต่ออัตราการรอดตายและอัตราพบของ tag ในกุ้ง lobster *Homarus gammarus* ที่อายุต่าง ๆ กันโดยเก็บข้อมูลจากการลอกคราบมากกว่า 3 ครั้ง ดังตาราง

ตารางที่ 1 เปรียบเทียบความแตกต่างจากการ tag ต่อการรอดตายและอัตราพบ tag ของ กุ้ง lobsters *Homarus gammarus* ในแต่ละช่วงอายุ

| Tag system | Numbers | Mean CL±SD(mm) | %Survival | %Tag retention |
|----------------------------|---------|----------------|-----------|----------------|
| <i>1.5 month juveniles</i> | | | | |
| Microtag | 150 | 6.3±0.4 | 82 | 97 |
| Elastomer | 150 | 6.3±0.4 | 68 | 100 |
| Rostrum | 150 | 6.2±0.4 | 80 | 0 |
| Control | 150 | 6.2±0.4 | 94 | - |
| <i>7 month juveniles</i> | | | | |
| Microtag | 150 | 14.8±0.9 | 97 | 97 |
| Elastomer | 150 | 13.7±0.8 | 100 | 100 |
| Rostrum | 150 | 13.7±0.8 | 99 | 0 |
| Brand | 150 | 12.2±0.9 | 57 | 0 |
| Control | 150 | 13.6±0.9 | 98 | - |
| <i>7 month juveniles</i> | | | | |
| Streamer | 30 | 20.5±2.6 | 97 | 100 |
| Brand | 30 | 17.7±1.0 | 90 | 0 |
| Control | 30 | 14.9±1.3 | 100 | - |

การติดเครื่องหมายภายนอกลำตัวสามารถจัดทำงานราคาถูกแต่มีระยะเวลาในการตรวจวัดสั้น, ขนาดของเครื่องหมายมีขนาดตายตัวจึงเหมาะสมกับกุ้งขนาดเฉพาะที่เครื่องหมายได้รับการออกแบบมาเท่านั้น ซึ่ง Benzie *et al.* (1995) ศึกษาเกี่ยวกับเครื่องหมายติดข้างตัวต่ออัตราการรอดในกุ้งกุลาดำโดยใช้ streamer tag no.12 ขนาดส่วนกว้างเท่ากับ 2.5 มิลลิเมตร X 42.2 มิลลิเมตร X 0.016 มิลลิเมตร และส่วนเว้าขนาด 1.2 มิลลิเมตร X 12.4 มิลลิเมตร โดยใช้กุ้งขนาดความยาวเปลือกหัวไม่รวมกรี (carapace length excluding rostrum, CL) ขนาดเท่ากับ 15 มิลลิเมตร และ 18 มิลลิเมตร เลี้ยงในสองสภาพแวดล้อม คือ บ่อขนาด 0.32 เฮกเตอร์และแทงค์ขนาด 12 ตัน เป็นระยะเวลา 5-6 เดือน พบว่าในทั้งสองสภาพแวดล้อมกุ้งที่ติดเครื่องหมายที่ CL ขนาดเท่ากับ 15 มิลลิเมตร มีอัตราการตายมากกว่ากุ้งที่ติดเครื่องหมาย CL ขนาดเท่ากับ 18 มิลลิเมตร และกุ้งที่ขนาด CL เท่ากับ 18 มิลลิเมตร มีอัตราการรอดเมื่อเลี้ยงในแทงค์เท่ากันทั้งที่ติดและไม่ติดเครื่องหมาย (ประมาณ 40-50%) แต่สภาพที่เลี้ยงในบ่อกุ้งที่ติดเครื่องหมายมีอัตราการรอดเท่ากับ 50% ส่วนอัตราการรอดของกุ้งไม่ติดเครื่องหมายเท่ากับ 70% ดังนั้นการติดเครื่องหมายมีผลต่ออัตราการรอดในกุ้งขนาดเล็ก (CL=15 มิลลิเมตร) และกุ้งขนาดเล็กที่สุดที่เหมาะสมสำหรับ streamer tag no. 12 เพื่อการศึกษาในระยะยาวคือที่ความยาวเปลือกหัว 18 มิลลิเมตร

สมภพ รุ่งสุภา (2534) ได้พัฒนาและประดิษฐ์เครื่องหมายแบบติดข้างตัวกุ้งขึ้นใช้เองโดยยึดหลักของความสะดวกในการจัดทำ สามารถใช้ประโยชน์ได้ใกล้เคียงกับเครื่องหมายชนิดเดียวกันกับที่นำเข้ามาจากต่างประเทศและวัสดุในการจัดทำตลอดจนขั้นตอนในการจัดทำต้องสามารถกระทำได้ภายในประเทศโดยได้พัฒนาเครื่องหมายสองแบบและทำการทดลองในระดับห้องปฏิบัติการซึ่งเครื่องหมายทั้งสองแบบมีลักษณะดังนี้ แบบที่ 1 ลักษณะเป็นแถบยาวทำจากเชือกพลาสติกปลายด้านหนึ่งเรียบทาดด้วยน้ำยาลบคำผิด (liquid paper) สีขาวเขียนเครื่องหมายเลขหรืออักษรอีกด้านตัดเป็นรูปสามเหลี่ยมปลายแหลมใช้สำหรับสอดเข้ารูเข็มเย็บผ้า ซึ่งความยาวรวมที่ไม่รวมความยาวของเข็มประมาณ 4-5 เซนติเมตร และกว้างประมาณ 0.5 เซนติเมตร แบบที่ 2 พัฒนาขึ้นหลังจากทดลองแบบที่ 1 แล้วเพื่อแก้ไขข้อบกพร่องต่างๆที่เกิดขึ้น ลักษณะของเครื่องหมายแบบที่ 2 มีส่วนที่แตกต่างจากแบบที่ 1 คือ วัสดุที่ใช้เปลี่ยนจากเชือกพลาสติกซึ่งมีความอ่อนนุ่มมากเกินไป ทำให้รหัสที่บันทึกบนน้ำยาลบคำผิดแปลกออกไปไม่สามารถอ่านรหัสได้มาเป็นผ้าพลาสติกชนิดที่ใช้สำหรับปูโต๊ะ และจัดทำช่องเว้าตรงกลางเครื่องหมายเพื่อเป็นตัวล็อกไม่ให้เครื่องหมายหลุดออกขณะที่กุ้งว่ายน้ำ ความยาวรวมของเครื่องหมายที่ไม่รวมความยาวเข็มประมาณ 4-5 เซนติเมตร กว้างประมาณ 0.5 เซนติเมตร ซึ่งพบว่าเครื่องหมายแบบที่ 2 นี้เหมาะสมสำหรับกุ้งกุลาดำขนาดความยาวรวมตั้งแต่ 4.0 เซนติเมตร ขึ้นไป

ทรงชัย สหวัชรินทร์ และ ประชิต พงศ์สุพรรณ (2519) ได้ทำการติดเครื่องหมายชนิดติดภายนอกในกุ้งก้ามกรามโดยใช้วัสดุทำเครื่องหมายคือ แผ่นเซลลูโลยด์บาง ขนาด 0.5 เซนติเมตร X 2.0 เซนติเมตร ทาสีแดง อักษรและตัวเลขปรากฏอยู่ที่ปลายด้านหนึ่ง ส่วนปลายอีกด้านเจาะรูร้อยเอ็นขนาดเล็กเส้นผ่านศูนย์กลาง 0.2 เซนติเมตร ติดเครื่องหมายโดยใช้เข็มแทงลำตัวกุ้งแล้วทำบ่วงคล้องด้านหลัง ปล่อยกุ้งลงในทะเลสาบสงขลาพบว่าสามารถจับกลับคืนได้ทั้งหมด 13.6% และความคงทนของเครื่องหมายที่นานที่สุดคือ 186 วัน

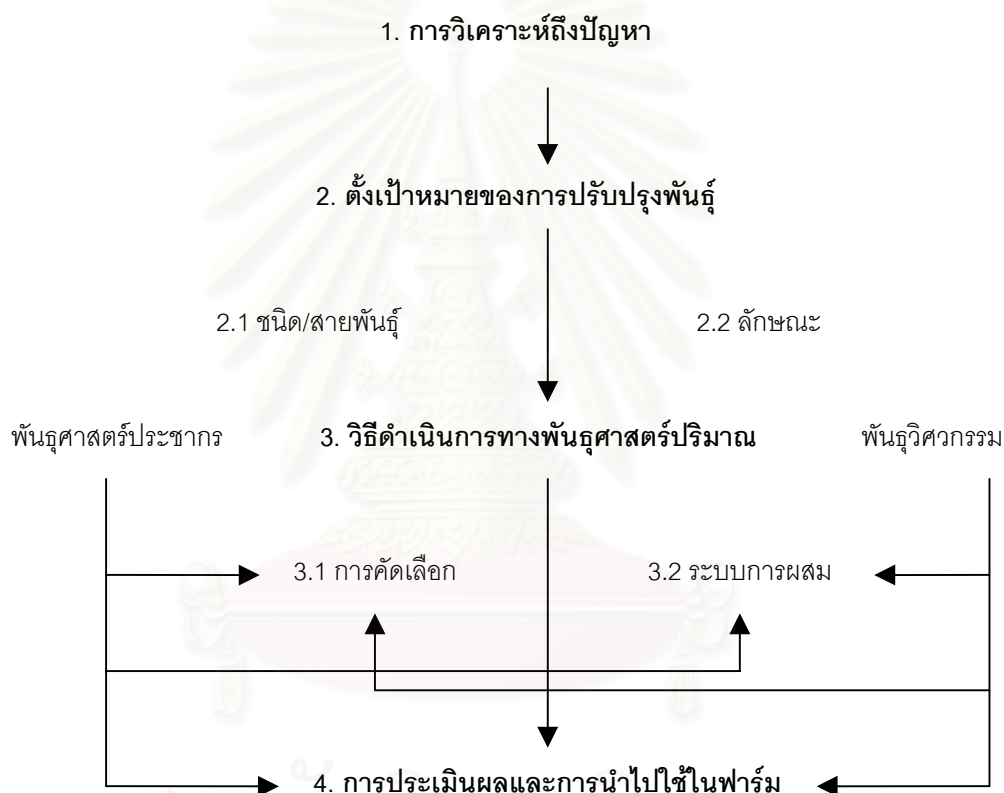
ภาวิณี พัฒนจันทร์ (2541) ได้ทำการปรับปรุงเครื่องหมายที่เป็น external tag แบ่งเป็นเครื่องหมายติดข้างตัวและชนิดติดก้านตา โดยใช้เครื่องหมายที่จัดทำขึ้นเองจำนวน 7 แบบและเครื่องหมายชนิดติดข้างตัวที่จัดซื้อจากต่างประเทศ พบว่า เครื่องหมายชนิดที่ติดข้างตัวแบบที่จัดทำขึ้นเองมีประสิทธิภาพเท่ากับแบบที่จัดซื้อจากต่างประเทศ เนื่องจากไม่มีความแตกต่างกันทางสถิติ ระหว่างอัตราพบของเครื่องหมายทั้ง 2 แบบและอัตราพบของเครื่องหมายชนิดติดข้างตัวเท่ากับ 75% ซึ่งมีค่าสูงกว่าชนิดติดก้านตา (20%) และวัสดุที่มีความคงทนที่สุดในการทดลองนี้ได้แก่ แผ่นโพลีไวนิลคลอไรด์และพลาสติกกดอักษรนูน แต่เครื่องหมายที่จัดทำขึ้นไม่สามารถเก็บรักษาเลเซอร์สไว้ได้นาน

Godin *et al.* (1996) ทดสอบ elastomer tag กับกุ้ง *P. vannamei* สองกลุ่มคือ ลูกกุ้ง (น้ำหนัก 1.63 กรัม) และกุ้งวัยรุ่น (น้ำหนัก 38.22 กรัม) ฉีด tag เข้าไปบริเวณหางซึ่งเป็นด้านท้องปล้องที่ 6 โดย tag มี 5 สี (แดง, ส้ม, น้ำเงิน, เขียว, และเหลืองอ่อน) แล้วนำไปเลี้ยงในไฟเบอร์กลาสกลางแจ้ง ตรวจพบ tag ในลูกกุ้ง 99.9% และ 100% ในกุ้งวัยรุ่น tag สีแดงสามารถสังเกตได้ง่ายที่สุด

Schmalbach *et al.* (1994) ใช้ nylon filament tag กับกุ้งก้ามกราม *Macrobrachium rosenbergii* พบว่า tag ไม่ไปรบกวนการลอกคราบและการเติบโตเมื่อทดสอบเป็นเวลา 17 เดือน ตรวจพบ tag 100% ในบ่อขนาดเล็กที่ทำการเลี้ยงหลังจากติด tag แล้ว 3 เดือนและตรวจพบ tag 78% ในบ่อขนาดใหญ่

2.3 พันธุศาสตร์กับการเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำ

ในการพัฒนาและปรับปรุงพันธุ์สัตว์น้ำจะต้องทำความเข้าใจกับธรรมชาติของการเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำและประชากรสัตว์น้ำที่เพาะเลี้ยงอยู่ว่ากำลังเผชิญอยู่กับปัญหาอะไรบ้าง เพื่อที่จะได้ใช้ปัญหาเหล่านั้นเป็นแนวทางในการปรับปรุงพันธุ์ ดังนั้นเพื่อให้การดำเนินการเป็นไปในทิศทางที่ถูกต้องและมีเป้าหมายแน่นอนและเกิดประสิทธิภาพสูงสุด จึงมีการวางแนวทางในการปฏิบัติงานปรับปรุงพันธุ์ตามแผนภูมิใน รูปที่ 8



รูปที่ 8 แผนภูมิแสดงแนวทางในการวิจัยเพื่อพัฒนาและปรับปรุงพันธุ์สัตว์น้ำโดยวิธีการทางพันธุ

ศาสตร์ปริมาณ (ที่มา : สุภัทรา อุไรวรรณ, 2543)

2.3.1. การวิเคราะห์ปัญหา

ต้องมีการจำแนกปัญหาที่เกิดขึ้นอันเกี่ยวเนื่องกับพันธุกรรมของสัตว์น้ำชนิดนั้นๆ ว่ามีปัญหานั้นและปัญหานั้นเกิดจากอะไร ทำความเข้าใจกับปัญหาเพื่อจะได้ค้นหาวิธีการแก้ปัญหาเหล่านั้นให้ถูกต้อง ซึ่งโดยทั่วไปในสัตว์น้ำที่เพาะเลี้ยงจะมักประสบกับปัญหาดังต่อไปนี้คือ

2.3.1.1 การเสื่อมโทรมของลักษณะทางเศรษฐกิจ เช่นการลดลงของการเจริญเติบโต ความต้านทานโรค ผู้เพาะเลี้ยงมีความเข้าใจว่าสาเหตุของเสื่อมโทรมของลักษณะที่สำคัญทางเศรษฐกิจนี้มาจากสาเหตุของการผสมเลือดชิด แต่จากการที่ได้มีงานวิจัยเกี่ยวกับการจัดการพ่อแม่พันธุ์ในฟาร์มเกษตรกรรมที่เลี้ยงกุ้งก้ามกราม ปลานิล และปลาไน ทำให้ได้ข้อสรุปว่า การเกิดปัญหาดังกล่าวนี้น่าจะมาจากสาเหตุขาดการจัดการพ่อแม่พันธุ์ตามหลักพันธุกรรมโดยเกิดการคัดเลือกพ่อแม่พันธุ์แบบตรงข้ามกับจุดประสงค์ (reverse selection) ดังรายงานของ (Wongsaengchan, 1985; Sirputinibondh, 1988; Doyle *et al.*, 1983) อย่างไรก็ตามในทางทฤษฎีแล้วการผสมเลือดชิดมีผลทำให้สัตว์มีการเจริญเติบโตลดลงแต่ยังไม่มีมีรายงานผลการวิจัยในประเทศไทยเกี่ยวกับผลของการผสมเลือดชิดในฟาร์มของเกษตรกร มีเพียงรายงานในปลา Rohu และปลา Catla ในฟาร์มของประเทศอินเดียโดยศึกษาผลจากการจัดการพ่อแม่พันธุ์และประมาณค่าสัมประสิทธิ์ของการผสมเลือดชิดจากการใช้จำนวนพ่อแม่พันธุ์ตามการจัดการของฟาร์มเกษตรกรทำให้มีโอกาสเกิดเลือดชิด ถึง 1-3% ต่อปี (Eknath and Doyle, 1985)

2.3.1.2 พ่อแม่พันธุ์ที่ “ตัวโต” ไม่สามารถให้ลูก “ตัวโต” ได้ เนื่องจากข้อมูลของการเก็บประวัติบรรพบุรุษของพ่อแม่พันธุ์ ตลอดจนขนาดการประมาณอัตราการถ่ายทอดทางพันธุกรรมของลักษณะที่สนใจเช่นการเจริญเติบโต ทำให้ไม่ทราบว่สัตว์น้ำที่เห็นว่าตัวโตนั้นเป็นสาเหตุมาจากพันธุกรรมหรือไม่อย่างไร หรือเป็นเพราะเกิดก่อน หรือแย่งอาหารจากตัวอื่นดีกว่า เป็นต้น

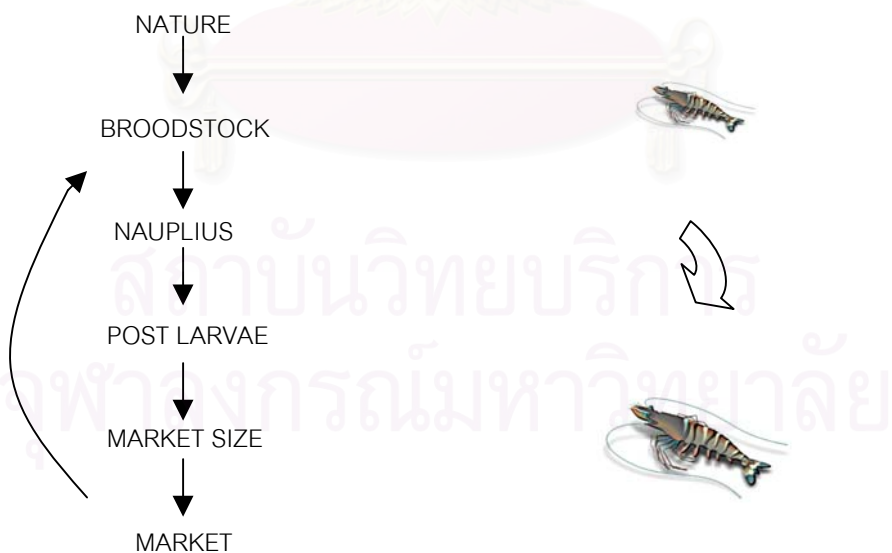
2.3.1.3.การเปรียบเทียบพ่อแม่พันธุ์ระหว่างฟาร์มทำให้ยากเมื่อต้องการเริ่มสายพันธุ์ (strain/stock) จากพ่อแม่พันธุ์ที่มีอยู่ตามฟาร์มหรือสถานีประมงต่าง ๆ นั้นมีสภาพการเลี้ยงที่แตกต่างกัน การบริหารสัตว์น้ำแตกต่างกันและไม่มีการเก็บข้อมูลในแต่ละฟาร์มอีกด้วย

2.3.1.4.การใช้พ่อแม่พันธุ์จากธรรมชาติในสัตว์น้ำบางชนิดทำให้ไม่สามารถจัดการพ่อแม่พันธุ์ในเชิงพันธุกรรมได้เช่นในกรณี กุ้งทะเลเกษตรกรยังนิยมจับพ่อแม่พันธุ์หรือรวบรวมลูกจากธรรมชาติ แล้วนำมาเลี้ยงจนขนาดตลาด จึงทำให้สัตว์น้ำนี้ไม่เป็นสายพันธุ์เพาะเลี้ยงอย่างสมบูรณ์และไม่สามารถดำเนินการปรับปรุงพันธุ์โดยวิธีคัดเลือกได้ กล่าวคือไม่สามารถกำหนดตัวที่จะเป็นพ่อแม่พันธุ์ในการผลิตลูกรุ่นต่อไปได้ หากต้องการทำการปรับปรุงให้เป็นสายพันธุ์เพาะ

เลี้ยงซึ่งง่ายต่อการบริหารให้ได้ลักษณะตามต้องการและควบคุมผลผลิตได้จะต้องทำให้สายพันธุ์ที่เลี้ยงเป็นระบบปิดหรือสายพันธุ์ที่เพาะเลี้ยงให้ได้

2.3.2 ตั้งเป้าหมายของการปรับปรุงพันธุ์

เมื่อทราบถึงปัญหาในการเพาะเลี้ยงขั้นตอนต่อไปคือ การตั้งเป้าหมาย เจาะจง ชนิด/สายพันธุ์และลักษณะที่ต้องการจะดำเนินการปรับปรุง เพื่อให้การดำเนินการมีทิศทางที่แน่นอน เนื่องจากวิธีดำเนินการปรับปรุงโดยวิธีการทางพันธุศาสตร์ปริมาณนี้ใช้ระยะเวลานานในการวิจัย อีกทั้งแต่ละวิธีดำเนินการแบบต่าง ๆ ไม่สามารถจะใช้เป็นมาตรฐานสำหรับสัตว์และลักษณะทุกชนิดได้ แต่ละวิธีการก็มีข้อจำกัดเฉพาะสำหรับ ชนิด และลักษณะแตกต่างกันไป ดังนั้นในทางปฏิบัติจะต้องตั้งชนิดและลักษณะเป้าหมายให้แน่นอนเสียก่อนการดำเนินการ เพื่อไม่ให้เกิดการสับสนระหว่างการดำเนินการวิจัย เนื่องจากจะต้องใช้ระยะเวลาในการวิจัยที่ยาวนานอาจจะทำให้ผู้วิจัยหลงประเด็นระหว่างเผชิญหน้ากับปัญหาระหว่างการดำเนินการวิจัยได้ โดยทั่ว ๆ ไป สัตว์น้ำที่เป็นเป้าหมายคือสัตว์ที่มีมูลค่าสูงทางเศรษฐกิจ เช่น ปลานิล ปลาไน ปลาตะเพียน กุ้งกุลาดำ กุ้งก้ามกราม เป็นต้น และลักษณะที่ใช้เป็นเป้าหมายหลัก คือการเจริญเติบโต การต้านทานโรค ฯลฯ ซึ่งเป้าหมายของการปรับปรุงพันธุ์ดังรูปที่ 9



รูปที่ 9 แนวทางการปรับปรุงพันธุ์กุ้งกุลาดำ (ดัดแปลงจาก; เฒติมศักดิ์ จาระยะพันธุ์และคณะ, 2543)

2.3.3 วิธีดำเนินการทางพันธุศาสตร์ปริมาณ

เมื่อทราบถึงปัญหาและมีเป้าหมายทั้งชนิดและลักษณะที่ต้องการปรับปรุงแล้ว จะต้องมีการวางแผนงานในการแก้ปัญหาที่เกิดขึ้น ตามแนวทางพันธุศาสตร์ ซึ่งจะพิจารณาเฉพาะพันธุศาสตร์ปริมาณเป็นหลักซึ่งประกอบด้วยสองวิธีการกว้าง ๆ คือ การคัดเลือก (selection) และ ระบบการผสม (mating system) ถึงแม้ว่าวิธีนี้เป็นวิธีการที่ใช้เวลานานกว่าจะทำให้บรรลุวัตถุประสงค์ได้แต่ด้วยวิธีการคัดเลือก จะทำให้เกิดการเปลี่ยนแปลงทางด้านพันธุกรรมในประชากร และประชากรที่ได้ รับการดำเนินการคัดเลือกนั้นจะมีคุณสมบัติที่ต้องการ และสามารถสืบทอดคุณสมบัติเหล่านี้สู่ประชากรรุ่นต่อ ๆ ไปได้ ประชากรรุ่นต่อไปจะมีการคัดเลือกให้ดีขึ้นกว่าประชากรเดิม แต่อย่างไรก็ตามสาขาพันธุศาสตร์อีกสองสาขาคือ พันธุศาสตร์ประชากร และพันธุวิศวกรรม ก็สามารถนำมาเป็นเครื่องมือในการปรับปรุงพันธุ์เพิ่มเติมจากสาขาพันธุศาสตร์ปริมาณ การเกี่ยวข้องของสาขาพันธุศาสตร์ทั้งสามกล่าวคือ เริ่มต้นจาก population genetics จะจำแนกสายพันธุ์สัตว์น้ำ ว่าประชากรสัตว์น้ำต่าง ๆ ที่สนใจนั้นมีกี่สายพันธุ์ และมีการเปลี่ยนแปลงทางพันธุกรรมในแต่ละสายพันธุ์เช่นไร ต่อไปขบวนการ selection และ mating system จะเป็นวิธีการคัดเลือกและปรับปรุงพันธุ์ สายพันธุ์ต่าง ๆ โดยอาศัย population genetics เป็นตัวชี้นำ เมื่อปรับปรุงพันธุ์จนได้พันธุ์แท้ที่ดีแล้วจึงส่งสายพันธุ์ที่ผ่านการปรับปรุงนั้นให้ genetic engineering ทำการปรับปรุงในลักษณะที่การปรับปรุงโดย selection และ mating system ดำเนินการไม่สะดวก (เช่นความต้านทานโรค การเปลี่ยนเพศ) หรือลักษณะใดลักษณะหนึ่งโดยเฉพาะและใช้ประชากรที่ได้จาก selection/mating system เป็นประชากรพื้นฐานสำหรับ genetic engineering ตามวิธีดังกล่าวนี้จะทำให้สัตว์น้ำที่เพาะเลี้ยงมีการพัฒนาอย่างมีประสิทธิภาพแบบยั่งยืน ซึ่งในกลุ่มคริสต์เซียที่มีความสำคัญทางเศรษฐกิจมีการศึกษาทางด้านพันธุศาสตร์น้อยกว่า 1% เมื่อเปรียบเทียบกับการศึกษาทางด้านนี้ในกลุ่มของคริสต์เซียทั้งหมด (Malecha, 1983)

2.3.3.1 หลักพันธุศาสตร์ปริมาณ

ลักษณะปรากฏต่าง ๆ เป็นผลมาจากผลรวมกันของยีน (genes) ซึ่งสามารถจำแนกได้เป็น 2 ประเภทตามจำนวนยีนที่ควบคุมคือลักษณะที่ควบคุมด้วยยีนน้อยคู่หรือเพียงคู่เดียวเรียกว่าลักษณะทางคุณภาพ (qualitative traits) ซึ่งการแสดงออกของลักษณะปรากฏขึ้นกับปฏิกริยาระหว่าง (allele) หรืออาจกล่าวได้ว่ายีนมีอิทธิพลมากต่อการแสดงออกของลักษณะปรากฏ เช่น สีผิวของสัตว์น้ำ เป็นต้น และลักษณะที่ควบคุมด้วยยีนจำนวนมากเรียกว่าลักษณะทางปริมาณ (quantitative traits) ซึ่งยีนแต่ละคู่จะมีอิทธิพลต่ำต่อการแสดงออกของลักษณะปรากฏนั้นคือมีอิทธิพลของสิ่งแวดล้อมมาส่งผลต่อลักษณะปรากฏ ลักษณะปริมาณส่วนใหญ่เป็นลักษณะเศรษฐกิจในแง่ของการผลิต เช่น การเติบโต ความต้านทานโรค ความสามารถในการอยู่รอดและความทนทาน เป็นต้น ซึ่งลักษณะทางปริมาณไม่สามารถจำแนกได้ด้วยสายตาเพียงอย่างเดียวต้องอาศัยวิธีการชั่ง-ตวง-วัด ในการบันทึกจึงเรียกว่าลักษณะเมตริก (metric traits) หรือลักษณะต่อเนื่อง (continuous traits) ลักษณะปรากฏเป็นผลที่เกิดจากการกระทำร่วมของยีนและสิ่งแวดล้อม ซึ่งความสัมพันธ์สามารถเขียนแบบหุ่นทางคณิตศาสตร์ได้เป็น

$$P = G + E \text{ (Falconer, 1989)}$$

P = ค่าลักษณะปรากฏ (phenotypic value)

G = ค่าพันธุกรรม (genotypic value)

E = ความแปรปรวนที่เกิดจากสิ่งแวดล้อม (environmental variation)

แต่ในการคำนวณลักษณะพันธุกรรมและสภาพแวดล้อมในสัตว์แต่ละตัวเป็นไปโดยยากเนื่องจากความแปรปรวนหรือความแตกต่างของลักษณะปรากฏมีค่าต่อเนื่องไม่อาจจัดเป็นพวกได้ (continuous variation) ดังนั้นการศึกษาจึงจำเป็นต้องใช้ค่าทางสถิติ คือ ค่าความแปรปรวน ในการพิจารณาค่าต่าง ๆ ของลักษณะที่ต้องการในประชากรโดยความแปรปรวนของลักษณะปรากฏ (phenotypic variation) ของประชากรแจกแจงออกได้เป็นความแปรปรวนที่เกิดขึ้นจากพันธุกรรม (genotypic variation) ความแปรปรวนที่เกิดขึ้นจากปฏิกริยาร่วมระหว่างพันธุกรรมและสภาพแวดล้อม ซึ่งเขียนเป็นสมการได้ดังนี้

$$V_p = V_G + V_E + 2cov_{G-E} \text{ (Falconer, 1989)}$$

โดยที่ V_p = ความแปรปรวนของลักษณะปรากฏ

V_G = ความแปรปรวนที่เกิดขึ้นจากพันธุกรรม

V_E = ความแปรปรวนที่เกิดขึ้นจากสภาพแวดล้อม

$2cov_{G-E}$ = ความแปรปรวนร่วมระหว่างพันธุกรรมและสภาพแวดล้อม

ซึ่งความแปรปรวนที่เกิดขึ้นจากพันธุกรรม (V_p) สามารถจำแนกออกตามผลจากอำนาจของจีน ได้เป็น ความแปรปรวนอันเกิดจากผลของจีนแต่ละอัลลีลหรือจีนบวกสะสม (additive genetic variation, V_A) ความแปรปรวนที่เกิดจากปฏิกริยาของจีนที่ตำแหน่งเดียวกันหรือจีนข่ม (dominance genetic variation, V_D) และความแปรปรวนอันเกิดจากปฏิกริยาร่วมของจีนต่างตำแหน่ง (epistatic genetic variation, V_I) ซึ่งองค์ประกอบต่าง ๆ เขียนเป็นสมการได้ดังนี้ $V_G = V_A + V_D + V_I$ ดังนั้นสมการแสดงส่วนประกอบของความแปรปรวนของลักษณะปรากฏเมื่อจำแนกความแปรปรวนทางพันธุกรรมออกแล้วจึงเขียนสมการได้เป็น $V_P = V_A + V_D + V_I + V_E + 2cov_{G-E}$ ซึ่งค่าความแปรปรวนของจีนบวกสะสมสามารถถ่ายทอดไปสู่ประชากรรุ่นต่อไปได้ เพราะในขบวนการสร้างเซลล์สืบพันธุ์ (meiosis) จีนซึ่งปรากฏอยู่เป็นคู่ในแต่ละจีโนมไทป์จะแยกออกจากกันและไปรวมกันใหม่โดยอิสระ เมื่อเกิดการปฏิสนธิและผลที่เกิดขึ้นจากความแปรปรวนของจีนบวกสะสมของจีนในอัลลีลนั้น ๆ จะแสดงออกเหมือนในพ่อหรือแม่ ถึงแม้ว่าการจับคู่ที่ปรากฏอยู่ในจีโนมไทป์ใหม่จะไม่เหมือนเดิมดังนั้นค่า V_A จึงเป็นค่าที่มีความสำคัญในการปรับปรุงพันธุ์โดยวิธีการคัดเลือก ส่วนความแปรปรวนของจีนข่มและความแปรปรวนอันเกิดจากปฏิกริยาร่วมของจีนต่างตำแหน่งนั้น มีโอกาสถ่ายทอดไปสู่ประชากรรุ่นลูกได้น้อยมาก เนื่องจากในขั้นตอนการสร้างเซลล์สืบพันธุ์ จีนมีการแยกตัวออกจากกันโดยขบวนการ meiosis ซึ่งจะลดจำนวนชุดโครโมโซมลงครึ่งหนึ่งจึงมีผลกระทบต่อค่า V_D เพราะปฏิกริยาระหว่างอัลลีลในจีโนมไทป์ใหม่จะเปลี่ยนแปลงไปเมื่อเกิดการปฏิสนธิ ดังนั้นเทคนิคการทำไฮบริดจึงนำมาใช้ในการปรับปรุงลักษณะทางปริมาณที่มีค่า V_D สูง ส่วน V_I นั้นเกิดจากปฏิกริยาร่วมของจีนต่างตำแหน่งดังนั้นจึงมีโอกาสดำเนินการถ่ายทอดไปสู่รุ่นลูกได้น้อย เช่นเดียวกับ V_D (Falconer, 1989; Tave, 1993; อุทัยรัตน์ ณ นคร, 2538) และในการประมาณค่า V_I นั้นจะต้องอาศัยการวางแผนการทดลองที่ซับซ้อน ดังนั้นนักพันธุศาสตร์ปริมาณจึงมุ่งสนใจเฉพาะค่า V_A และ V_D เท่านั้น (สุภัทรา อุไรวรรณ, 2533)

2.3.3.2 อัตราพันธุกรรม (heritability, h^2)

อัตราพันธุกรรมของลักษณะใดลักษณะหนึ่งเป็นค่าสัดส่วนของความแปรปรวนซึ่งมีผลเนื่องมาจากพันธุกรรมต่อความแปรปรวนของลักษณะปรากฏ ดังนั้นค่าอัตราพันธุกรรมจึงเป็นลักษณะเฉพาะตัวของประชากรหนึ่ง ๆ ที่จะบอกให้ทราบว่าลักษณะนั้น ๆ จะสามารถถ่ายทอดไปยังลูกหลานได้มากน้อยเท่าใด เนื่องจากประชากรที่ต่างกันจะมีองค์ประกอบทางพันธุกรรมต่างกัน ทั้งยังตกอยู่ภายใต้สภาพแวดล้อมที่ต่างกันด้วย โดยทางทฤษฎีแล้วค่าอัตราพันธุกรรมของลักษณะหนึ่ง ๆ จะมีค่าตั้งแต่ 0-1 ค่าอัตราพันธุกรรมที่ใกล้เคียง 1 แสดงว่าลักษณะนั้นมีการถ่ายทอดทางพันธุกรรมสูง สภาพแวดล้อมมีผลต่อลักษณะน้อย หากค่าอัตราพันธุกรรมมี

ค่าใกล้เคียง 0 แสดงว่าลักษณะนั้นมีการถ่ายทอดทางพันธุกรรมต่ำ ทั้งนี้เนื่องจากอิทธิพลของสภาพแวดล้อมมีผลมากและมีปฏิภยาร่วมระหว่างพันธุกรรมและสภาพแวดล้อมมาก ซึ่งมีผลให้ค่าการถ่ายทอดทางพันธุกรรมน้อย (Rice, 1970) ค่าอัตราพันธุกรรมที่มีค่าต่ำคือมีค่าน้อยกว่า 0.15 ส่วนค่าอัตราพันธุกรรมปานกลางอยู่ระหว่าง 0.15–0.3 และถ้ามีค่ามากกว่า 0.3 จัดเป็นค่าอัตราพันธุกรรมที่สูง (Tave, 1993) ในการคัดเลือกลักษณะต่าง ๆ ที่ต้องการนั้นในการปรับปรุงพันธุ์นั้นจึงมีความจำเป็นจะต้องทราบค่าอัตราพันธุกรรมของลักษณะปรากฏนั้น ๆ ก่อน ซึ่ง Falconer (1989) แบ่งค่าอัตราพันธุกรรมออกได้เป็น 2 ประเภท คืออัตราพันธุกรรมทางกว้าง (heritability in the broad sense) คิดจากสัดส่วนความแปรปรวนของเงินทั้งหมดเทียบกับความแปรปรวนของลักษณะที่ปรากฏ ($h^2 = V_G/V_G + V_E$) และอัตราพันธุกรรมทางแคบ (heritability in the narrow sense) คิดโดยแยกความแปรปรวนของพันธุกรรมออกเป็นผลเนื่องจากความแปรปรวนของเงินแบบต่าง ๆ แล้ววัดผลของความแปรปรวนของเงินแบบบวกสะสมต่อความแปรปรวนของลักษณะที่ปรากฏ ($h^2 = V_A/V_A + V_D + V_I + V_E$) ซึ่งค่าอัตราพันธุกรรมทางแคบจะมีประโยชน์มากกว่าค่าอัตราพันธุกรรมทางกว้าง เนื่องจากการคำนวณผลจากเงินที่สามารถถ่ายทอดไปสู่รุ่นลูกได้โดยตรงการคำนวณอัตราพันธุกรรมที่รวมเอาผลของความแปรปรวนจากเงินแบบอื่น ๆ เข้าไปด้วยจะทำให้ค่าอัตราพันธุกรรมที่คำนวณได้มีค่าสูงกว่าความเป็นจริง (over estimated)

การประมาณค่าอัตราพันธุกรรมมี 3 วิธีคือ การวิเคราะห์ข้อมูลระหว่างเครือญาติ (sib analysis) การวิเคราะห์รีเกรชันของลักษณะในลูกต่อลักษณะในพ่อ-แม่ (parent-offspring regression) และการวิเคราะห์จากผลการตอบสนองของการคัดเลือก (response to selection) ซึ่งรายละเอียดในส่วนของการคำนวณหาอัตราพันธุกรรมนั้นอ่านได้จาก Becker (1992)

(1) การวิเคราะห์ข้อมูลระหว่างเครือญาติ เมื่อทำการผสมพันธุ์ตามแบบแผนการผสมพันธุ์แบบต่าง ๆ แล้วจะสามารถแยกความแปรปรวนของลักษณะได้ตามสาเหตุที่ทำให้เกิดความแปรปรวน เช่น หากใช้แผนการผสมแบบร่วมพ่อโดยกำหนดให้พ่อพันธุ์แต่ละตัวผสมกับแม่พันธุ์หลายตัวโดยการเลือกพ่อ-แม่พันธุ์และการจับคู่ผสมแบบสุ่ม ดังนั้นความแปรปรวนของลักษณะปรากฏในกลุ่มของลูกที่เกิดจากพ่อ-แม่เดียวกัน (full sib families) ซึ่งมีพันธุกรรมเหมือนกันมากที่สุด ถือว่าเป็นผลจากสิ่งแวดล้อมหรือความผิดพลาด และในกลุ่มของลูกที่เกิดจากพ่อเดียวกันแต่ต่างแม่ (half sib families) จะมีพันธุกรรมเหมือนกันครึ่งหนึ่ง ความแปรปรวนของลักษณะที่เกิดขึ้นในกลุ่มจึงเป็นผลมาจากความแตกต่างของพันธุกรรมของแม่และสิ่งแวดล้อม ส่วนในกลุ่มลูกที่เกิดจากคนละพ่อจะมีพันธุกรรมแตกต่างกันโดยสิ้นเชิง ความแปรปรวนของลักษณะปรากฏที่เกิดขึ้นถือว่าเป็นผลจากพันธุกรรมของพ่อแต่ละตัวที่แตกต่างกัน และความแตกต่างระหว่างพันธุกรรม

ของแม่ร่วมกับผลจากสิ่งแวดล้อม (อุทัยรัตน์ ณ นคร, 2538) ซึ่งจากความสัมพันธ์ของครอบครัวแบบต่าง ๆ จะสามารถแยกและประมาณค่าความแปรปรวนที่มีผลเนื่องจากอำนาจของเงินแต่ละแบบได้โดยคิดในรูปของความแปรปรวนร่วมในลักษณะปรากฏระหว่างสมาชิกในครอบครัวแบบต่าง ๆ นำไปคำนวณค่าอัตราพันธุกรรมได้ดังตารางที่ 2

ตารางที่ 2 การประมาณค่าอัตราพันธุกรรม (Falconer, 1989)

| Famillies | | estimates of heritability |
|-----------|------------------|--|
| half sibs | sire-component : | $h_s^2 = 4\text{cov}_{(hf)} = 4\sigma_s^2 / \sigma_t^2$ |
| | dam-component : | $h_d^2 = 4(\text{cov}_{(fs)} - \text{cov}_{(hf)}) = 4\sigma_d^2 / \sigma_t^2$ |
| full sibs | dam+sire : | $h_{s+d}^2 = 2\text{cov}_{(fs)} = \{2(\sigma_s^2 + \sigma_d^2)\} / \sigma_t^2$ |

ซึ่งจะพบว่าความแปรปรวนในลักษณะปรากฏของครอบครัวแบบร่วมพ่อแต่ต่างแม่ ($\text{cov}_{(hf)}$) จะมีค่าเท่ากับ 1/4 ของความแปรปรวนอันเกิดจากเงินบวกสะสม ($\text{cov}_{(hf)} = 1/4V_A$) ในขณะที่ความแปรปรวนร่วมในลักษณะปรากฏของครอบครัวแบบร่วมพ่อแม่เดียวกัน ($\text{cov}_{(fs)}$) จะมีค่าเท่ากับ 1/2 ของความแปรปรวนอันเกิดจากเงินบวกสะสมรวมกับ 1/4 ของความแปรปรวนอันเกิดจากเงินข่มและบวกด้วยความแปรปรวนอันเกิดจากสิ่งแวดล้อมร่วม (V_{EC}) ซึ่งเขียนเป็นสมการได้ดังนี้ $\text{cov}_{(fs)} = 1/2V_A + 1/4V_D + V_{EC}$ (Falconer, 1989; สมชัย จันทร์สว่าง, 2530) เมื่อค่าความแปรปรวนของลักษณะปรากฏ (V_P) ซึ่งมีค่าเท่ากับผลรวมของความแปรปรวนอันเกิดจากเงินบวกสะสม (V_A) เงินข่ม (V_D) และสิ่งแวดล้อม (V_E) เกิดจากความแปรปรวนเนื่องจากพ่อ (σ_s^2) รวมกับความแปรปรวนเนื่องจากแม่ (σ_d^2) และความแปรปรวนของลูกภายในครอบครัว (σ_w^2) ดังนั้น $V_A + V_D + V_{EC} + V_{EW} = \sigma_s^2 + \sigma_d^2 + \sigma_w^2$ และพบว่าค่า σ_s^2 คือความแปรปรวนระหว่างค่าเฉลี่ยของครอบครัวแบบร่วมพ่อแต่ต่างแม่ ดังนั้นจึงเท่ากับ $\text{cov}_{(hf)}$ และเนื่องจากค่าความแปรปรวนของพ่อและแม่รวมกัน ($\sigma_s^2 + \sigma_d^2$) มีค่าเท่ากับ $\text{cov}_{(fs)}$ ดังนั้น σ_w^2 จึงเท่ากับความแปรปรวนของลักษณะปรากฏลบด้วยความแปรปรวนร่วมในลักษณะปรากฏของครอบครัวแบบร่วมพ่อแม่ ($V_P - \text{cov}_{(fs)}$) และมีค่า σ_d^2 เท่ากับ ค่าความแปรปรวนของลักษณะปรากฏลบด้วยความแปรปรวนเนื่องจากพ่อและความแปรปรวนของลูกภายในครอบครัว ($\sigma_t^2 - \sigma_s^2 - \sigma_w^2$) จึงมีค่าเท่ากับ $\text{cov}_{(fs)} - \text{cov}_{(hf)}$ ซึ่งจากความสัมพันธ์ดังกล่าวความแปรปรวนแต่ละค่าจึงประกอบด้วยองค์ประกอบของความแปรปรวนทางพันธุกรรมดังตารางที่ 3 (Falconer, 1989) และเนื่องจากค่าสัมประสิทธิ์ของ V_A ในการ

ประมาณค่าอัตราพันธุกรรมมีค่าเป็น 1 ดังนั้นในการคำนวณค่าอัตราพันธุกรรมเมื่อคิดจากความแปรปรวนของพ่อ (h^2_s) และความแปรปรวนเนื่องจากแม่ (h^2_d) จึงเท่ากับ $4\text{cov}_{(hf)}$ และ $4[\text{cov}_{(fs)} - \text{cov}_{(hf)}]$ และค่าอัตราพันธุกรรมเนื่องจากความแปรปรวนของพ่อและแม่รวมกัน (h^2_{s+d}) จึงเท่ากับ $2\text{cov}_{(fs)}$ (Becker, 1992)

ตารางที่ 3 องค์ประกอบของความแปรปรวนทางพันธุกรรมในการวิเคราะห์แบบเครือญาติ (Falconer, 1989)

| Observational component | Covariance and causal components estimated | |
|--|--|----------------------------------|
| Sires : พ่อ | $\sigma_S^2 = \text{cov}_{(hf)}$ | $= (1/4)V_A$ |
| Dams : แม่ | $\sigma_D^2 = \text{cov}_{(fs)} - \text{cov}_{(hf)}$ | $= (1/4)V_A$ |
| Progenies : รุ่นลูก | $\sigma_W^2 = V_P - \text{cov}_{(fs)}$ | $= (1/2)V_A + (3/4)V_D + V_{EC}$ |
| Total : $\sigma_T^2 = \sigma_S^2 + \sigma_D^2 + \sigma_W^2 = \sigma_P^2 = V_P$ | | $= V_A + V_D + V_{EC} + V_{EW}$ |
| Sires + Dams : | $\sigma_S^2 + \sigma_D^2 = \text{cov}_{(fs)}$ | $= (1/2)V_A + (1/4)V_D + V_{EC}$ |

(2) การวิเคราะห์รีเกรซชันของลักษณะในลูกต่อลักษณะในพ่อ-แม่ เป็นการวิเคราะห์เพื่อประมาณค่าอัตราพันธุกรรมโดยการบันทึกลักษณะจากพ่อแม่และลูก แล้วนำค่าเฉลี่ยที่ได้มาคำนวณสมการเส้นตรงโดยกำหนดให้ข้อมูลค่าเฉลี่ยของพ่อแม่เป็นตัวแปรอิสระ (independent variable, X) และข้อมูลของลูกเป็นตัวแปรตาม (dependent variable, Y) ตามสมการ $Y=a+bX$ ค่าอัตราพันธุกรรมจะเท่ากับ b แต่ในกรณีที่ใช้ข้อมูลจากพ่อหรือแม่อย่างเดียวค่าอัตราพันธุกรรมเท่ากับ $2b$ ซึ่งการศึกษาโดยวิธีนี้มีข้อจำกัดคือ ต้องเลี้ยงพ่อแม่และลูกจำนวนมากในสภาพทดลองที่เหมือนกันมากที่สุดและเวลาที่ใช้วัดลักษณะรุ่นลูกต้องเป็นช่วงเวลาเดียวกับที่ใช้ในรุ่นพ่อแม่

จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

(3) การวิเคราะห์จากผลตอบสนองของการคัดเลือกเป็นการวิเคราะห์เพื่อประมาณค่าอัตราพันธุกรรมโดยใช้ผลตอบสนองของการคัดพันธุ์ (selection response, R) และความแตกต่างจากการคัดพันธุ์ (selection differential, S) เป็นค่าหลักในการคำนวณ ซึ่งอัตราพันธุกรรมจะเกิดจากอัตราส่วนของ R:S ตามสูตรดังนี้ $h^2 = R/S$ ดังนั้นในขบวนการคัดพันธุ์สามารถศึกษาค่าตอบสนองต่อการคัดพันธุ์ได้โดยการเพาะเลี้ยงประชากรที่ไม่ได้ผ่านการคัดเลือกและประชากรที่พ่อแม่พันธุ์ผ่านการคัดเลือก เปรียบเทียบประชากรทั้งสองกลุ่มซึ่งความแตกต่างของค่าเฉลี่ยของทั้งสองประชากรคือ ค่า R ส่วนค่า S คำนวณได้โดยนำค่าเฉลี่ยของประชากรรุ่นที่คัดเลือกไว้หักลบกับค่าเฉลี่ยของประชากรก่อนการคัดเลือก ซึ่งอัตราพันธุกรรมที่คำนวณได้โดยวิธีนี้เรียกว่า อัตราพันธุกรรมประจักษ์ (realized heritability, h^2_R) การคำนวณโดยวิธีนี้สามารถดำเนินควบคู่ไปกับโปรแกรมการคัดพันธุ์ แต่ค่าที่ได้อาจไม่ใช่ค่าที่ถูกต้องของประชากรพื้นฐานในการคัดพันธุ์ เพราะในระหว่างดำเนินการอาจเกิดการผสมเลือดชิดหรือเกิดการเปลี่ยนแปลงของสิ่งแวดล้อม

จากการศึกษาในสัตว์น้ำชนิดต่าง ๆ พบจะสรุปแนวทางได้ว่า ลักษณะที่เกี่ยวข้องกับการสืบพันธุ์ เช่น จำนวนไข่ อายุเมื่อถึงวัยเจริญพันธุ์ ฯลฯ มีอัตราพันธุกรรมต่ำ เช่นเดียวกับที่ในสัตว์บกอื่น ๆ ลักษณะที่เกี่ยวข้องกับการผลิต เช่น น้ำหนักตัว ความยาว อัตราแลกเนื้อ ฯลฯ มีค่าอัตราพันธุกรรมปานกลาง ลักษณะทางคุณภาพเช่น จำนวนก้านครีบ มีค่าอัตราพันธุกรรมค่อนข้างสูง (Tave, 1993) ซึ่งค่าอัตราพันธุกรรมของกุ้งแสดงในตารางที่ 4

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 4 ค่าอัตราพันธุกรรมของกุ้ง

| ชนิดกุ้ง | ลักษณะ | อัตราพันธุกรรม | เอกสารอ้างอิง |
|---|-------------------------------|-------------------------------|---------------------------------|
| กุ้งกุลาดำ (<i>P. monodon</i>) | ความยาวเมื่ออายุ 6 สัปดาห์ | $h^2_D = 0.59 \pm 0.3$ | (Benzie <i>et al.</i> , 1997) |
| | ความยาวเมื่ออายุ 10 สัปดาห์ | $h^2_D = 0.3 \pm 0.11$ | (Benzie <i>et al.</i> , 1997) |
| | น้ำหนักเมื่ออายุ 6 สัปดาห์ | $h^2_D = 0.56 \pm 0.03$ | (Benzie <i>et al.</i> , 1997) |
| | น้ำหนักเมื่ออายุ 10 สัปดาห์ | $h^2_D = 0.39 \pm 0.04$ | (Benzie <i>et al.</i> , 1997) |
| | ความยาวเมื่ออายุ 25 วัน | $h^2_{S+D} = 0.154 \pm 0.057$ | (ภาวิณี พัฒนจันทร์, 2541) |
| | ความยาวเมื่ออายุ 65 วัน | $h^2_{S+D} = 0.010 \pm 0.014$ | (ภาวิณี พัฒนจันทร์, 2541) |
| | น้ำหนักเมื่ออายุ 65 วัน | $h^2_{S+D} = -0.016 \pm 0.04$ | (ภาวิณี พัฒนจันทร์, 2541) |
| กุ้งก้ามกราม (<i>Marcrobrachium rosenbergii</i>) | น้ำหนักเมื่ออายุ 199 วัน | | (Malecha <i>et al.</i> , 1984) |
| | เพศผู้ | $h^2_S = -0.0236 \pm 0.11$ | |
| | เพศเมีย | $h^2_S = 0.34 \pm 0.239$ | |
| | น้ำหนักเมื่ออายุ 311 วัน | | (Malecha <i>et. al</i> , 1984) |
| | เพศผู้ | $h^2_S = -0.143 \pm 0.25$ | |
| | เพศเมีย | $h^2_S = 0.348 \pm 0.297$ | |
| | น้ำหนักเมื่ออายุ 161 วัน | $h^2_D = 0.20 \pm 0.14$ | (Meewan, 1993) |
| | | $h^2_S = 0.15 \pm 0.09$ | |
| | ความยาวเมื่ออายุ 150 วัน | | (สุภัทรา อุไรวรรณ และคณะ, 2543) |
| | เพศผู้ | $h^2_{S+D} = 0.32 \pm 0.016$ | |
| | เพศเมีย | $h^2_{S+D} = 0.06 \pm 0.054$ | |
| | น้ำหนักเมื่ออายุ 150 วัน | | (สุภัทรา อุไรวรรณ และคณะ, 2543) |
| | เพศผู้ | $h^2_{S+D} = 0.122 \pm 0.074$ | |
| เพศเมีย | $h^2_{S+D} = 0.122 \pm 0.074$ | | |
| เพศเมีย | $h^2_{S+D} = 0.06 \pm 0.041$ | | |

h^2 = อัตราพันธุกรรมที่ประมาณจากการคัดเลือก (selection)

h^2_S = อัตราพันธุกรรมที่ประมาณจากความแปรปรวนระหว่างพ่อพันธุ์

h^2_D = อัตราพันธุกรรมที่ประมาณจากความแปรปรวนระหว่างแม่พันธุ์

h^2_{S+D} = อัตราพันธุกรรมที่ประมาณจากความแปรปรวนระหว่างพ่อและแม่พันธุ์

2.3.3.3 สหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อม และทางลักษณะปรากฏ (genetic, environmental and phenotypic correlations ; r_G , r_E และ r_p)

Tave (1993).ให้ความหมายของสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรมหมายถึงความสัมพันธ์ร่วมในทางพันธุกรรมระหว่างลักษณะสองลักษณะอาจเกิดจากสาเหตุดังต่อไปนี้

(1) การที่จีนตำแหน่งหนึ่งมีผลในการควบคุมลักษณะมากกว่าหนึ่งลักษณะ (pleiotrophy) ซึ่งถ้ากลุ่มของจีนที่ควบคุมลักษณะดังกล่าวมีตำแหน่งอยู่บนโครโมโซมเดียวกัน (linkage) จะถ่ายทอดไปด้วยกันและจะแยกจากกันก็ต่อเมื่อ เกิดการแลกเปลี่ยนชิ้นส่วนของโครโมโซม (crossing over) เท่านั้น

(2) เกิดจากการคัดเลือกพันธุ์กล่าวคือการคัดเลือกโดยเน้นแต่ในลักษณะหนึ่งอาจมีผลทำให้ลักษณะหนึ่งดีด้วยหรือแบบสนับสนุนซึ่งกันและกัน (synergistic effect) บางครั้งอาจเป็นแบบตรงกันข้าม (antagonistic effect) นั่นคือการคัดเลือกเพื่อปรับปรุงลักษณะหนึ่งจะมีผลทำให้ลักษณะหนึ่งเลวลง

(3) เกิดการคัดเลือกตามธรรมชาติ (natural selection) โดยความสัมพันธ์กันระหว่างลักษณะทางคุณภาพและความอยู่รอดจะเป็นตัวกำหนดสัดส่วนของจีนในสภาพตามธรรมชาติ

ในการประมาณค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรมมีวิธีการประเมินคล้ายกับการประมาณค่าอัตราพันธุกรรม แต่ต่างกันตรงที่การประเมินค่าสหสัมพันธ์เป็นการวิเคราะห์วาเรียนซ์และโควาเรียนซ์ของ 2 ลักษณะพร้อมกัน (ลักษณะ X และ ลักษณะ Y เป็นลักษณะที่ต้องการศึกษา) ซึ่งค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรมมีค่าตั้งแต่ +1 ถึง -1 ถ้าลักษณะสองลักษณะมีค่าสหสัมพันธ์เป็นค่าบวกหมายถึงเมื่อลักษณะหนึ่งมีการเปลี่ยนแปลงในทางเพิ่มขึ้นอีกลักษณะหนึ่งก็จะเพิ่มตามไปด้วย ซึ่งจะมากน้อยเพียงใดก็ขึ้นอยู่กับค่าสหสัมพันธ์ ถ้าค่าสหสัมพันธ์เป็นลบหมายถึงเมื่อลักษณะหนึ่งมีการเปลี่ยนแปลงในทางเพิ่มขึ้นแต่อีกลักษณะหนึ่งจะมีการเปลี่ยนแปลงในทิศทางตรงกันข้ามการประมาณค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรมด้วยวิธี sib analysis สามารถคำนวณได้จากส่วนประกอบของวาเรียนซ์และโควาเรียนซ์ของพ่อพันธุ์ จากส่วนประกอบของวาเรียนซ์และโควาเรียนซ์ของแม่พันธุ์และคำนวณจากผลรวมของส่วนประกอบวาเรียนซ์และโควาเรียนซ์ของพ่อพันธุ์และแม่พันธุ์ ในทำนองเดียวกันสามารถคำนวณค่าสหสัมพันธ์ทางสภาพแวดล้อมจากผลรวมของส่วนประกอบวาเรียนซ์และโควาเรียนซ์ของพ่อพันธุ์ จากผลรวมของส่วนประกอบวาเรียนซ์ของพ่อพันธุ์ (รายละเอียดเพิ่มเติมใน Becker, 1992) ซึ่งค่าสหสัมพันธ์ทางลักษณะปรากฏระหว่างลักษณะ X และลักษณะ Y มีความสัมพันธ์ดังสมการ

$$r_p = \frac{\text{COV}_W + \text{COV}_S + \text{COV}_D}{\sqrt{\sigma_{W(X)}^2 + \sigma_{S(X)}^2 + \sigma_{D(X)}^2} \sqrt{\sigma_{W(Y)}^2 + \sigma_{S(Y)}^2 + \sigma_{D(Y)}^2}}$$

ลักษณะที่ปรากฏนอกจากขึ้นอยู่กับพันธุกรรมของสัตว์น้ำแล้วสภาพแวดล้อมก็มีอิทธิพลต่อลักษณะที่ปรากฏด้วย (genotype-environment interaction) ซึ่งในสภาพแวดล้อมต่าง ๆ สามารถพบได้ในการเลี้ยงสัตว์น้ำ เช่น บ่อดิน บ่อซีเมนต์ กระชังหรือฟาร์มต่าง ๆ ชนิดของ genotype ต่าง ๆ หรือสายพันธุ์ต่าง ๆ ถูกนำไปเลี้ยงในสภาพแวดล้อมเหล่านั้นและการแสดงออกของ genotype หรือสายพันธุ์หนึ่ง ๆ ในสภาพแวดล้อมเหล่านั้นให้ผลที่แตกต่างกัน เช่น สายพันธุ์ปลาที่นำไปเลี้ยงแล้วได้ผลดีในสภาพแวดล้อมแบบหนึ่ง อาจแสดงผลตรงข้ามในสภาพแวดล้อมอีกแบบหนึ่ง ปรากฏการณ์ที่เกิดขึ้นเช่นนี้เรียกว่า ปฏิสัมพันธ์ระหว่างสายพันธุ์/ลักษณะพันธุกรรม กับสภาพแวดล้อม (genotype-environment interactions) ซึ่งมีความสำคัญมากในการเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำเนื่องจากสัตว์น้ำเป็นสัตว์เลือดเย็น สิ่งแวดล้อมมีอิทธิพลต่อการดำรงชีพโดยเฉพาะการแสดงออกของการเจริญเติบโตและการสืบพันธุ์เป็นอย่างมาก (Brett, 1979) ดังนั้นในการผลิตหรือพัฒนาสายพันธุ์ใหม่ในสภาพแวดล้อมหนึ่งแล้วได้ผลดีควรที่จะมีการตรวจคุณสมบัติของสายพันธุ์นั้นในสภาพแวดล้อมอื่น ๆ โดยเฉพาะอย่างยิ่งสภาพแวดล้อมที่สายพันธุ์นั้น ๆ จะถูกนำไปเพาะเลี้ยงอีกด้วย เพื่อเป็นการใช้สายพันธุ์ที่ได้รับการปรับปรุงแล้วอย่างมีประสิทธิภาพที่สุด. Falconer (1989) กล่าวถึงการปรับปรุงสายพันธุ์สัตว์ที่เกี่ยวข้องกับสภาพแวดล้อมว่า การผลิตสายพันธุ์ที่ปรับปรุงแล้ว หากสามารถนำไปใช้ในสภาพแวดล้อมต่าง ๆ ก็จะได้ถือว่าเป็นสายพันธุ์ทั่วไป (generalized ability) และหากใช้ได้เฉพาะในสภาพแวดล้อมที่คล้ายคลึงกับสภาพแวดล้อมที่สายพันธุ์ได้ผ่านการพัฒนามาถือว่าเป็นสายพันธุ์เฉพาะถิ่น (specific ability) ปรากฏการณ์ของการเกิดปฏิสัมพันธ์ระหว่างสายพันธุ์และสภาพแวดล้อมนี้เป็นสาเหตุให้นักปรับปรุงพันธุ์ต้องดำเนินการพัฒนาสายพันธุ์ไปในแนวทางหาคุณสมบัติเฉพาะถิ่นนั่นเอง ดังนั้นในการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมในการเติบโตของสัตว์น้ำนั้น ก็ควรที่จะประมาณค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ค่าสหสัมพันธ์ทางสภาพแวดล้อมและค่าสหสัมพันธ์ทางลักษณะปรากฏด้วย เนื่องจากค่าต่าง ๆ เหล่านี้ช่วยอธิบายผลของการคัดเลือกพันธุ์รวมถึงแนวโน้มว่าจะมีผลกระทบหรือเกิดการเปลี่ยนแปลงของการคัดเลือกพันธุ์ต่อไป

2.4 การประเมินผลและการนำไปใช้ในฟาร์ม

การประเมินผลงานวิจัย (evaluation) และ การนำงานวิจัยที่ปรับปรุงพันธุ์มาใช้ในสภาพการเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำของเกษตรกรจริง (implementation) ซึ่งการทดสอบและประเมินผลงานวิจัยทางพันธุกรรมในสภาพแวดล้อมจริงระดับฟาร์ม มีความจำเป็นอย่างยิ่ง เนื่องจากลักษณะที่ต้องการปรับปรุงส่วนใหญ่ได้รับอิทธิพลจากสภาพแวดล้อมค่อนข้างมาก และนอกจากนี้การประเมินผลในด้าน เศรษฐกิจและสังคมต่อสายพันธุ์สัตว์ที่ปรับปรุงแล้ว หรือ สายพันธุ์แนะนำ จะนำไปสู่การพัฒนาสายพันธุ์สัตว์น้ำที่เพาะเลี้ยงแบบยั่งยืน เช่น ในกรณีของการผลิตสายพันธุ์แนะนำ ปลาชนิดและปลาตะเพียน เป็นต้น



สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

บทที่ 3

อุปกรณ์และวิธีการศึกษา

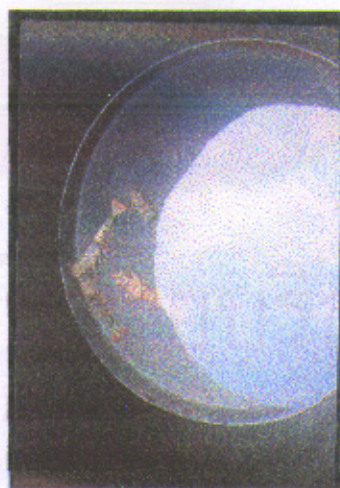
3.1 การพัฒนาเครื่องหมายติดภายในตัวกึ่งกลาดำ

เครื่องหมายติดตัวกึ่งกลาดำในงานวิจัยนี้ทำจากสายเคเบิลโทรศัพท์ซึ่งเป็นวัสดุเหลือใช้มีลักษณะเป็นสายไฟพลาสติกหุ้มลวดทองแดงขนาดเล็กมีหลายสี (สีที่นำมาใช้ คือ แดง, ส้ม, เหลือง, เขียว, น้ำเงิน, ม่วง) นำลวดทองแดงที่อยู่ในสายไฟออกให้เหลือแต่พลาสติก เส้นผ่านศูนย์กลาง 0.5 มิลลิเมตร จากนั้นนำมาตัดเป็นชิ้น ๆ ยาวประมาณ 3 มิลลิเมตร (รูปที่ 10) การติดเครื่องหมายลงไปในตัวกึ่งจะใช้เข็มฉีดยาขนาดของรูเข็มเบอร์ 19 นำมาดัดแปลงให้ด้านในมีก้านส่งเพื่อดัน tag (สายไฟที่ตัดเป็นชิ้น) ออกจากรูเข็ม โดยจะฉีด tag เข้าไปที่ด้านท้องบริเวณขว่าย่น้ำคู้ที่ 5 ตรงกล้ามเนื้อระหว่างเส้นประสาท (รูปที่ 11)

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



รูปที่ 10 เครื่องหมายที่ติดตัวกุ้งกุลาดำ



รูปที่ 11 กุ้งกุลาดำที่นำมาติดเครื่องหมาย

การทดสอบเครื่องหมายจะทำไปพร้อมกับการเลี้ยงกุ้งเพื่อประมาณค่าอัตราพันธุกรรม โดยใช้กุ้งที่มีขนาดตัวเหมาะสมที่จะทำการทดสอบได้ซึ่งแบ่งการทดลองออกเป็น 2 ช่วง คือ

3.1.1 การทดสอบเครื่องหมายกับขนาดที่เหมาะสมของกุ้งกุลาดำ

กุ้งที่ใช้ทดสอบเป็นกุ้งชุดที่ 1 (ข้อ 3.2.3.1) สุ่มกุ้งอายุ 140 วัน มา 2 กลุ่ม ๆ ละ 20 ตัว ที่มีความยาวเฉลี่ย 5.53 เซนติเมตร (ขนาดเล็ก) และ 9.02 เซนติเมตร (ขนาดใหญ่) นำมาติดเครื่องหมายแล้วนำไปเลี้ยงในบ่อซีเมนต์ปริมาตร 1.5 ลูกบาศก์เมตร เป็นเวลา 60 วัน บันทึกอัตราการตายและอัตราการพบเครื่องหมาย

$$\text{อัตราการรอดตาย (เปอร์เซ็นต์)} = \frac{\text{จำนวนกุ้งที่เหลือ} \times 100}{\text{จำนวนกุ้งเริ่มต้น}}$$

เปรียบเทียบค่าเฉลี่ยอัตราการรอดตายหว่างกลุ่มดั่งแบบหุ่นจำลองทางคณิตศาสตร์ต่อไป

$$Y_{ijk} = \mu + \alpha_i + \epsilon_{ij} \quad (\text{ดัดแปลงจาก Sokal and Rohlf, 1981})$$

Y_{ij} = ค่าอัตราการรอดตายที่แปลงเป็น arcsine ของกุ้งบ่อที่ j ในกลุ่มที่ i

μ = ค่าเฉลี่ยของค่าสังเกตทั้งหมด

α_i = อิทธิพลที่เกิดจากการติดเครื่องหมาย/ขนาดของกุ้ง

ϵ_{ij} = อิทธิพลสุ่มที่ค่าสังเกตทุกค่าได้รับ

เปรียบเทียบค่าเฉลี่ยโดยใช้ Student's t-test แบบทางเดียววิเคราะห์ด้วยโปรแกรม SYSTAT version 5.0 (Wilkinson, 1987)

3.1.2 การทดสอบผลของเครื่องหมายต่อกุ้งกุลาดำ

กุ้งที่ใช้ทดสอบเป็นกุ้งชุดที่ 2 (ข้อ 3.2.3.2) สุ่มกุ้งอายุ 145 วัน มา 360 ตัว ความยาวเฉลี่ย 10.41 เซนติเมตร แบ่งเป็นสองกลุ่ม ๆ ละ 180 ตัว โดยนำมาติดเครื่องหมายและอีกกลุ่มไม่ติดเครื่องหมายและนำไปเลี้ยงในบ่อซีเมนต์ขนาด 24 ลูกบาศก์เมตร บ่อละ 60 ตัว เป็นเวลา 60 วัน บันทึกข้อมูลการเติบโตและอัตราการตาย เปรียบเทียบค่าเฉลี่ยโดยใช้ Student's t-test แบบทางเดียววิเคราะห์ด้วยโปรแกรม SYSTAT version 5.0 (Wilkinson, 1987)

3.2 การประมาณค่าอัตราพันธุกรรม

กึ่งกุลาดำที่ใช้ในการทดลองพ่อแม่พันธุ์ที่นำเข้ามาจาก 2 แหล่งแบ่งออกเป็น 3 ชุด โดยชุดที่หนึ่งเป็นพ่อแม่พันธุ์มาจากทางอ่าวไทยด้านฝั่งตะวันออก (ตราด) และชุดที่สองและสาม เป็นพ่อแม่พันธุ์จากประชากรฝั่งทะเลอันดามัน (สตูล-ตรัง) (รูปที่ 12) พ่อแม่พันธุ์ดังกล่าวจับโดยอวนลากจากนั้นลำเลียงเข้ามาในโรงเพาะฟักของเอกชน (ไพบูลย์ฟาร์ม)



รูปที่ 12 แหล่งที่มาของพ่อแม่พันธุ์กึ่งที่ใช้ในการทดลอง

3.2.1 การเพาะพันธุ์

พ่อแม่จะถูกเลี้ยงแยกไว้ต่างหากในบ่อซีเมนต์ขนาดความจุ 50 ลูกบาศก์เมตร โดยมีน้ำทะเลที่สะอาดโดยการฆ่าเชื้อโดยการใช้คลอรีนที่ความเค็ม 30 ส่วนในพันส่วน และอุณหภูมิ 28-30 องศาเซลเซียส ตรวจสอบการพัฒนาของรังไข่โดยการลดระดับน้ำในบ่อเลี้ยงแม่พันธุ์ให้เหลือประมาณ 10-20 เซนติเมตร ใช้ไฟฉายส่องใต้ท้องแม่พันธุ์ หากแม่พันธุ์ตัวใดมีการพัฒนาของรังไข่ในระยะที่ 3-4 จึงทำการแยกแม่พันธุ์มาใส่ถังพลาสติกทรงกลมสีดำขนาด 500 ลิตร ซึ่งบรรจุน้ำทะเลที่ผ่านการฆ่าเชื้อและการกรอง มีความเค็มอยู่ในช่วง 28-30 ส่วนในพันส่วน และให้อากาศเบา ๆ การวางไข่ของแม่พันธุ์จะเกิดในเวลากลางคืนสังเกตได้จากการที่แม่พันธุ์จะว่ายวนไปรอบ ๆ ถังและลักษณะลำตัวอืดโดยเฉพาะส่วนหาง ไข่จะถูกปล่อยออกมาเพื่อผสมกับน้ำอสุจิซึ่งถูกปล่อยออกจากถุงอสุจิที่เก็บอยู่ใน thelycum ของแม่พันธุ์ เมื่อแม่พันธุ์วางไข่เสร็จจะหยุดว่ายน้ำ ในตอนเช้าถ้าแม่พันธุ์วางไข่จะสังเกตเห็นไข่ลอยอยู่ในน้ำและคราบไขมันติดบริเวณขอบถัง เช็ดทำความสะอาดขอบถังและนำแม่พันธุ์ออกจากถังวางไข่ให้อากาศเบา ๆ และกวนไข่ให้ฟุ้งกระจายเพื่อป้องกันไม่ให้ไข่แตกและจมอยู่กันถึงนานเกินไปจนไข่เน่าเสียไข่ที่ได้รับการผสมจะฟักเป็นตัวภายใน 12 ชั่วโมง ทำการเพาะพันธุ์ลูกกุ้งกุลาดำจำนวน 3 ชุด โดยชุดที่ 1 ผลิตลูกกุ้งจำนวน 40 ครอบครัวชุดที่ 2 จำนวน 37 ครอบครัวและชุดที่ 3 จำนวน 14 ครอบครัว แต่เนื่องจากจำนวนแม่พันธุ์ที่วางไข่ในแต่ละวันแตกต่างกัน ดังนั้นจึงต้องใช้ระยะเวลาในการรวบรวมลูกกุ้งให้ได้ตามจำนวนที่กำหนดในแต่ละชุด การผลิตลูกกุ้งกุลาดำในแต่ละชุดจึงแบ่งตามระยะเวลาที่วางไข่ของแม่พันธุ์ โดยการผลิตลูกกุ้งชุดที่ 1 และ 2 แบ่งตามระยะการวางไข่ออกเป็นส่วน ๆ และชุดที่ 3 เป็นลูกกุ้งที่เกิดจากการวางไข่ในวันเดียวกัน ดังตารางที่ 5 และรูปที่ 13 เมื่อไข่ฟักเป็นตัวอ่อนจึงย้ายมาอนุบาลในถังพลาสติกสีดำทรงกลมขนาด 500 ลิตร

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 5 จำนวนครอบครัวการผลิตลูกกึ่งกุลาดำและเวลาที่เพาะได้ชุดที่ 1 ตราด ชุดที่ 2 และ 3 สตุล-ตรัง

| ชุดที่ | ส่วนที่ | วัน-เดือน-ปี ที่ผลิต | จำนวน ครอบครัว | จำนวนรวม (ในแต่ละชุด) |
|--------|---------|-------------------------|-------------------|--------------------------|
| 1 | 1 | 3 พ.ค. 2541 | 10 | 40 |
| | 2 | 4 พ.ค. 2541 | 15 | |
| | 3 | 5 พ.ค. 2541 | 15 | |
| 2 | 1 | 16 มค. 2542 | 10 | 37 |
| | 2 | 17 มค. 2542 | 6 | |
| | 3 | 18 มค. 2542 | 5 | |
| | 4 | 20 มค. 2542 | 2 | |
| | 5 | 21 มค. 2542 | 1 | |
| | 6 | 22 มค. 2542 | 2 | |
| | 7 | 23 มค. 2542 | 1 | |
| 3 | 1 | 26 ม.ค.2543 | 14 | 14 |



รูปที่ 13 แผนผังการผลิตลูกกึ่งกุลาดำโดยใช้การผสมแบบคู่ผสมเดียว

3.2.2 การอนุบาลลูกกุ้งกุลาดำ

เมื่อไข่ฟักเป็นตัวแล้วทำการรวบรวมลูกกุ้งในระยะนอเพ็ลีสจากถังเพาะฟักทำได้ โดยการดับอากาศและใช้ไฟล่อให้ลูกกุ้งมารวมกันเป็นกลุ่ม จากนั้นใช้สวิงตักลูกกุ้งใส่ในภาชนะที่เตรียมไว้และทำการสูมน้ำจำนวนลูกกุ้งเพื่อนำไปปล่อยเลี้ยงในถังอนุบาลซึ่งเป็นถังแบบเดียวกับถังเพาะฟัก โดยถังจะบรรจุน้ำทะเลที่ผ่านการฆ่าเชื้อและการกรองแล้วปริมาตร 250 ลิตร โดยใช้ อัตราปล่อย 15,000 ตัวต่อถังต่อครอบครัว (รูปที่ 14) และแก้ปัญหาโดยมีการสูบลูกกุ้งแต่ละครอบครัวลงในแต่ละปล่อยเลี้ยงประกอบกับทุกครั้งที่มีการเปลี่ยนน้ำทะเลที่ใช้เลี้ยงจะมีการย้ายสลับลูกกุ้งแต่ละครอบครัวอยู่ด้วยเพื่อเป็นการกระจายความผิดพลาดที่เกิดจากถัง (tank effect)

เมื่อลูกกุ้งเริ่มเข้าสู่ระยะชูเอียจึงให้อาหารโดยการกรองผ่านผ้ากรองขนาด 50-70 ไมครอน สำหรับอาหารที่ให้ลูกกุ้งในระยะนี้ได้แก่สาหร่ายเซลล์เดียวชนิด *Chaetoceros sp.* และสาหร่าย ผง (algae-100) ให้อาหารทุก ๆ 4 ชั่วโมงและสังเกตปริมาณอาหารที่ให้ในแต่ละมื้อว่าเพียงพอหรือไม่เพื่อใช้ในการปรับการให้อาหารในมื้อต่อไป และเมื่อลูกกุ้งอยู่ในช่วงปลายระยะชูเอีย 3 จึงเริ่มให้อาหารที่เมียวัยอ่อนลงน้ำร้อนเป็นอาหารเสริม ลูกกุ้งในระยะนี้หากได้รับอาหารเพียงพอจะเห็นได้จากขี้กุ้งที่อยู่ส่วนหางมีขนาดยาวและสีของลูกกุ้งมีสีน้ำตาล เมื่อตรวจภายใต้กล้องจุลทรรศน์จะพบเส้นสีน้ำตาลเข้มยาวสม่ำเสมอตลอดลำตัวไปจนถึงส่วนกลางของหาง แต่ในถังไม่ควรมีปริมาณสาหร่ายมากจนเกินไปเพราะอาจทำให้สภาพความเป็นกรดต่างเปลี่ยนไป คือมีค่า pH สูงขึ้น ซึ่งอาจทำให้ลูกกุ้งตายได้ เติมน้ำทะเลที่ผ่านการฆ่าเชื้อและการกรองเพื่อป้องกันไม่ให้ความเข้มข้นของแอมโมเนียเพิ่มสูงขึ้นจนเป็นอันตรายต่อลูกกุ้ง กวนตะกอนที่พื้นถังเบา ๆ เพื่อไม่ให้ตะกอนสะสมอยู่ที่พื้นถังเปลี่ยนถ่ายน้ำ 50% และทำความสะอาดถังเมื่อลูกกุ้งอยู่ในช่วงระยะชูเอีย 2-3 เมื่อลูกกุ้งเข้าสู่ระยะไมซิสจะเริ่มจับแพลงค์ตอนสัตว์เล็ก ๆ กินเป็นอาหารได้ ดังนั้นจึงเริ่มให้อาหารที่เมียวัยอ่อนลงน้ำร้อนและอาหารที่เมียวัยอ่อนแช่เย็นเป็นอาหารอีกด้วย โดยให้อาหารที่เมียวัยอ่อน ๆ เพื่อป้องกันไม่ให้อาหารเหลือตกค้างและเน่าเสียอยู่ในถัง ในขณะที่เดียวกันก็ค่อย ๆ ลดปริมาณสาหร่ายลงจนในที่สุดเหลือเพียงการให้อาหารที่เมียวัยเท่านั้น การเปลี่ยนถ่ายน้ำและทำความสะอาดถังจะทำให้เมื่อลูกกุ้งอยู่ในระยะไมซิส 1 และเมื่อลูกกุ้งเข้าสู่ระยะโพสลาวา จึงให้อาหารที่เมียวัยอ่อนแช่เย็นปนกับอาหารที่เมียวัยสดจนลูกกุ้งเข้าสู่ระยะโพสลาวา 3 จึงให้อาหารที่เมียวัยสดเพียงอย่างเดียว การทำความสะอาดถังและเปลี่ยนถ่ายน้ำในระยะนี้จะทำทุก ๆ 3 วัน จนกระทั่งลูกกุ้งเข้าสู่ระยะโพสลาวา 15 อายุประมาณ 25-30 วัน วิธีอนุบาลแสดงในตารางที่ 6

ตารางที่ 6 การอนุบาลลูกกุ้งกุลาดำในถัง 500 ลิตร

| ระยะ | อายุ (วัน) | อาหารที่ให้ | การดูแล |
|----------------|------------|-----------------|--|
| Nauplius | 0 | - | ใส่น้ำ 250 ลิตร |
| Zoea I | 1 | ch, alg | เพิ่มน้ำ 100 ลิตร |
| Zoea II | 2-3 | ch, alg, ar-h | เปลี่ยนน้ำ 250 ลิตร |
| Zoea III | 4-5 | alg, ar-h | เพิ่มน้ำ 100 ลิตร |
| Mysis I | 6 | alg, ar-h, ar-c | เปลี่ยนน้ำ 250 ลิตร |
| Mysis II | 7 | ar-c | เพิ่มน้ำ 50 ลิตร |
| Mysis III | 8 | ar-c | - |
| Postlarva 1-2 | 9-10 | ar-c | เปลี่ยนน้ำ 250 ลิตร |
| Postlarva 3-15 | 11-25 | ar | เปลี่ยนน้ำ 250 ลิตร ทุก ๆ 3 วัน และดูดตะกอนพื้นถัง |

ch = คีโตเซอรอส, alg = สาหร่ายผง (Algae-100), ar-h = อาร์ทีเมียลวก

ar-c = อาร์ทีเมียแช่เย็น, ar = อาร์ทีเมีย

3.2.3 การเลี้ยงกุ้งกุลาดำ

3.2.3.1. การเลี้ยงกุ้งกุลาดำชุดที่ 1

เมื่อลูกกุ้งเข้าสู่ระยะโพสลาวา 15 อายุ 30 วันจะทำการปรับความหนาแน่นของลูกกุ้งในถัง 500 ลิตร (ถังอนุบาล) ให้อยู่ที่ความหนาแน่น 200 ตัวต่อถังต่อครอครบวง ให้อาหารสำเร็จรูป 3 มื้อต่อวัน (08.00, 15.00 และ 21.00 นาฬิกา) โดยปรับปริมาณและขนาดของเม็ดอาหารที่ให้เป็นเบอร์ 0,1,2,3,4S และ 4 ตามการเติบโต และทำความสะอาดถังเลี้ยง และเปลี่ยนถ่ายน้ำทะเลใหม่ที่ฆ่าเชื้อแล้วด้วยคลอรีนประมาณ 80% ทุก ๆ สามวัน รวมเวลาตั้งแต่เริ่มอนุบาลจนกระทั่งสิ้นสุดการทดลองเป็นเวลา 200 วัน ซึ่งแผนผังการเลี้ยงแสดงในรูปที่ 15



รูปที่ 14 ถังเลี้ยงกุ้งกุลาดำขนาด 500 ลิตร

ครอบคร้วที่ 1-40 : ถังขนาด 500 ลิตร

1 ครอบคร้ว : 1 ถัง (ถังละ 15,000 ตัว)



อายุที่ 30 วัน : เก็บข้อมูลความยาวรวม



ปรับความหนาแน่นเหลือ

200 ตัว : ครอบคร้ว : ถัง



อายุที่ 60, 90, 120, 150 และ 200 วัน : เก็บข้อมูลความยาวรวมและน้ำหนัก

รูปที่ 15 แผนผังการเลี้ยงและเก็บข้อมูลในกุ้งกุลาดำชุดที่ 1

3.2.3.2 การเลี้ยงกุ้งกุลาดำชุดที่ 2

เมื่อลูกกุ้งอายุ 30 วันจะทำการย้ายลูกกุ้งในถัง 500 ลิตร ไปเลี้ยงในบ่อซีเมนต์ขนาด 24 ลูกบาศก์เมตร (รูปที่ 16) บ่อละ 1 ครอบครัวยังที่ความหนาแน่น 3,000 ตัวต่อบ่อต่อครอบครัว ให้อาหารสำเร็จรูป 4 มื้อต่อวัน (7.00, 12.00, 17.00 และ 22.00 นาฬิกา) โดยปรับปริมาณและขนาดของเม็ดอาหารที่ให้เป็นเบอร์ 0,1,2,3 และ 4S ตามการเติบโต ทำความสะอาดพื้นบ่อเลี้ยงและเปลี่ยนถ่ายน้ำทะเลใหม่ 50% ทุกเจ็ดวันจนกระทั่งสิ้นสุดการทดลองเป็นเวลา 145 วัน ซึ่งแผนผังการเลี้ยงแสดงในรูปที่ 17



สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ครอบครัวยุที่ 1-30 : ตั้งขนาด 500 ลิตร

1 ครอบครัว : 1 ถัง



อายุที่ 45 วัน : เก็บข้อมูลความยาวรวม



ย้ายไปเลี้ยงในบ่อซีเมนต์ขนาด 24 ลูกบาศก์เมตร

ปรับความหนาแน่น 3,000 ตัว : ครอบครัว : บ่อ



อายุที่ 145 วัน : เก็บข้อมูลความยาวรวมและน้ำหนัก

รูปที่ 16 แผนผังการเลี้ยงและเก็บข้อมูลในกึ่งกุลาดำชุดที่ 2



รูปที่ 17 บ่อเลี้ยงกึ่งกุลาดำขนาด 24 ลูกบาศก์เมตร

3.2.3.3. การเลี้ยงกุ้งกุลาดำชุดที่ 3

เมื่อลูกกุ้งอายุ 40 วัน จะทำการย้ายลูกกุ้งในถัง 500 ลิตร ไปเลี้ยงในบ่อซีเมนต์ขนาด 24 ลูกบาศก์เมตร บ่อละ 1 ครอบครว้เลี้ยงที่ความหนาแน่น 1,000 ตัวต่อบ่อต่อครอบครว้ ให้อาหารสำเร็จรูป 4 มื้อต่อวัน (7.00, 12.00, 17.00 และ 22.00 นาฬิกา) โดยปรับปริมาณและขนาดของเม็ดอาหารที่ให้เป็นเบอร์ 0,1 และ 2 ตามการเติบโต ทำความสะอาดพื้นบ่อเลี้ยงและเปลี่ยนถ่ายน้ำใหม่ 50% ทุก ๆ เจ็ดวันจนกระทั่งอายุ 80 วัน จึงแยกนำไปเลี้ยงไปเลี้ยงในถัง 500 ลิตรครอบครว้ละ 1 ถัง และเลี้ยงในกระชังขนาด 15x15x15 เซนติเมตร กระชังละ 1 ตัว ครอบครว้ละ 30 กระชัง ซึ่งแผนผังการเลี้ยงแสดงในรูปที่ 18 ดังรายละเอียดต่อไปนี้

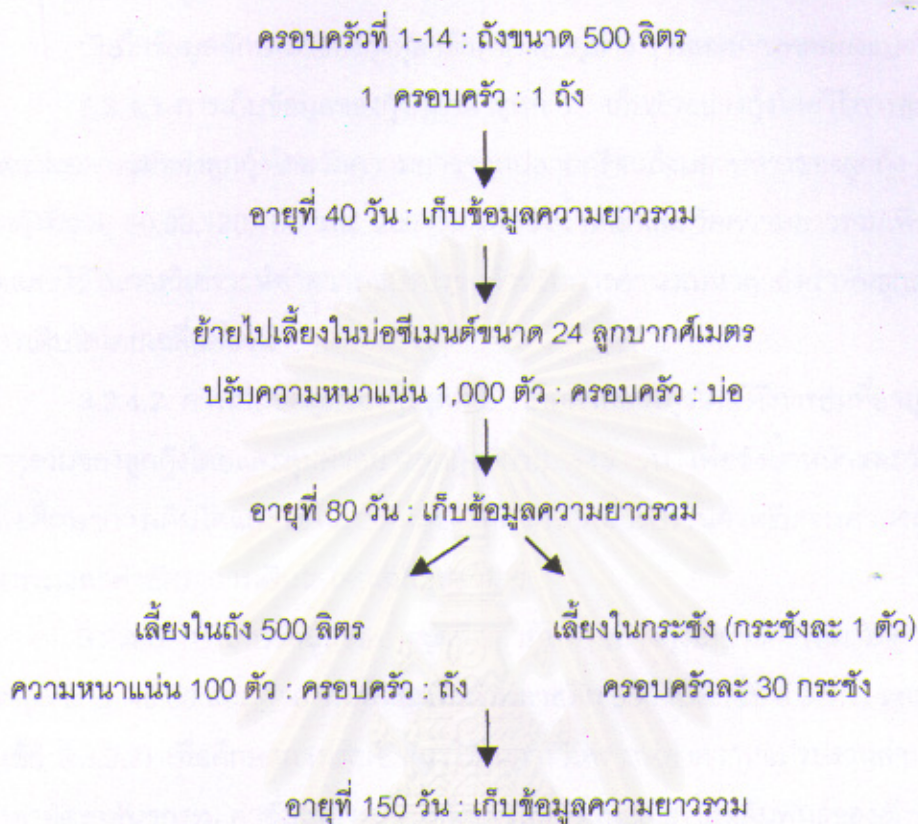
3.3.3.1 การเลี้ยงกุ้งกุลาดำในถัง 500 ลิตร

นำกุ้งอายุ 80 วัน ที่เลี้ยงในบ่อซีเมนต์จากข้อ 3.3.3 ไปเลี้ยงในถัง 500 ลิตร ครอบครว้ละ 1 ถังความหนาแน่น 100 ตัวต่อถังต่อครอบครว้ ให้อาหารสำเร็จรูป 4 มื้อต่อวัน (7.00, 12.00, 17.00 และ 22.00 นาฬิกา) โดยปรับปริมาณและขนาดของเม็ดอาหารที่ให้เป็นเบอร์ 2 และ 3 ตามการเติบโตและทำความสะอาดพื้นถังและเปลี่ยนถ่ายน้ำทะเลใหม่ 50% ทุกสองวัน และย้ายถังทุก ๆ เจ็ดวัน จนกระทั่งอายุ 150 วัน

3.3.3.2. การเลี้ยงกุ้งกุลาดำในกระชัง

นำกุ้งอายุ 80 วัน ที่เลี้ยงในบ่อซีเมนต์จากข้อ 3 ไปเลี้ยงในกระชังขนาด 15x15x15 เซนติเมตร กระชังละ 1 ตัวครอบครว้ละ 30 กระชัง ๆ ที่เลี้ยงอยู่ในบ่อซีเมนต์ขนาด 20 ลูกบาศก์เมตรโดยเปิดน้ำทะเลไหลผ่านตลอดเวลา (รูปที่ 19) ให้อาหารสำเร็จรูป 2 มื้อต่อวัน (7.00 และ 17.00 นาฬิกา) โดยปรับปริมาณและขนาดของเม็ดอาหารที่ให้เป็นเบอร์ 2 และ 3 ตามการเติบโต และทำความสะอาดพื้นกระชังทุกวันจนกระทั่งอายุ 150 วัน

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



รูปที่ 18 แผนผังการเลี้ยงและเก็บข้อมูลในกึ่งฤดูดำชุดที่ 3



รูปที่ 19 กระชังเลี้ยงกึ่งฤดูดำ

3.3.4 การเก็บข้อมูล

บันทึกข้อมูลลักษณะของกึ่งกุลาดำที่ช่วงอายุต่าง ๆ ตลอดการทดลองแบ่งได้ดังนี้

3.3.4.1 การเก็บข้อมูลของกึ่งกุลาดำชุดที่ 1 : เก็บตัวอย่างกึ่งโดยวิธีการสุ่มที่อายุ 30 วัน วัดความยาวรวมของลูกกึ่งโดยวัดความยาวจากปลายกรีนจนถึงปลายหางของลูกกึ่ง และสุ่มตัวอย่างลูกกึ่งที่อายุ 60,90,120,150 และ 200 วัน เพื่อชั่งน้ำหนักและวัดความยาวรวมเพื่อศึกษาการเติบโตและใช้ในการวิเคราะห์ค่าความแปรปรวนสำหรับการคำนวณหาค่าอัตราพันธุกรรมและค่าอัตราการเติบโตโดยเฉลี่ยต่อวัน

3.2.4.2. การเก็บข้อมูลของกึ่งชุดที่ 2 : เก็บตัวอย่างกึ่งโดยวิธีการสุ่มที่อายุ 45 วัน วัดความยาวรวมของลูกกึ่งโดยและสุ่มตัวอย่างลูกกึ่งที่อายุ 145 วัน เพื่อชั่งน้ำหนักและวัดความยาวรวมเพื่อศึกษาการเติบโตและใช้ในการวิเคราะห์ค่าความแปรปรวนสำหรับการคำนวณหาค่าอัตราพันธุกรรมและค่าอัตราการเติบโตโดยเฉลี่ยต่อวัน

3.2.4.3. การเก็บข้อมูลของกึ่งชุดที่ 3 : เก็บตัวอย่างกึ่งโดยวิธีการสุ่ม วัดความยาวรวมของลูกกึ่งที่อายุ 40,80 และ 150 วัน ที่เลี้ยงในถังพลาสติก 500 ลิตร (ข้อ 3.3.3.1) และที่เลี้ยงในกระชัง (ข้อ 3.3.3.2) เพื่อศึกษาการเติบโตและใช้ในการวิเคราะห์ค่าความแปรปรวนสำหรับการคำนวณหาค่าอัตราพันธุกรรม ค่าอัตราการเติบโตโดยเฉลี่ยต่อวันและค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏต่อสิ่งแวดล้อม

3.2.5 การวิเคราะห์ข้อมูล

3.2.5.1 คำนวณค่าอัตราการเติบโตโดยเฉลี่ยต่อวัน (average daily growth, ADG) : น้ำหนักและความยาวที่เพิ่มขึ้นโดยเฉลี่ยต่อวัน ซึ่งมีหน่วยเป็น กรัมต่อวัน สำหรับน้ำหนัก และมีหน่วยเป็น เซ็นติเมตรต่อวัน สำหรับความยาว ซึ่งมีสูตรดังนี้

$$\text{ADG ของน้ำหนัก} = (W_{t+1} - W_t) / T$$

$$\text{ADG ของความยาว} = (L_{t+1} - L_t) / T$$

$$\text{เมื่อ ADG} = \text{อัตราการเติบโตโดยเฉลี่ยต่อวัน}$$

$$t = \text{ครั้งที่ทำการชั่งวัดกึ่งกุลาดำ}$$

$$T = \text{ระยะเวลา(วัน)ที่ห่างกันแต่ละครั้งของการชั่งวัด}$$

$$W_t \text{ และ } W_{t+1} = \text{น้ำหนักเฉลี่ยเมื่อชั่งครั้งที่ } t \text{ และ } t+1 \text{ (กรัม)}$$

$$L_t \text{ และ } L_{t+1} = \text{ความยาวเฉลี่ยเมื่อวัดครั้งที่ } t \text{ และ } t+1 \text{ (เซ็นติเมตร)}$$

3.2.5.2 การประมาณค่าอัตราพันธุกรรม (heritability, h^2) โดยใช้ค่าสังเกตของลักษณะที่ศึกษาโดยมีแบบหุ้่นจำลองทางคณิตศาสตร์ซึ่งดัดแปลงมาจาก Sokal and Rohlf (1969) สำหรับใช้ในการวิเคราะห์ความแปรปรวนของลูกกุ้งกุลาดำแต่ละชุด เป็นไปดังภาคผนวก ข ในการวิเคราะห์ใช้โปรแกรม SYSTAT Version 5.0 (Wilkinson, 1987) เพื่อใช้ในการแยกองค์ประกอบความแปรปรวนแล้วนำมาประมาณอัตราพันธุกรรมของลักษณะการเจริญเติบโตของความยาวรวมและน้ำหนักตัวของกุ้งกุลาดำทั้งสามชุดที่อายุต่าง ๆ รวมทั้งคำนวณค่าความคลาดเคลื่อนมาตรฐานตามวิธีของ Becker (1992) และ Falconer (1989)



สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

3.3 การวิเคราะห์ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อม และทางลักษณะปรากฏ

3.3.1 การวิเคราะห์ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อม และทางลักษณะปรากฏของลักษณะความยาวและน้ำหนักในกึ่งกุลาดำชุดที่ 1 และ 2 วิธีการวิเคราะห์จะเป็นการวิเคราะห์ variance และ covariance ของสองลักษณะพร้อมกัน คือ ความยาวและน้ำหนักในกึ่งกุลาดำ การวิเคราะห์เป็นไปตามภาคผนวก จ

3.3.2 การวิเคราะห์ค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะความยาวในกึ่งกุลาดำที่เลี้ยงในถังและในกระชัง คำนวณค่าสหสัมพันธ์โดยใช้โปรแกรม SYSTAT Version 5.0 (Wilkinson, 1987) ซึ่งสรุปเป็นสมการที่ดัดแปลงมาจาก Sokal and Rohlf (1981)

$$r_{E_1(x)E_2(x)} = \frac{\sum E_{1(x)}E_{2(x)}}{\sqrt{E^2_{1(x)}E^2_{2(x)}}$$

เมื่อ $r_{E_1(x)E_2(x)}$ คือ ค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะความยาวในกึ่งกุลาดำที่เลี้ยงในถังและในกระชัง

$E_{1(x)}$ คือ ลักษณะที่ปรากฏของลักษณะความยาวในกึ่งกุลาดำที่เลี้ยงในถัง

$E_{2(x)}$ คือ ลักษณะที่ปรากฏของลักษณะความยาวในกึ่งกุลาดำที่เลี้ยงในกระชัง

ส่วนค่าเบี่ยงเบนมาตรฐานของค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏที่ต่างกันสามารถคำนวณจากสมการที่ดัดแปลงมาจาก Sokal and Rohlf (1981)

$$S.E. \cdot r_{E_1E_2} = \sqrt{(1 - r^2) / (n - 2)}$$

บทที่ 4

ผลการศึกษา

4.1 การทดสอบเครื่องหมายติดตัวกุ้ง

4.1.1 การทดสอบเครื่องหมายกับขนาดที่เหมาะสมของกุ้งกุลาดำ

กุ้งกุลาดำที่ใช้ทดสอบเป็นกุ้งชุดที่ 1 (ข้อ 3.2.3.1) สุ่มกุ้งอายุ 140 วัน มา 2 กลุ่ม ๆ ละ 20 ตัว ที่มีความยาวเฉลี่ย 5.53 เซนติเมตร (ขนาดเล็ก) และ 9.02 เซนติเมตร (ขนาดใหญ่) นำมาติดเครื่องหมายแล้วนำไปเลี้ยงในบ่อซีเมนต์ปริมาตร 1.5 ลูกบาศก์เมตร เป็นเวลา 60 วัน อัตราการรอดตายตามตารางที่ 7 พบว่ากุ้งกุลาดำที่มีขนาดใหญ่มีอัตราการรอดตาย 55.00 ± 15.00 % สูงกว่ากุ้งขนาดเล็กมีอัตราการรอดตาย 23.33 ± 12.583 % อย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ($P < 0.05$)

ตารางที่ 7 อัตราการรอดตายของกุ้งกุลาดำขนาดเล็กและขนาดใหญ่ที่ติดเครื่องหมาย

| ขนาดของกุ้ง | บ่อ | จำนวนเริ่มต้น (ตัว) | จำนวนที่รอด ตาย(ตัว) | อัตราการรอด ตาย (%) |
|--------------|-----|------------------------|-------------------------|------------------------|
| กุ้งขนาดเล็ก | 1 | 20 | 2 | 10 |
| | 2 | 20 | 7 | 35 |
| | 3 | 20 | 5 | 25 |
| Mean±S.D. | - | 20 | 4.67 | 23.33±12.583 |
| กุ้งขนาดใหญ่ | 1 | 20 | 8 | 40 |
| | 2 | 20 | 14 | 70 |
| | 3 | 20 | 11 | 55 |
| Mean±S.D. | - | 20 | 11.00 | 55.00±15.00 |

4.1.2 การทดสอบผลของเครื่องหมายต่อการเติบโตของกุ้งกุลาดำ

กุ้งกุลาดำที่นำมาใช้ทดสอบเป็นกุ้งชุดที่ 2 สุ่มกุ้งอายุ 145 วัน มา 360 ตัว ความยาวเฉลี่ย 10.41 เซนติเมตร แบ่งเป็นสองกลุ่มๆ ละ 180 ตัว โดยนำมาติดเครื่องหมายและอีกกลุ่มไม่ติดเครื่องหมายและนำไปเลี้ยงในบ่อซีเมนต์ขนาด 24 ลูกบาศก์เมตร บ่อละ 60 ตัว เป็นเวลา 60 วัน อัตราการเติบโตตามตารางที่ 8 พบว่าอัตราการเติบโตของกุ้งกุลาดำที่ติดเครื่องหมายมีความยาวเฉลี่ย 15.11 ± 1.44 เซนติเมตร ซึ่งไม่แตกต่างกันทางสถิติ ($P > 0.05$) กับกุ้งที่ไม่ติดเครื่องหมายมีความยาวเฉลี่ย 15.46 ± 1.56 เซนติเมตร และอัตราการรอดตายตามตารางที่ 9 พบว่าอัตราการรอดตายของกุ้งกุลาดำที่ติดเครื่องหมายมีอัตราการรอดตาย 32.22 ± 10.18 % ซึ่งไม่แตกต่างกันทางสถิติ ($P > 0.05$) กับกุ้งไม่ติดเครื่องหมายที่มีอัตราการรอดตาย 33.89 ± 5.09 %

ตารางที่ 8 อัตราการเติบโตวัดเป็นความยาว (เซนติเมตร) ของกุ้งกุลาดำที่ติดเครื่องหมายและไม่ติดเครื่องหมาย

| ระยะ เวลา (วัน) | อัตราการเติบโต (ค่าเฉลี่ย+ส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน) | | | | | |
|-----------------------|---|------------|------------|-----------------------|------------|------------|
| | กุ้งติดเครื่องหมาย | | | กุ้งไม่ติดเครื่องหมาย | | |
| | บ่อ 1 | บ่อ 2 | บ่อ 3 | บ่อ 1 | บ่อ 2 | บ่อ 3 |
| - | 10.26±1.24 | 10.94±1.22 | 10.47±1.16 | 10.32±1.27 | 10.73±1.44 | 9.77±0.96 |
| 60 | 15.64±1.66 | 14.54±1.37 | 15.53±1.07 | 15.74±1.65 | 15.41±1.83 | 15.15±1.01 |

ตารางที่ 9 อัตราการรอดตายของกุ้งกุลาดำที่ติดเครื่องหมายและไม่ติดเครื่องหมาย

| กลุ่มของกุ้ง | บ่อ | จำนวนเริ่มต้น (ตัว) | จำนวนที่รอด ตาย(ตัว) | อัตราการรอด ตาย (%) |
|--------------------------|-----------|------------------------|-------------------------|------------------------|
| กุ้งที่ติดเครื่องหมาย | 1 | 60 | 14 | 23.33 |
| | 2 | 60 | 26 | 43.33 |
| | 3 | 60 | 18 | 30 |
| | Mean±S.D. | - | 60 | 19.33 |
| กุ้งที่ไม่ติดเครื่องหมาย | 1 | 60 | 23 | 38.33 |
| | 2 | 60 | 21 | 35 |
| | 3 | 60 | 17 | 28.33 |
| | Mean±S.D. | - | 60 | 20.33 |

4.2 การประมาณค่าอัตราพันธุกรรม

4.2.1 การเติบโตของกึ่งกุลาดำ

ข้อมูลของผลการศึกษาแบ่งเป็นกลุ่มตามระยะเวลาที่ผลิตกึ่งกุลาดำดังที่แสดงไว้แล้วในตารางที่ 5 ซึ่งผลการทดลองมีรายละเอียดดังต่อไปนี้

4.2.1.1 ประชากรกึ่งกุลาดำชุดที่ 1 จากการผลิตลูกกึ่งกุลาดำจำนวน 40 ครอบครัว มีอัตราการเติบโตของความยาวและน้ำหนักตัวของกึ่งที่ผลิตจากพ่อแม่พันธุ์ที่มาจากกลุ่มประชากรทางฝั่งอ่าวไทยที่อายุ 30 วัน มีค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 1.27 ± 1.48 เซนติเมตร ที่อายุ 60 วัน มีค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 2.98 ± 0.61 เซนติเมตร ค่าเฉลี่ยของน้ำหนักเท่ากับ 0.14 ± 0.10 กรัม ที่อายุ 90 วัน มีค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 5.06 ± 0.90 เซนติเมตร ค่าเฉลี่ยของน้ำหนักเท่ากับ 0.78 ± 0.47 กรัม ที่อายุ 120 วัน มีค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 6.57 ± 1.15 เซนติเมตร ค่าเฉลี่ยของน้ำหนักเท่ากับ 2.32 ± 1.31 กรัม ที่อายุ 150 มีค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 8.53 ± 1.40 เซนติเมตร ค่าเฉลี่ยของน้ำหนักเท่ากับ 5.34 ± 2.72 กรัม และที่อายุ 200 วัน มีค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 10.07 ± 1.51 เซนติเมตร ค่าเฉลี่ยของน้ำหนักเท่ากับ 8.48 ± 3.77 กรัม ค่าสูงสุด ค่าต่ำสุด ค่าเฉลี่ย ค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน และค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวนค่าเฉลี่ย และส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐานตามตารางที่ 10 ค่าเฉลี่ยของความยาวของกึ่งที่อายุต่าง ๆ โดยแยกในแต่ละครอบครัวตามตารางผนวกที่ 3 ค่าเฉลี่ยของน้ำหนักตัวของกึ่งที่อายุต่าง ๆ โดยแยกในแต่ละครอบครัวตามตารางผนวกที่ 4 ค่าอัตราการเติบโตเฉลี่ยต่อวัน (average daily growth, ADG) ตามตารางผนวกที่ 5

ตารางที่ 10 ค่าสูงสุด (Max.) ค่าต่ำสุด (Min.) ค่าเฉลี่ย (Mean) ค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.D.) และค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวน (C.V.) และจำนวนกึ่ง (n) มีความยาว (เซ็นติเมตร) และน้ำหนักตัว (กรัม) ของกึ่งชุดที่ 1 ที่อายุ 30,60,90,120,150 และ 200 วัน

| | ความยาว | | | | | | น้ำหนัก | | | | |
|------|------------|------|------|------|------|-------|-----------|------|------|------|-------|
| | อายุ (วัน) | | | | | | อายุ(วัน) | | | | |
| | 30 | 60 | 90 | 120 | 150 | 200 | 60 | 90 | 120 | 150 | 200 |
| Max. | 1.80 | 6.00 | 9.40 | 11.0 | 13.0 | 13.7 | 1.17 | 4.89 | 10.4 | 19.0 | 21.02 |
| Min. | 1.00 | 1.50 | 2.50 | 0.10 | 4.50 | 5.00 | 0.01 | 0.06 | 0.19 | 0.62 | 0.77 |
| Mean | 1.27 | 2.98 | 5.06 | 6.57 | 8.53 | 10.07 | 0.14 | 0.78 | 2.32 | 5.34 | 8.48 |
| S.D. | 1.48 | 0.61 | 0.90 | 1.15 | 1.40 | 1.51 | 0.10 | 0.47 | 1.31 | 2.72 | 3.77 |
| C.V. | 0.11 | 0.20 | 0.17 | 0.17 | 0.16 | 0.15 | 0.75 | 0.61 | 0.56 | 0.51 | 0.44 |
| N | 2000 | 2000 | 2000 | 2000 | 1845 | 1070 | 2000 | 2000 | 2000 | 1845 | 1070 |

4.2.1.2 ประชากรกึ่งกุลาดำชุดที่ 2 จากการผลิตลูกกึ่งกุลาดำจำนวน 30 ครอบ ครัวมีอัตราการเติบโตของความยาวและน้ำหนักตัวของกึ่งที่ผลิตจากพ่อแม่พันธุ์ที่มาจากกลุ่ม ประชากรทางฝั่งอันดามันที่อายุ 45 วัน มีค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 1.19 ± 0.17 เซ็นติเมตร และที่อายุ 145 วัน มีค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 4.63 ± 1.67 เซ็นติเมตร ค่าเฉลี่ยของน้ำหนักเท่ากับ 1.10 ± 1.80 กรัม ค่าสูงสุด ค่าต่ำสุด ค่าเฉลี่ย ค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน และค่าสัมประสิทธิ์ ความแปรปรวนค่าเฉลี่ยและส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐานตามตารางที่ 11 ค่าเฉลี่ยของความยาวและ น้ำหนักตัวของกึ่งที่อายุต่าง ๆ กันโดยแยกในแต่ละครอบครั้วตามตารางผนวกที่ 6

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางที่ 11 ค่าสูงสุด (Max.) ค่าต่ำสุด (Min.) ค่าเฉลี่ย (Mean) ค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.D.) และค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวน (C.V.) และจำนวนกึ่ง (n) มีความยาว (เซนติเมตร) และน้ำหนักตัว (กรัม) ของกึ่งชุดที่ 2 ที่อายุ 45 และ 145 วัน

| | ความยาว | | น้ำหนัก |
|------|-------------|--------------|--------------|
| | อายุ 45 วัน | อายุ 145 วัน | อายุ 145 วัน |
| Max. | 1.90 | 16.90 | 16.00 |
| Min. | 0.70 | 1.00 | 0.01 |
| Mean | 1.19 | 4.63 | 1.10 |
| S.D. | 0.17 | 1.67 | 1.80 |
| C.V. | 0.144 | 0.362 | 1.636 |
| N | 1500 | 1502 | 1502 |

4.2.1.3 ประชากรกึ่งกุลาดำชุดที่ 3 จากการผลิตลูกกึ่งกุลาดำจำนวน 14 ครอบ ครัวมีอัตราการเติบโตของความยาวและน้ำหนักตัวของกึ่งที่ผลิตจากพ่อแม่พันธุ์ที่มาจากกลุ่ม ประชากรทางฝั่งอันดามันที่อายุ 40 วัน มีค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 1.16 ± 0.17 เซนติเมตร ที่ อายุ 80 วัน มีค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 4.02 ± 0.67 เซนติเมตร ที่อายุ 150 วัน (ที่เลี้ยงในถัง) มี ค่าเฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 5.19 ± 0.83 เซนติเมตร และที่อายุ 150 วัน (ที่เลี้ยงในกระชัง) มีค่า เฉลี่ยของความยาวเท่ากับ 6.61 ± 0.91 เซนติเมตร มีค่าสูงสุด ค่าต่ำสุด ค่าเฉลี่ย ค่าส่วนเบี่ยงเบน มาตรฐาน และค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวนค่าเฉลี่ยและส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน ตามตารางที่ 12 ค่าเฉลี่ยของความยาวและน้ำหนักตัวของกึ่งที่อายุต่าง ๆ กันโดยแยกในแต่ละครอบครัวยุตามตา รางผนวกที่ 7 ค่าอัตราการเติบโตเฉลี่ยต่อวัน (average daily growth, ADG) ตามตารางผนวกที่ 8

ตารางที่ 12 ค่าสูงสุด (Max.) ค่าต่ำสุด (Min.) ค่าเฉลี่ย (Mean) ค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.D.) และค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวน (C.V.) และจำนวนกุ้ง (n) มีความยาว (เซนติเมตร) ที่อายุ 40 80 และ 150 วัน (ที่เลี้ยงในถังและในกระชัง) ของกุ้งกุลาดำชุดที่ 3

| | อายุ | | | |
|------|--------|--------|-----------------------|--------------------------|
| | 40 วัน | 80 วัน | 150 วัน (เลี้ยงในถัง) | 150 วัน (เลี้ยงในกระชัง) |
| Max. | 1.7 | 6.3 | 8.0 | 9.2 |
| Min. | 0.7 | 2.4 | 3.0 | 4.6 |
| Mean | 1.16 | 4.02 | 5.19 | 6.61 |
| S.D. | 0.17 | 0.67 | 0.83 | 0.91 |
| C.V. | 0.151 | 0.168 | 0.160 | 0.137 |
| N | 700 | 420 | 420 | 304 |

4.2.2 ค่าอัตราพันธุกรรม

ข้อมูลของผลการศึกษาแบ่งเป็นกลุ่มตามระยะเวลาที่ผลิตกุ้งกุลาดำดังที่แสดงไว้แล้วในตารางที่ 5 ซึ่งผลการทดลองมีรายละเอียดดังต่อไปนี้

4.2.2.1 ประชากรกุ้งกุลาดำชุดที่ 1

ตารางที่ 13 ค่าอัตราพันธุกรรม (Heritability) คำนวณโดยวิธี full-sib analysis และค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.E.) ของกุ้งกุลาดำชุดที่ 1

| อายุ (วัน) | จำนวนครอบครัว | จำนวนตัว | Heritability \pm S.E. | |
|------------|---------------|----------|-------------------------|------------------|
| | | | ความยาว | น้ำหนักตัว |
| 30 | 40 | 2000 | 0.56 \pm 0.099 | - |
| 60 | 40 | 2000 | 0.38 \pm 0.078 | 0.40 \pm 0.081 |
| 90 | 40 | 2000 | 0.25 \pm 0.059 | 0.31 \pm 0.068 |
| 120 | 40 | 2000 | 0.23 \pm 0.055 | 0.25 \pm 0.058 |
| 150 | 40 | 1845 | 0.24 \pm 0.059 | 0.24 \pm 0.058 |
| 200 | 40 | 1070 | 0.36 \pm 0.085 | 0.35 \pm 0.083 |

4.2.2.2 ประชากรกึ่งกลาดำชุดที่ 2

ตารางที่ 14 ค่าอัตราพันธุกรรม (Heritability) คำนวณโดยวิธี full-sib analysis และค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.E.) ของกึ่งกลาดำชุดที่ 2

| อายุ (วัน) | จำนวนครอบครัว | จำนวนตัวทั้งหมด | Heritability \pm S.E. | |
|------------|---------------|-----------------|-------------------------|------------------|
| | | | ความยาว | น้ำหนักตัว |
| 45 | 30 | 1,500 | 0.30 \pm 0.075 | – |
| 145 | 30 | 1,502 | 0.20 \pm 0.056 | 0.09 \pm 0.032 |

4.2.2.3 ประชากรกึ่งกลาดำชุดที่ 3

ตารางที่ 15 ค่าอัตราพันธุกรรม (Heritability) ของความยาวคำนวณโดยวิธี full-sib analysis และค่าส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐาน (S.E.) ของกึ่งกลาดำชุดที่ 3

| อายุ (วัน) | จำนวนครอบครัว | จำนวนตัวทั้งหมด | Heritability \pm S.E. |
|----------------------|---------------|-----------------|-------------------------|
| 40 | 14 | 700 | 0.320 \pm 0.118 |
| 80 | 14 | 420 | 0.029 \pm 0.037 |
| 150 (เลี้ยงในถัง) | 14 | 420 | 0.247 \pm 0.107 |
| 150 (เลี้ยงในกระชัง) | 14 | 304 | 0.486 \pm 0.162 |

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

4.3 ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อม ทางลักษณะปรากฏ

ข้อมูลของผลการศึกษาแบ่งเป็นกลุ่มตามระยะเวลาที่ผลิตกิ่งกล้าดำดั่งที่แสดงไว้แล้วในตารางที่ 5 ซึ่งค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อม ทางลักษณะปรากฏระหว่างความยาวและน้ำหนักและค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของความยาวและน้ำหนักตัวที่อายุต่าง ๆ โดยเปรียบเทียบในทุตัวแปรโดยสมบรูณ์ผลการทดลองมีรายละเอียดดังต่อไปนี้

ตารางที่ 16 ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม (r_G) ทางสภาพแวดล้อม (r_E) ทางลักษณะปรากฏของ (r_p) ลักษณะปรากฏระหว่างความยาวและน้ำหนักตัวที่อายุ 30,60,90,120,150 และ 200 วัน ของกิ่งชุดที่ 1 และชุดที่ 2 อายุ 145 วัน

| | อายุ(วัน) | | | | | |
|-------|-----------|-------|-------|-------|-------|-------|
| | 60 | 90 | 120 | 150 | 200 | 145 |
| r_G | 1.20 | 1.10 | 1.2 | 1.14 | 1.12 | 0.63 |
| r_E | 1.4 | 0.904 | 0.89 | 0.99 | 0.81 | 0.88 |
| r_p | 0.932 | 0.942 | 0.955 | 0.960 | 0.953 | 0.851 |

ตารางที่ 17 ค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของความยาว (LT) ในส่วน ก และน้ำหนักตัว (WT) ในส่วน ข ที่ อายุ 30,60,90,120,150 และ 200 วัน ของกุ้งชุดที่ 1 โดยเปรียบเทียบใน ทุกตัวแปรโดยสมบูรณ์

| ส่วน ก | LT30 | LT60 | LT90 | LT120 | LT150 | LT200 |
|--------|-------|-------|-------|-------|-------|-------|
| LT30 | - | | | | | |
| LT60 | 0.419 | - | | | | |
| LT90 | 0.082 | 0.576 | - | | | |
| LT120 | 0.181 | 0.517 | 0.768 | - | | |
| LT150 | 0.196 | 0.387 | 0.636 | 0.800 | - | |
| LT200 | 0.274 | 0.246 | 0.342 | 0.375 | 0.598 | - |
| ส่วน ข | | WT60 | WT90 | WT120 | WT150 | WT200 |
| WT60 | | - | | | | |
| WT90 | | 0.735 | - | | | |
| WT120 | | 0.645 | 0.841 | - | | |
| WT150 | | 0.425 | 0.705 | 0.809 | - | |
| WT200 | | 0.247 | 0.330 | 0.338 | 0.584 | - |

ตารางที่ 18 ค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของความยาว (LT) และน้ำหนักตัว (WT) ที่อายุ 45 และ 145 ของกุ้งกุลาดำชุดที่ 2 โดยเปรียบเทียบใน ทุกตัวแปรโดยสมบูรณ์

| | LT45 | LT145 | WT145 |
|-------|--------|-------|-------|
| LT45 | - | | |
| LT145 | -0.121 | - | |
| WT145 | -0.350 | 0.856 | - |

ตารางที่ 19 ค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของความยาว (LT) ที่อายุ 40 วัน 80 วัน 150 วัน เลี้ยงในถัง (P) และ 150 วัน เลี้ยงในกระชัง (I) ของกุ้งกุลาดำชุดที่ 3 โดยเปรียบเทียบในทุกตัวแปรโดยสมบูรณ์

| | LT40 | LT80 | LT150(P) | LT150(I) |
|----------|--------|--------|----------|----------|
| LT45 | - | | | |
| LT80 | -0.064 | - | | |
| LT150(P) | 0.241 | -0.072 | - | |
| LT150(I) | 0.508 | 0.153 | -0.304 | - |

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

บทที่ 5

วิจารณ์ผลการศึกษา

5.1 การทดสอบเครื่องหมายติดตัวกึ่งกลาดำ

5.1.1 กึ่งกลาดำชุดที่ 1

จากผลการทดลองตามตารางที่ 7 พบว่ากึ่งกลาดำที่นำมาติดเครื่องหมายมีอัตราการรอดตายเฉลี่ยของกึ่งขนาดเล็กต่ำกว่ากึ่งขนาดใหญ่อย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ ($P < 0.05$) แต่แตกต่างจากการทดลองของ Teboul (1993) ที่ใช้กึ่งกลาดำ 2 ขนาด (ขนาดเล็ก 0.36-1.04 กรัม และขนาดใหญ่ 1.66-2.60 กรัม) กลุ่มละ 21 ตัว ทำการติดเครื่องหมายที่ทำจากเอ็นเบ็ดตกปลาขนาดเส้นผ่านศูนย์กลาง 0.3 มิลลิเมตร ยาว 3-4 มิลลิเมตร โดยฉีดเครื่องหมายเข้าไปบริเวณด้านท้องปล้องที่ 6 ทำการทดลอง 40 วัน กึ่งขนาดเล็กมีอัตราการรอดตาย 90.50% กึ่งขนาดใหญ่มีอัตราการรอดตาย 95.24% ซึ่งกึ่งขนาดใหญ่มีอัตราการรอดตายสูงกว่า เนื่องจากบริเวณที่ติดเครื่องหมายใกล้เส้นประสาท central nerve gantlion ทำให้เครื่องหมายที่ติดลงในกึ่งขนาดเล็กมีโอกาสที่ถูกเส้นประสาททำให้กึ่งบาดเจ็บและมีอัตราการตายสูงกว่ากึ่งขนาดใหญ่ที่มีพื้นที่กล้ามเนื้อมากกว่า จึงทำให้ได้รับบาดเจ็บน้อยกว่าในการติดเครื่องหมายทั้งนี้ในรายงานของ Holt (1982), Howe and Hoyt (1982) และ Hill and Wassenberg (1985) ได้อธิบายถึงอิทธิพลที่มีต่ออัตราการตายเนื่องจากเครื่องหมายว่าอิทธิพลที่มีผลอย่างมากต่อการตายเนื่องจากเครื่องหมายและระดับความเสียหายของเครื่องหมาย คือ ความชำนาญของผู้ทดลองและเทคนิคที่เลือกใช้ คุณภาพของเครื่องมือวิธีการติดเครื่องหมาย สภาวะของสัตว์ทดลอง ตลอดจนสภาพการทดลอง

5.1.2 กึ่งกลาดำชุดที่ 2

จากการทดลองตามตารางที่ 8 และ 9 พบว่ากึ่งที่ติดเครื่องหมายมีอัตราการเติบโตและอัตราการรอดตายไม่แตกต่างจากกึ่งกลุ่มที่ไม่ได้ติดเครื่องหมาย ซึ่งสอดคล้องกับรายงานของ Teboul (1993) ที่ทำการทดลองกับกึ่งกลาดำ 2 ขนาด นำมาติดเครื่องหมายที่ทำจากสายเอ็นเบ็ดตกปลา โดยเปรียบเทียบอัตราการเติบโตและอัตราการรอดตายกับกลุ่มที่ไม่ติดเครื่องหมาย

หมาย พบว่าไม่มีความแตกต่างทางสถิติและยังสอดคล้องกับรายงานของ Schmalbach *et al.* (1994) ทำการทดลองกับกึ่งก้ามกาม *M.rosenbergii* โดยติดเครื่องหมายที่ทำจากแผ่น เซลลูโลยด์หรือพลาสติกขนาดความยาว 10-15 มิลลิเมตร กว้าง 0.2-0.5 มิลลิเมตร โดยฉีดเครื่องหมายเข้าไปที่บริเวณขาเดินคู่ที่ 4 และ 5 พบว่ากึ่งที่ติดเครื่องหมายมีอัตราการเติบโตไม่แตกต่างกันทางสถิติกับกึ่งที่ไม่ได้ติดเครื่องหมาย เมื่อพิจารณาจากข้อมูลเครื่องหมายที่ทำจากวัสดุที่เป็น พลาสติกหรือไนลอนที่มีขนาดเล็กไม่มีผลต่ออัตราการเติบโตและอัตราการรอดตายของกึ่งเมื่อติดเครื่องหมายเข้าไปในลำตัวกึ่ง

5.2 การประมาณค่าอัตราพันธุกรรม

5.2.1 การเติบโตของกึ่งกุลาดำ

จากผลการศึกษาการเติบโตของกึ่งกุลาดำชุดที่ 1,2 และ 3 ตามตารางที่ 10,11 และ 12 ตามลำดับ ซึ่งเมื่อเปรียบเทียบการเติบโตในกึ่งทั้ง 3 ชุด พบว่ากึ่งชุดที่ 2 และ 3 มีค่าการเติบโตต่ำกว่ากึ่งชุดที่ 1 (45.72% และ 39.52%) เนื่องจากการเปลี่ยนแปลงสภาพการเลี้ยงจากถัง 500 ลิตร เป็นบ่อซีเมนต์ขนาด 24 ลูกบาศก์เมตร จึงทำให้กึ่งมีขนาดแตกต่างกันมากเพราะบ่อมีขนาดใหญ่ขึ้นกึ่งที่มีขนาดเล็กสามารถมีชีวิตอยู่ได้ทำให้ค่าเฉลี่ยของการเติบโตต่ำ แต่เมื่อเปรียบเทียบกับการเติบโตของกึ่งกุลาดำจากการศึกษาของ คณิต ไชยาคำ และคณะ (2541) ที่เลี้ยงกึ่งกุลาดำในบ่อดิน อัตราความหนาแน่น 25 ตัวต่อตารางเมตร ที่ขนาดเริ่มต้น 1.31 เซนติเมตร น้ำหนักเฉลี่ย 0.008 กรัม (เริ่มเลี้ยงที่ระยะโพสลาวา 20) ใช้ระยะเวลาในการเลี้ยง 197 วัน มีความยาวเฉลี่ย 2.77, 6.23, 10.35, 11.05, 11.35 และ 11.72 เซนติเมตร และน้ำหนัก 0.258, 2.099, 8.350, 11.082, 12.882 และ 14.508 กรัม ที่ระยะเวลาการเลี้ยง 24,57,93,135,176 และ 197 วัน ตามลำดับ ซึ่งจากการศึกษาดังกล่าวได้ขนาดกึ่งที่มีขนาดใหญ่กว่ากึ่งที่ได้จากการศึกษา เนื่องจากสภาพการเลี้ยงมีความแตกต่างกันโดยการเลี้ยงในบ่อดินทำให้กึ่งเติบโตดีเนื่องจากมีอาหารจากธรรมชาติจำพวกสัตว์หน้าดินที่อาจเป็นอาหารเสริมสำหรับกึ่งช่วยในการเติบโตของกึ่งในบ่อดิน นอกจากนี้ความหนาแน่นในการเลี้ยงยังมีผลต่อการเติบโตด้วยดังรายงานการศึกษาของ นิเวศน์ เรืองพานิช และคณะ (2534) ที่เลี้ยงกึ่งกุลาดำในบ่อซีเมนต์ขนาด 300 ตารางเมตร เริ่มเลี้ยงที่ระยะโพสลาวา 27 ในอัตราความหนาแน่น 75 ตัวต่อตารางเมตร มีอัตราการเติบโตของน้ำหนักเฉลี่ย 27.40 กรัม ที่ระยะเวลาการเลี้ยง 110-112 วัน

5.2.2 ค่าอัตราพันธุกรรม

ค่าอัตราพันธุกรรมของกึ่งกุลาดำชุดที่ 1,2 และ 3 ตามตารางที่ 13,14 และ 15 ตามลำดับ โดยค่าอัตราพันธุกรรมมีแนวโน้มลดลงเมื่ออายุเพิ่มขึ้น ซึ่งสอดคล้องกับการศึกษาของ Benzie *et al.* (1997) ที่พบว่าค่าอัตราพันธุกรรม (h^2) ของลักษณะความยาวรวมและน้ำหนักในกึ่งกุลาดำมีค่าลดลงจาก 0.5-0.6 ที่อายุ 6 สัปดาห์ เป็น 0.3-0.4 ที่อายุ 10 สัปดาห์ และการศึกษาของ ภาวิณี พัฒนจันทร์ (2541) พบว่าค่าอัตราพันธุกรรมของลักษณะความยาวในกึ่งกุลาดำมีค่าลดลงจาก 0.15 ± 0.057 ที่อายุ 25 วัน เป็น 0.01 ± 0.014 ที่อายุ 65 วัน แนวโน้มลดลงของค่าอัตราพันธุกรรมเนื่องจากในระยะแรกมีผลของ maternal effect เช่นปริมาณไข่แดงที่ตัวอ่อนได้รับแตกต่างกันตามขนาดของแม่ที่แตกต่างกัน เป็นต้น แต่เมื่ออายุเพิ่มขึ้นผลของสิ่งแวดล้อม เช่น ปริมาณอาหารและความหนาแน่นในแต่ละถัง จึงทำให้ความแปรปรวนเนื่องจากสภาพแวดล้อมสูง มีผลให้ค่าอัตราพันธุกรรมที่คำนวณได้มีค่าลดลง เมื่อพิจารณาที่อัตราพันธุกรรมของน้ำหนักตัวของกึ่งกุลาดำชุดที่ 2 ที่อายุ 145 วัน มีค่าเท่ากับ 0.09 ± 0.032 และอัตราพันธุกรรมของความยาวของกึ่งกุลาดำชุดที่ 3 ที่อายุ 80 วัน มีค่าเท่ากับ 0.03 ± 0.037 ซึ่งมีค่าต่ำมากและผิดไปจากค่าอื่น ๆ ที่ได้โดยการนำจะมาจากการการปรับขนาดของปอที่ใช้เลี้ยงจากถึง 500 ลิตรเป็นปอขนาดความจุประมาณ 24 ลูกบาศก์เมตร ทำให้กึ่งขนาดเด็กยังคงสามารถมีชีวิตรอดอยู่ได้อันเป็นผลทำให้ค่าความแปรปรวนรวมซึ่งเมื่อวัดเป็นน้ำหนักและความยาวรวมของค่าดังกล่าวจะเพิ่มในรูปยกกำลังสามอันเป็นผลทำให้ค่าอัตราพันธุกรรมที่ประมาณได้โดยตัวแปรนี้ลดลงและแตกต่างไปจากค่าอื่น ๆ ที่ได้ แต่เมื่อเปรียบเทียบสัมประสิทธิ์ความแปรปรวน (C.V.) ของน้ำหนักและความยาวที่อายุต่าง ๆ ระหว่างกึ่งกุลาดำชุดที่ 1 และ 2 พบว่าค่า C.V. ของน้ำหนักมีค่าสูงกว่าค่า C.V. ของความยาว 46.7% และ 56.1% ในกึ่งทั้งสองชุดตามลำดับ ซึ่งค่า C.V. ที่สูงจะส่งผลดีต่อการคัดเลือกพันธุ์เนื่องจากค่า C.V. ที่สูงอาจหมายถึงกึ่งจะสามารถมีค่าส่วนต่างของการคัดเลือกได้มาก (selection differential) โอกาสที่จะพบส่วนต่างของการคัดเลือกก็มีสูงตามไปด้วย ซึ่งจะส่งผลกระทบต่อความก้าวหน้าในการคัดเลือกให้เพิ่มขึ้น และค่า C.V. ที่สูงจะสะท้อนถึงความเป็นไปได้สูงสำหรับความสำเร็จของการจัดทำโปรแกรมการคัดเลือกเช่นกัน

5.3 ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อม และทางลักษณะปรากฏ

ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อม และทางลักษณะปรากฏระหว่างความยาวและน้ำหนักของกุ้งกุลาดำชุดที่ 1 และ 2 แสดงในตารางที่ 16 ซึ่งมีค่าค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อมที่สูงและเป็นไปในทิศทางเดียวกัน ดังนั้นถ้าจะคัดเลือกลักษณะปรากฏของความยาวลักษณะปรากฏของน้ำหนักก็จะถูกคัดเลือกไปด้วยและเป็นเช่นนี้ในทุกอายุของกุ้งที่ทดลองและค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของความยาวและน้ำหนักโดยเปรียบเทียบในทุกตัวแปรโดยสมบูรณ์ของกุ้งกุลาดำชุดที่ 1, 2 และ 3 ที่อายุต่าง ๆ แสดงในตารางที่ 17, 18 และ 19 ตามลำดับ มีค่าแตกต่างกันไปตามอายุและสภาพแวดล้อมของการเลี้ยงที่แต่ต่างกันดังนั้นการพิจารณาลักษณะที่ต้องจะนำไปใช้ในการคัดพันธุ์ก็ให้ใช้ลักษณะที่อายุและสภาพการเลี้ยงนั้น ๆ เลย เช่น ในการคัดเลือกกุ้งในกุ้งชุดที่ 1 ที่อายุ 60 วันจะให้ผลเช่นเดียวกับที่อายุ 150 วัน หรือไม่ให้ดูที่ค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของความยาวคือ 0.39 และค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของน้ำหนักคือ 0.43 เมื่อคิดเป็นค่า r^2 (correlation determination) ของความยาวได้ประมาณ 15% และของน้ำหนักได้ประมาณ 18% ซึ่งสามารถคาดเดาได้ว่ากุ้งที่อายุ 60 วันจะมีความยาวและน้ำหนักเหมือนกุ้งที่อายุ 150 วัน 15% และ 18% ของความยาวและน้ำหนักโดยความสัมพันธ์ของค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรมไม่สามารถคำนวณได้เนื่องจากไม่มีจำนวนซ้ำของการทดลองและพบว่าสภาพการแก่งแย่งของกุ้งมีผลต่อการเติบโตของกุ้ง โดยกุ้งที่มีขนาดใหญ่จะคอยรบกวนการกินอาหารของกุ้งที่มีขนาดเล็กกว่าจึงทำให้กุ้งขนาดเล็กได้รับอาหารไม่เต็มที่ ทำให้การเติบโตช้า จากการศึกษาของ ธนาวุฒิ กล่าวเกลี้ยง และคณะ (2532) พบว่าอัตราความหนาแน่นมีผลต่อการเติบโตของกุ้งกุลาดำในการเลี้ยงในกระชังขนาด $2 \times 2 \times 1.5$ เมตร ปล่อยุ้งน้ำหนักเฉลี่ย 0.845 กรัม ในอัตราความหนาแน่น 50, 150 และ 250 ตัวต่อตารางเมตร เลี้ยง 111 วัน การเติบโตของน้ำหนักเฉลี่ยทั้ง 3 อัตราเลี้ยงเท่ากับ 24.14 ± 1.43 , 22.21 ± 1.02 และ 15.81 ± 0.33 กรัมตามลำดับ ซึ่งการเติบโตมีความแตกต่างกันทางสถิติ เมื่อพิจารณาค่าอัตราพันธุกรรมของความยาวที่อายุ 150 วันของกุ้งกุลาดำที่เลี้ยงในถังและในกระชังของกุ้งชุดที่ 3 มีค่าเท่ากับ 0.247 ± 0.107 และ 0.486 ± 0.162 โดยการเลี้ยงในกระชังเป็นการเลี้ยงแบบแยกเลี้ยง 1 ตัวต่อกระชัง ซึ่งเป็นสภาพการเลี้ยงที่ไม่มีการแก่งแย่ง ซึ่งสอดคล้องกับการศึกษาของ Jarayabhand (1989) ศึกษาสภาพการแก่งแย่งที่มีผลต่อค่าอัตราพันธุกรรมในการเติบโตของหอยนางรม *Ostrea edulis* โดยวิธี Fullsib analysis พบว่าในสภาพที่ไม่มีการแก่งแย่งนั้นจะมีค่าอัตราพันธุกรรมที่สูงกว่าในสภาพที่มีการแก่งแย่งคือ เท่ากับ 0.274 ± 0.143 และ 0.152 ± 0.099 ตามลำดับ สำหรับในฤดูกาลเติบโตที่ 1 และ 0.229 ± 0.0130 และ 0.060 ± 0.086 ตามลำดับ สำหรับในฤดูกาลเติบโตที่ 2 และสอดคล้องกับการ

ศึกษาของมณฑลทิวา ถาวรยุติการต์ (2537) ศึกษาในหอยนางรมปากจیب *Saccostrea cucullata* พบว่ามีอัตราพันธุกรรมประจำจีโนมต่อการเติบโตของน้ำหนักที่เลี้ยงที่ความหนาแน่น 50 ตัวต่อถุงอวน มีค่าสูงกว่าที่เลี้ยงที่ความหนาแน่น 150 ตัวต่อถุงอวน คือ เท่ากับ 0.185 และ 0.148 ตามลำดับ เมื่อประมาณค่าอัตราพันธุกรรมโดยรวมต่อการเติบโตของความกว้างเปลือกหอยตะโกรมกรามดำที่เลี้ยงในระบบรางน้ำไหลที่อายุ 150, 180 และ 210 วัน มีค่าเท่ากับ 0.34 ± 0.115 , 0.39 ± 0.121 และ 0.36 ± 0.171 ตามลำดับ ส่วนของความยาวเปลือกเท่ากับ 0.26 ± 0.079 , 0.34 ± 0.100 และ 0.33 ± 0.100 ตามลำดับ

การประมาณค่าอัตราพันธุกรรมในกึ่งกุลาดำแบบ full-sib ใช้ได้ดีในระดับหนึ่งแต่ก็ยังคงมีประเด็นที่ยังคงจะต้องมีการปรับปรุงให้มีความเหมาะสมมากยิ่งขึ้น อย่างไรก็ตามค่าอัตราพันธุกรรมของอัตราการเติบโตของกึ่งกุลาดำทั้งกลุ่มประชากรทางฝั่งอ่าวไทย (กึ่งชุดที่ 1) และฝั่งอันดามัน (ชุดที่ 2 และ 3) ที่ได้เน้นแสดงให้เห็นถึงระดับความแปรปรวนทางพันธุกรรมในกึ่งแต่ละครอบครัว (full-sib family) อย่างมีนัยสำคัญทางสถิติ (ตารางผนวกที่ 4, 5 และ 6) โดยเฉพาะในส่วนที่สามารถนำมาใช้ประโยชน์โดยการจัดให้มีโปรแกรมการคัดเลือกเพื่อการผสมพันธุ์ในลักษณะของการทำการคัดพันธุ์เพื่อเพิ่มอัตราการเติบโตของกึ่งกุลาดำได้ โดยค่าที่ได้จะอยู่ที่ประมาณ 0.2-0.24 เมื่อกึ่งอายุได้ 145-150 วันโดยใช้ความยาวซึ่งก็จัดได้ว่ามีค่าอยู่ในระดับเดียวกันกับในสัตว์น้ำโดยทั่วไป แสดงให้เห็นว่าสามารถที่จะเพิ่มประสิทธิภาพการผลิตกึ่งกุลาดำของไทยได้โดยการจัดให้มีโปรแกรมการคัดเลือกเพื่อการผสมพันธุ์ที่เหมาะสมต่อไป สำหรับค่าอัตราพันธุกรรมเมื่อวัดเป็นน้ำหนักตัวของกลุ่มประชากรจากฝั่งอันดามันที่มีค่าต่ำมากและผิดไปจากค่าที่ได้โดยการใช้ความยาวน่าจะมาจากการที่มีความพยายามในการปรับขนาดของบ่อที่ใช้เลี้ยงจาก 500 ลิตรเป็นบ่อขนาดความจุประมาณ 24 ลูกบาศก์เมตร ทำให้กึ่งขนาดเล็กยังคงสามารถมีชีวิตรอดอยู่ได้ อันเป็นผลทำให้ค่าความแปรปรวนรวมซึ่งเมื่อวัดเป็นน้ำหนักตัวดังกล่าวจะเพิ่มในรูปยกกำลังสามอันเป็นผลทำให้ค่าอัตราพันธุกรรมที่ประมาณได้โดยตัวแปรนี้ลดลงและแตกต่างไปจากค่าอื่น ๆ ที่ได้ เมื่อพิจารณาถึงค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของกึ่งกุลาดำครอบครัวต่าง ๆ ที่อายุต่าง ๆ กัน สำหรับประชากรกึ่งจากฝั่งอ่าวไทยทำให้สรุปได้ว่าลักษณะปรากฏเมื่อวัดเป็นความยาวและน้ำหนักตัวของกึ่งที่อายุต่าง ๆ กันจะมีค่าสหสัมพันธ์ลดลงเมื่อกึ่งมีอายุเพิ่มขึ้น ซึ่งก็หมายความว่าลักษณะปรากฏที่ใช้ได้ดีที่สุดในการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมควรเป็นที่ เป็นขนาดตลาด ได้แก่ ขนาดของกึ่งเมื่อมีอายุได้ 145-150 วัน จะเห็นได้ว่ามีขนาดเล็กมากเมื่อเทียบกับขนาดที่ได้ในระบบการผลิตจริงซึ่งเป็นเรื่องที่ควรมีการแก้ไขในระบบการเลี้ยงต่อไป

บทที่ 6

สรุปผลการศึกษา

6.1 การติดเครื่องหมายกึ่งกลาดำ

จากผลการศึกษาถึงผลของวัสดุที่ทำจากสายเคเบิลโทรศัพท์นำมาใช้ในการจัดทำเครื่องหมาย เพื่อใช้สำหรับวางแผนการเก็บข้อมูลและการเลี้ยงกึ่งกลาดำ พบว่าเครื่องหมายมีผลต่ออัตราการรอดตายของกึ่งที่มีขนาดแตกต่างกันในการศึกษากับกึ่งชุดที่ 1 โดยกึ่งที่มีความยาวเฉลี่ย 5.53 เซนติเมตร (ขนาดเล็ก) มีอัตราการรอดตาย 23.33% และกึ่งที่มีความยาวเฉลี่ย 9.02 เซนติเมตร (ขนาดใหญ่) มีอัตราการรอดตาย 55% แต่ในการศึกษาในกึ่งชุดที่ 2 นำกึ่งที่มีขนาดความยาวเฉลี่ย 10.41 เซนติเมตร มาติดเครื่องหมายและเลี้ยงเปรียบเทียบกับกลุ่มที่ไม่ติดเครื่องหมาย มีอัตราการเติบโตของความยาว 15.095 ± 1.412 เซนติเมตร ของกลุ่มที่ติดเครื่องหมาย และ 15.36 ± 1.571 เซนติเมตร ของกึ่งกลุ่มที่ไม่ติดเครื่องหมาย มีอัตราการรอดตาย 32.22% ของกลุ่มที่ติดเครื่องหมาย และ 33.89% ของกึ่งกลุ่มที่ไม่ติดเครื่องหมายซึ่งไม่แตกต่างกัน ดังนั้นเครื่องหมายไม่มีผลต่อการเติบโตและอัตราการรอดตาย

6.2 การประมาณค่าอัตราพันธุกรรม

จากการศึกษาการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมต่อการเติบโตของกึ่งกลาดำโดยวิธี full-sib analysis สรุปผลการศึกษาได้ดังนี้

6.2.1 ค่าอัตราพันธุกรรมของกึ่งกลาดำชุดที่ 1 เป็นค่าที่เป็นไปตามทฤษฎีคือเมื่ออายุมากขึ้น ค่าอัตราพันธุกรรมลดลงเนื่องจากความแปรปรวนจากสภาพแวดล้อมสูงมีผลให้ค่าอัตราพันธุกรรมที่คำนวณได้ลดลง

6.2.2 ค่าอัตราพันธุกรรมของกึ่งกลาดำชุดที่ 2 มีค่าอัตราพันธุกรรมของความยาว 0.30 ± 0.075 และ 0.20 ± 0.056 ที่อายุ 45 และ 145 วัน และอัตราพันธุกรรมของน้ำหนักตัว 0.09 ± 0.032 ที่อายุ 145 วัน โดยอัตราพันธุกรรมของน้ำหนักตัวที่อายุ 145 วัน สำหรับค่าอัตราพันธุกรรมเมื่อวัดเป็นน้ำหนักที่อายุ 145 วันมีค่าต่ำมากและผิดไปจากค่าที่ได้โดยการให้ความยาวน่าจะมาจากการการปรับขนาดของบ่อที่ใช้เลี้ยงจากถัง 500 ลิตรเป็นบ่อขนาดความจุประมาณ 24 ลูกบาศก์

เมตร ทำให้กึ่งขนาดเล็กลงยังสามารถมีชีวิตรอดอยู่ได้อันเป็นผลทำให้ค่าความแปรปรวนรวมซึ่งเมื่อวัดเป็นน้ำหนักค่าดังกล่าวจะเพิ่มในรูปยกกำลังสามอันเป็นผลทำให้ค่าอัตราพันธุกรรมที่ประมาณได้โดยตัวแปรนี้ลดลงและแตกต่างไปจากค่าอื่น ๆ ที่ได้

6.2.3 ค่าอัตราพันธุกรรมของกึ่งกุลาดำชุดที่ 3 ค่าอัตราพันธุกรรมของความยาวเท่ากับ 0.32 ± 0.118 , 0.03 ± 0.037 , 0.25 ± 0.107 และ 0.49 ± 0.162 เซนติเมตร ที่อายุ 40 วัน, 80 วัน 150 วัน (เลี้ยงในถัง) และ 150 วัน (เลี้ยงในกระชัง) ตามลำดับ ค่าอัตราพันธุกรรมของความยาวที่อายุ 150 วันของกึ่งที่เลี้ยงในถังมีค่าต่ำกว่าการเลี้ยงในกระชังเพราะสภาพการแก่งแย่งที่มีผลต่อค่าอัตราพันธุกรรม

6.3 ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อม และทางลักษณะปรากฏ

ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อม และทางลักษณะปรากฏระหว่างความยาวและน้ำหนักมีค่าสูงและเป็นไปในทิศทางเดียวกัน ดังนั้นถ้าจะคัดเลือกลักษณะปรากฏของความยาวลักษณะปรากฏของน้ำหนักก็จะถูกคัดเลือกไปด้วยและค่าสหสัมพันธ์ของลักษณะปรากฏของความยาวและน้ำหนักโดยเปรียบเทียบในทุกตัวแปรโดยสมบูรณ์มีค่าแตกต่างกันไปตามอายุและสภาพแวดล้อมของการเลี้ยงที่แต่ต่างกันดังนั้นการพิจารณาลักษณะที่ต้องจะนำไปใช้ในการคัดพันธุ์ก็ให้ซ้ลักษณะที่อายุและสภาพการเลี้ยงนั้น ๆ

ข้อเสนอแนะ

1 จากการศึกษาคู่มือของเครื่องหมายชนิดติดภายในจะพบว่า มีข้อจำกัดสำหรับขนาดของกึ่งที่เหมาะสมจึงควรปรับขนาดของเครื่องหมายและวัสดุอื่นมาใช้เพื่อให้การติดเครื่องหมายสามารถใช้ได้กับกึ่งที่มีขนาดเล็กได้

2 การประมาณค่าอัตราพันธุกรรมเพื่อใช้ในการปรับปรุงการเติบโตของกึ่งกุลาดำน่าจะมีการนำไปใช้กับระบบการเลี้ยงกึ่งที่ทำกันอยู่โดยเกษตรกรทั่วไป (การเลี้ยงในบ่อดิน) เนื่องจากอัตราการเติบโตในการในสภาพที่ศึกษาแตกต่างจากสภาพการเลี้ยงในบ่อดินมาก ดังนั้นจึงมีผลต่ออัตราพันธุกรรมที่ประมาณได้และจะส่งผลกระทบต่อความเปลี่ยนแปลงของการตอบสนองต่อการคัดเลือกด้วย

3 ในการเลี้ยงกึ่งกุลาดำจากขนาดตลาด(อายุประมาณ 4 เดือน) ไปเป็นกึ่งขนาดที่ใช้เป็นพ่อแม่พันธุ์และการทำให้แม่พันธุ์มีไข่แก่โดยไม่ต้องตัดก้านตา ยังมีการศึกษาน้อยเพราะใช้ระยะเวลาและใช้ต้นทุนสูง จึงควรทำการศึกษารองนี้ไปพร้อมกับการปรับปรุงพันธุ์

รายการอ้างอิง

ภาษาไทย

- กรมประมง. 2530. การเพาะขยายพันธุ์กุ้งทะเล. กรุงเทพมหานคร:กรมประมง. 43 หน้า.
- คณิต ไชยาคำ, ก่อเกียรติ กุลแก้ว, นาวุฒิ กล่าวเกลี้ยง, วาลูกา กฤตรัชตนันต์ และ ธวัชชัย ทองน้อย. 2541. การเลี้ยงกุ้งกุลาดำเพื่อเป็นพ่อแม่พันธุ์ในบ่อดินที่จังหวัดสตูล. สตุล:ศูนย์พัฒนาการเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำชายฝั่งสตูล กองเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำชายฝั่ง, กรมประมง. 22 หน้า.
- ทรงชัย สหวัชรินทร์ และประชิด พงศ์สุวรรณ. 2519. การศึกษาชีววิทยาบางประการของกุ้งก้ามกรามในทะเลสาบสงขลาโดยการติดเครื่องหมาย. การประชุมปฏิบัติการระบบนิเวศวิทยาของทรัพยากรธรรมชาติป่าชายเลน ครั้งที่ 1, 10-5 ม.ค. หน้า 507-513 : ศูนย์ชีววิทยาทางทะเล,ภูเก็ต.
- ธนาวุฒิ กล่าวเกลี้ยง, ปิยะ จุฬาวิทยานุกุล, สมบูรณ์ หลาวประเสริฐ, อัมพร โพธิยา. 2532. การเลี้ยงกุ้งกุลาดำในกระชังด้วยอัตราหนาแน่นต่าง ๆ กันในคลองตากใบ จังหวัดนราธิวาส. เอกสารวิชาการ. ฉบับที่ 1/2532. นราธิวาส:สถานีประมงน้ำจืด,กรมประมง. 22 หน้า.
- นิเวศน์ เรืองพานิช, สุพจน์ จึงแย้มปิ่น,เจนจิตต์ คงกำเนิด และ เรณู ยาชิโร. 2534. การทดลองเลี้ยงกุ้งกุลาดำในบ่อซีเมนต์. เอกสารวิชาการ, ฉบับที่ 4/2534. สงขลา:สถาบันวิจัยการเพาะเลี้ยงสัตว์น้ำชายฝั่ง, กรมประมง. 20 หน้า
- บังอร ศรีมุกดา และ เตรียม ธิสาเวทย์. 2527. เทคนิคการอนุบาลลูกกุ้งกุลาดำ. เอกสารวิชาการ, ฉบับที่ 3/2527. กรุงเทพมหานคร:สถาบันประมงน้ำจืดแห่งชาติ, กรมประมง. 20 หน้า
- เผด็จศักดิ์ จารยะพันธุ์, อัญชลี ทศนาขจร, ศิราวุธ กลิ่นบุหงา และ เปี่ยมศักดิ์ เมนะเศเวต. 2543. ทำเนียบธุรกิจสัตว์น้ำ อาหารสัตว์น้ำ และอุปกรณ์สำหรับสัตว์น้ำ. กรุงเทพมหานคร, สถาบันวิจัยทรัพยากรทางน้ำจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย. หน้า 26.
- ฝ่ายสถิติและสารสนเทศการประมง. 2541. สถิติผลผลิตกุ้งทะเลของประเทศไทยปีพ.ศ. 2540. กองเศรษฐกิจการประมง. 37 หน้า.

- ภาวิณี พัฒนจันทร์. 2541. การประมาณค่าถ่ายทอดพันธุกรรมในอัตราการเติบโตของกุ้ง
 กุ้งดำ *penaeus monodon* Fabricius, 1798. วิทยานิพนธ์ปริญญาโทมหาบัณฑิต สาขา
 วิชาเทคโนโลยีทางชีวภาพ หลักสูตรเทคโนโลยีทางชีวภาพ บัณฑิตวิทยาลัย. จุฬาลงกรณ์
 มหาวิทยาลัย.
- มณฑิรา ถาวรยุคิการต์. 2537. การประเมินค่าอัตราพันธุกรรมประจำศตวรรษต่อการเติบโตของ
 หอยนางรมปากจีบ (*Saccostrea cucullata*) วิทยานิพนธ์ปริญญาโทมหาบัณฑิตภาค
 วิชาวิทยาศาสตร์ทางทะเล บัณฑิตวิทยาลัยจุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย.
- เรณู ยาชิโร และ สมิง ทรงถาวรทวี. 2539. การเลี้ยงกุ้งกุลาดำ สำหรับเป็นพ่อแม่พันธุ์โดยวิธีลด
 ความหนาแน่นและย้ายบ่อ. เอกสารวิชาการ. ฉบับที่ 14/2539. สงขลา:สถานีวิจัยการ
 เพาะเลี้ยงสัตว์น้ำชายฝั่ง, กรมประมง. 9 หน้า.
- วริยา สรรคชา. 2543. ข้าวเกาะสถานการณ์. นิตยสารประมงธุรกิจ. 2(13):11-13.
- วัลลภ คงเพิ่มพูน, 2532. กุ้งกุลาดำ. โครงการหนังสือเกษตรชุมชน. 136 หน้า.
- สมชัย จันทร์สว่าง. 2530. กรมปรับปรุงพันธุ์สัตว์. กรุงเทพมหานคร: ภาควิชาสัตวบาล
 คณะเกษตร มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์. 512 หน้า.
- สมภพ รุ่งสภา. 2534. การพัฒนาเครื่องหมายสำหรับติดตามกุ้งทะเลจากวัสดุราคาถูก ใน
 เปี่ยมศักดิ์ เมนะเศวต และคณะ (บรรณาธิการ), ประมาณประชุมวิชาการเรื่อง
 ทรัพยากรสิ่งมีชีวิตทางน้ำ ครั้งที่ 3. 17-18 ม.ค. หน้า 494-505. จุฬาลงกรณ์
 มหาวิทยาลัย; กรุงเทพมหานคร.
- สุภัทรา อุไรวรรณ. 2533. พันธุศาสตร์ปริมาณกับการปรับปรุงพันธุ์สัตว์น้ำ. วารสารการประมง 43
 (4):187-195.
- สุภัทรา อุไรวรรณ. 2543. แนวทางการวิจัยและพัฒนาเพื่อปรับปรุงประสิทธิภาพการเพาะเลี้ยง
 สัตว์น้ำของไทย โดยวิธีทางพันธุศาสตร์ปริมาณ. ปทุมธานี: สถาบันวิจัยและพัฒนาพันธุ
 กรรมสัตว์น้ำ, กรมประมง. 111 หน้า.
- อนันต์ ต้นสุตะพานิช, สุนิช ทองรอด, ธัญญ์ สังกรธนกิจ และ อารี จันทร์นาค. 2538 การ
พัฒนารูปแบบและวิธีการอนุบาลลูกกุ้งกุลาดำระบบปิด. เอกสารวิชาการ, ฉบับที่
 26/2538. กรุงเทพมหานคร : กรมประมง. 10 หน้า.

อุทัยรัตน์ ณ นคร. 2538. พันธุศาสตร์สัตว์น้ำ. นครปฐม : โรงพิมพ์ศูนย์ส่งเสริมและอบรม
การเกษตรแห่งชาติ สำนักส่งเสริมและฝึกอบรม มหาวิทยาลัยเกษตรศาสตร์วิทยา
เขตกำแพงแสน. 248 หน้า.

ภาษาอังกฤษ

- Anderson, I. 1993. The Veterinary approach to marine parwns. In Brown (ed.),
Aquaculture for Veterinarians : Fish husbandry ad maducine, ouford:Pergamon
Press, PP 271–290.
- Aquacop. 1983. Constitution of broods stock, maturation, spawning and hatching
systems for the Penaeid shrimp in the center oceanologique de pacifique. In
McVey, J.P. (ed.), CRC handbook of mariculture. Vol 1: Crustacean aquaculture,
pp. 105-122. Florida, U.S.A.: CRC Press.
- Becker, W.A. 1992. Manual of Procedures in Quantitative Genetics Program in
genetics. Washington D.C.:Washington State University, Pullman. 130 pp.
- Benzie, J.A. H, Frusher, S.D., Kenway, M., and Trott, L. 1995 Utility of streamer tags
to assess survival and growth of juvenile Tiger prawn (*Penaeus monodon*)
in aquaculture environments. Aquaculture. 136: 57–69.
- Benzie, J.A.H., Kenway, M., and Trotl,.L. 1997 Estimates for the heritability of size
in juvenile *Peanaeus monodon* prawns from half-sib matings. Aquaculture. 152:
49–53.
- Bergman, P.K., Haw, F., and Blankenship, HI. And Buckley, R.M. 1992
Perspectives on design, Use and misuse of fish tags. Fisheries 17(4):20–25.
- Brett, J.R. 1979. Enviromental factors and growth. In:W.S. Hoar, D.J. randall and
J.R. Brett (eds.). Fish Physiology. 8:599–667.
- Doyle, R.W. 1983. An approach to the quantitative analysis of domestication selection in
aquaculture. Aquaculture 33:167–185.

- Doyle, R.W., Sinaholka, S and New, M.B., 1983. Indirect for genetic change, a quantitative analysis illustrated with *Macrobrachium reosenbregii*. Aquaculture, 30:237–247.
- Eknath, A.E. and R.W. Doyle. 1985. Indirect selection for growth and life–history traits in Indian carp culture. 1. Effects of brood stock management. Aquaculture, 49:73–84.
- Falconer, D.S. 1989. Introduction to Quantitative genetic. 3rd. London : longman Inc. 340 pp.
- Gjederm, T. 1983. Genetic variation in quantitative traits and selective in fish and shellfish. Aquaculture, 33:359–418.
- Godin, D.M., Carr, W.H., Hagino, G., Segvre F, Sweeney, J.N., and Blankenship, L. 1996. Evaluation of a fluorescent elastomer internal tag in juvenile and adult shrimp *Penaeus vanamei*. Aquaculture, 139: 243-248.
- Hill, B.J, and Hassenberg, T.J. 1985. A laboratory study of the effect of streamer tag on mortality, growth; molting and duration of nocturnal emergence of the Tiger prawn (*Penaeus esculentus* Haswell.). Fish. Res. 3: 233–235.
- Holt, B. 1982. Short term mortality of tagged shrimp during field tagging experiments. NDAA technical Memorandum. NMFS–S EFC–97. 11 pp.
- Howe, N.R., and Hoyt, P.R. 1982. Mortality of juvenile Brown Shrimp. *Penaeus aztecus* associated with Streamer tags. Trans. Amer. Fish Soc 111: 317–325.
- Jarayabhand, P. 1989 An Investigation of factors Associated with Growth Performance of Hatchery–produced Stocks of the European Flat, *Ostrea edulis* Linne. Growth in a Suspended system. Doctor of Philosophy, Graduate studies, Delft University.
- Klar, G.T, and Parker, N.C. 1986. Marking fingerling Striped Bass and Blue Tilapia with coded wire tags and microtaggants. North American Journal of Fisheries Management. 6:439–444.

- Linnane, A., and Mercer, J.P. 1998. A. Comparison of methods for tagging juvenile lobsters (*Homarus gammarus* L.) Reared for Stock. Enhancement. Aquaculture. 163:195–202.
- Mahon, G.A.T. 1983 Selection goal in oyster breeding. Aquaculture. 33:141–148
- Malecha, S. 1983. Crustacean genetics and breeding : An overview. Aquaculture. 33:395–413.
- Malecha, S.R. Masuno, S., and Onisuka, D. 1984. The feasibility of measuring the heritability of growth pattern variation on juvenile Fresh water prawns *Macrobrachium rosenbergii* Aquaculture 88:347–363.
- Meewan, M. 1993. Morphological in heritability and growth of giant freshwater Prawns. Progress Report of Fish Genetic (Thailand) Project Phase III. Submitted to internal Development Research Center:36–64.
- Motoh, H. 1985. Biology and ecology of *Penaeus monodon*. In Itaki, Y., Primavera, J.H. and hlobrera, J.A. (eds.), Proc. 1 st Int. Cof.on Culture of Penaeid Prawns/Shrimps. Lloilo City, Philippines, SEAFDEC Aquaculture Department, PP 27–36.
- Nielsen, L.A. 1992. Methods of marking fish and Shellfish. American Fisheries society Special Publication 23:208 pp.
- Primavera, J.H. 1979. Sugo (*Penaeus monodon*). Aqua-Guide. Series no. 1. Philippines: Aquaculture Dept., SEAFDEC. 3-5 PP.
- Rice, V.A. 1970. Breeding and Improvement of Farm Animal. McGraw-Hill Book Co., New York. 477 pp.
- Schmalbach, A.E., Quackenbush, L. S., and Melinek, R. 1994. Amethod of tagging the Malaysian prawn *Macrobranchium rossbergii* . Aquaculture. 122: 147–159.
- Sokal, R.R. and Rohlt, F.J. 1969. Biometry : The principles and practice of statistics in biological research. San Fanciso : W.H. Freeman and Company. 776 pp.
- Sokal, R.R. and Rohlt, F.J. 1981. Biometry. 2nd. Ed. W.H. Freeman and Company. New York 859 pp.

- Sriputinibondh, N., 1988. Genetic Optimization of Nile Tilapia and Common Carp Brood stock Management Techniques in Northeast Thailand. M.Sc. Thesis, No. AE_88 – 31. Asian Institute of technology. Bangkok, Thailand. 89 pp.
- Tave, D. 1993. Genetics for fish hatchery managers. 2nd.ed. New York:AVI Publishing Co., Inc. 415 pp.
- Teboul, D. 1993. Internal monofilament tags used to identify juvenile *Penaeus Monodon*: tag retention and effect on growth and survival. Aquaculture. 113: 167–170.
- Urner Barry Publications, Inc. 1997. <http://www.urnerbarry.com/lithographs/penaeus.Htm> (internet). New Jersey, U.S.A.:Urner Barry Publications, Inc.
- Wilkinson, L. 1987. SYSTAT. The system for statistics. Evan son, IL: stat, Inc. 1986. And 1987.
- Wongsaengchan, A. 1985. Brood stock selection and management study. Technical paper in Fish genetics (Thailand) IDRC Project. Department of Fisheries, Bangkok, Thailand. 33 pp.

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย



ภาคผนวก

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ภาคผนวก ก องค์ประกอบความแปรปรวนของการทดสอบเครื่องหมายกึ่งกุลาดำ

ตารางผนวกที่ 1 การวิเคราะห์ความแปรปรวนและองค์ประกอบความแปรปรวนของขนาดกึ่งที่นำ
มาติดเครื่องหมาย

| Source of Variation | Df | Sum of square | Mean square | F-Ratio | P |
|---------------------|----|---------------|-------------|---------|-------|
| ขนาดกึ่ง | 1 | 0.187 | 0.187 | 7.490 | 0.052 |
| ความคลาดเคลื่อน | 4 | 0.100 | 0.025 | | |

ตารางผนวกที่ 2 การวิเคราะห์ความแปรปรวนและองค์ประกอบความแปรปรวนของกึ่งที่นำ
มาติดเครื่องหมาย

| Source of Variation | Df | Sum of square | Mean square | F-Ratio | P |
|---------------------|----|---------------|-------------|---------|-------|
| การติดเครื่องหมาย | 1 | 0 | 0 | 0.056 | 0.824 |
| ความคลาดเคลื่อน | 4 | 0.029 | 0.007 | | |

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ภาคผนวก ข อัตราการเติบโตของกุ้งกุลาดำ



สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ตารางผนวกที่ 3 ความยาวเฉลี่ยของกุ้งกุลาดำชุดที่ 1 จำแนกตามครอบครัวที่อายุต่าง ๆ

| Fs | อายุ 30 วัน | | | อายุ 60 วัน | | | อายุ 90 วัน | | | อายุ 120 วัน | | | อายุ 150 วัน | | | อายุ 200 วัน | | |
|----|-------------|-------|-----|-------------|-------|-----|-------------|-------|-----|--------------|-------|-----|--------------|-------|-----|--------------|-------|-----|
| | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) |
| 1 | 1.40 | 1.396 | 50 | 3.40 | 0.695 | 50 | 5.62 | 0.976 | 50 | 7.32 | 1.621 | 50 | 9.70 | 1.296 | 50 | 9.77 | 1.296 | 30 |
| 2 | 1.80 | 1.796 | 50 | 3.08 | 0.554 | 50 | 5.23 | 0.787 | 50 | 6.32 | 0.969 | 50 | 8.38 | 1.439 | 33 | 10.26 | 1.635 | 16 |
| 3 | 0.95 | 0.954 | 50 | 3.12 | 0.435 | 50 | 5.05 | 0.629 | 50 | 6.66 | 1.216 | 50 | 8.11 | 1.507 | 50 | 10.20 | 1.637 | 33 |
| 4 | 1.09 | 1.088 | 50 | 3.16 | 0.502 | 50 | 5.21 | 0.955 | 50 | 7.42 | 1.402 | 50 | 9.53 | 1.496 | 40 | 11.28 | 1.545 | 13 |
| 5 | 1.04 | 1.035 | 50 | 3.07 | 0.556 | 50 | 5.11 | 0.713 | 50 | 6.76 | 1.052 | 50 | 8.55 | 1.012 | 50 | 10.83 | 1.201 | 38 |
| 6 | 1.87 | 1.874 | 50 | 3.46 | 0.691 | 50 | 5.75 | 0.799 | 50 | 7.19 | 1.243 | 50 | 9.10 | 1.328 | 50 | 10.80 | 1.300 | 31 |
| 7 | 1.40 | 1.403 | 50 | 2.75 | 0.376 | 50 | 4.67 | 0.778 | 50 | 6.24 | 1.159 | 50 | 8.44 | 1.339 | 50 | 9.86 | 1.503 | 10 |
| 8 | 1.62 | 1.623 | 50 | 2.90 | 0.320 | 50 | 4.91 | 0.561 | 50 | 6.59 | 1.008 | 50 | 8.22 | 1.390 | 50 | 9.92 | 1.166 | 14 |
| 9 | 1.79 | 1.791 | 50 | 2.83 | 0.381 | 50 | 4.96 | 0.716 | 50 | 6.51 | 0.909 | 50 | 8.69 | 1.409 | 50 | 10.68 | 1.022 | 17 |
| 10 | 1.55 | 1.550 | 50 | 3.87 | 0.864 | 50 | 6.37 | 1.247 | 50 | 8.22 | 1.351 | 50 | 10.70 | 0.946 | 5 | 12.60 | - | 1 |
| 11 | 1.47 | 1.465 | 50 | 3.32 | 0.554 | 50 | 4.80 | 0.769 | 50 | 6.06 | 0.938 | 50 | 7.55 | 0.953 | 50 | 10.01 | 1.417 | 37 |
| 12 | 1.19 | 1.186 | 50 | 3.11 | 0.610 | 50 | 4.38 | 0.820 | 50 | 6.09 | 1.176 | 50 | 7.91 | 1.755 | 36 | 9.58 | 1.812 | 14 |
| 13 | 1.55 | 1.545 | 50 | 2.79 | 0.431 | 50 | 4.48 | 0.923 | 50 | 6.58 | 0.826 | 50 | 9.30 | 1.033 | 50 | 11.09 | 1.613 | 27 |
| 14 | 0.95 | 0.950 | 50 | 2.47 | 0.404 | 50 | 4.87 | 0.678 | 50 | 6.22 | 1.118 | 50 | 8.81 | 1.206 | 50 | 10.38 | 1.523 | 26 |
| 15 | 1.06 | 1.056 | 50 | 2.89 | 0.516 | 50 | 4.98 | 0.653 | 50 | 6.61 | 0.977 | 50 | 8.28 | 0.978 | 50 | 9.72 | 1.377 | 47 |
| 16 | 1.55 | 1.554 | 50 | 3.04 | 0.481 | 50 | 4.81 | 0.684 | 50 | 6.60 | 0.865 | 50 | 8.43 | 1.047 | 50 | 9.59 | 1.198 | 34 |
| 17 | 0.81 | 0.814 | 50 | 2.76 | 0.502 | 50 | 4.69 | 0.665 | 50 | 6.26 | 1.154 | 50 | 7.96 | 1.159 | 50 | 9.90 | 0.947 | 30 |
| 18 | 1.18 | 1.175 | 50 | 2.99 | 0.767 | 50 | 5.04 | 1.074 | 50 | 6.45 | 0.873 | 50 | 8.18 | 1.139 | 50 | 9.16 | 1.239 | 31 |
| 19 | 0.90 | 0.898 | 50 | 3.09 | 0.490 | 50 | 5.14 | 0.672 | 50 | 6.98 | 0.877 | 50 | 8.95 | 1.394 | 50 | 9.25 | 1.721 | 24 |
| 20 | 1.76 | 1.756 | 50 | 3.02 | 0.369 | 50 | 5.10 | 0.842 | 50 | 6.80 | 1.239 | 50 | 8.89 | 1.571 | 50 | 10.02 | 1.367 | 30 |

ตารางผนวกที่ 3 (ต่อ) ความยาวเฉลี่ยของกุ้งกุลาดำชุดที่ 1 จำแนกตามครอบครัวที่อายุต่าง ๆ

| Fs | อายุ 30 วัน | | | อายุ 60 วัน | | | อายุ 90 วัน | | | อายุ 120 วัน | | | อายุ 150 วัน | | | อายุ 200 วัน | | |
|----|-------------|-------|-----|-------------|-------|-----|-------------|-------|-----|--------------|-------|-----|--------------|-------|-----|--------------|-------|-----|
| | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) |
| 21 | 0.94 | 0.938 | 50 | 2.74 | 0.512 | 50 | 5.25 | 0.793 | 50 | 6.74 | 1.049 | 50 | 9.18 | 1.141 | 50 | 10.84 | 1.395 | 23 |
| 22 | 0.77 | 0.769 | 50 | 2.77 | 0.716 | 50 | 5.35 | 0.973 | 50 | 6.71 | 1.027 | 50 | 8.45 | 0.864 | 50 | 9.43 | 1.271 | 49 |
| 23 | 1.42 | 1.419 | 50 | 3.45 | 0.896 | 50 | 5.70 | 1.189 | 50 | 7.14 | 1.293 | 50 | 8.52 | 1.523 | 50 | 10.28 | 1.475 | 32 |
| 24 | 1.14 | 1.140 | 50 | 2.83 | 0.708 | 50 | 4.83 | 0.940 | 50 | 5.85 | 1.082 | 50 | 7.88 | 1.648 | 50 | 9.56 | 1.767 | 32 |
| 25 | 1.27 | 1.271 | 50 | 3.21 | 0.430 | 50 | 4.95 | 0.661 | 50 | 6.49 | 0.805 | 50 | 8.90 | 0.948 | 50 | 10.14 | 1.184 | 47 |
| 26 | 0.83 | 0.832 | 50 | 3.23 | 0.607 | 50 | 5.17 | 0.888 | 50 | 5.92 | 1.023 | 50 | 8.42 | 1.357 | 50 | 10.23 | 1.665 | 22 |
| 27 | 1.27 | 1.266 | 50 | 3.28 | 0.664 | 50 | 4.98 | 0.694 | 50 | 6.81 | 0.769 | 50 | 8.98 | 0.931 | 48 | 10.44 | 0.769 | 23 |
| 28 | 1.58 | 1.576 | 50 | 2.98 | 0.440 | 50 | 4.65 | 0.739 | 50 | 6.12 | 0.949 | 50 | 8.02 | 1.597 | 50 | 11.01 | 1.258 | 14 |
| 29 | 0.85 | 0.851 | 50 | 2.73 | 0.576 | 50 | 5.16 | 0.683 | 50 | 6.43 | 0.963 | 50 | 7.90 | 1.707 | 29 | 10.50 | 1.236 | 48 |
| 30 | 1.26 | 1.259 | 50 | 2.70 | 0.476 | 50 | 4.82 | 1.001 | 50 | 6.30 | 1.050 | 50 | 8.34 | 1.075 | 50 | 10.96 | 1.278 | 10 |
| 31 | 1.13 | 1.131 | 50 | 3.00 | 0.466 | 50 | 4.87 | 0.709 | 50 | 6.21 | 0.916 | 50 | 8.35 | 1.451 | 30 | 10.26 | 1.432 | 47 |
| 32 | 0.70 | 0.696 | 50 | 2.80 | 0.465 | 50 | 5.26 | 0.955 | 50 | 6.64 | 0.871 | 50 | 9.13 | 1.175 | 50 | 10.79 | 1.245 | 30 |
| 33 | 0.84 | 0.835 | 50 | 2.65 | 0.549 | 50 | 5.29 | 0.915 | 50 | 6.40 | 1.208 | 50 | 8.80 | 1.795 | 43 | 10.40 | 1.77 | 10 |
| 34 | 1.00 | 1.002 | 50 | 2.94 | 0.501 | 50 | 5.15 | 0.774 | 50 | 7.00 | 0.857 | 50 | 9.08 | 1.231 | 50 | 10.60 | 1.328 | 29 |
| 35 | 0.97 | 0.971 | 50 | 3.20 | 0.575 | 50 | 5.32 | 0.958 | 50 | 6.73 | 1.191 | 50 | 8.53 | 1.466 | 50 | 9.44 | 1.507 | 11 |
| 36 | 0.76 | 0.760 | 50 | 2.57 | 0.470 | 50 | 4.86 | 0.766 | 50 | 6.28 | 0.838 | 50 | 8.21 | 1.316 | 46 | 10.06 | 1.341 | 16 |
| 37 | 1.14 | 1.144 | 50 | 2.64 | 0.592 | 50 | 4.91 | 1.032 | 50 | 6.04 | 1.224 | 50 | 8.06 | 1.946 | 35 | 10.56 | 1.218 | 7 |
| 38 | 1.25 | 1.253 | 50 | 2.52 | 0.435 | 50 | 4.85 | 0.763 | 50 | 6.61 | 0.696 | 50 | 8.83 | 0.999 | 50 | 10.92 | 1.153 | 31 |
| 39 | 1.20 | 1.204 | 50 | 3.26 | 0.565 | 50 | 4.85 | 0.656 | 50 | 5.92 | 1.266 | 50 | 7.77 | 1.205 | 50 | 10.25 | 1.765 | 25 |
| 40 | 0.79 | 0.789 | 50 | 2.56 | 0.539 | 50 | 4.92 | 0.895 | 50 | 6.68 | 1.242 | 50 | 7.61 | 1.354 | 50 | 8.24 | 1.138 | 61 |

ตารางผนวกที่ 4 น้ำหนักเฉลี่ยของกุ้งกุลาดำชุดที่ 1 จำแนกตามรอบครีวที่อายุต่าง ๆ

| Fs | อายุ 60 วัน | | | อายุ 90 วัน | | | อายุ 120 วัน | | | อายุ 150 วัน | | | อายุ 200 วัน | | |
|----|-------------|-------|-----|-------------|-------|-----|--------------|-------|-----|--------------|-------|-----|--------------|-------|-----|
| | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) |
| 1 | 0.22 | 0.141 | 50 | 1.14 | 0.598 | 50 | 3.35 | 1.682 | 50 | 7.36 | 3.177 | 50 | 7.74 | 2.769 | 30 |
| 2 | 0.15 | 0.083 | 50 | 0.82 | 0.378 | 50 | 1.98 | 0.977 | 50 | 4.80 | 2.713 | 33 | 8.59 | 3.84 | 16 |
| 3 | 0.15 | 0.061 | 50 | 0.74 | 0.281 | 50 | 2.49 | 1.552 | 50 | 4.47 | 2.516 | 50 | 7.44 | 3.849 | 33 |
| 4 | 0.16 | 0.085 | 50 | 0.90 | 0.487 | 50 | 3.40 | 2.065 | 50 | 7.38 | 3.761 | 40 | 10.73 | 4.717 | 13 |
| 5 | 0.14 | 0.078 | 50 | 0.78 | 0.415 | 50 | 2.43 | 1.201 | 50 | 4.92 | 1.834 | 50 | 8.80 | 2.669 | 38 |
| 6 | 0.23 | 0.149 | 50 | 1.17 | 0.505 | 50 | 3.07 | 1.546 | 50 | 6.23 | 2.819 | 50 | 10.71 | 3.741 | 31 |
| 7 | 0.09 | 0.049 | 50 | 0.60 | 0.291 | 50 | 2.03 | 1.168 | 50 | 5.12 | 2.337 | 50 | 7.91 | 4.309 | 10 |
| 8 | 0.12 | 0.046 | 50 | 0.70 | 0.269 | 50 | 2.18 | 1.135 | 50 | 4.63 | 2.422 | 50 | 8.34 | 2.599 | 14 |
| 9 | 0.11 | 0.062 | 50 | 0.71 | 0.308 | 50 | 2.08 | 0.879 | 50 | 5.51 | 2.363 | 50 | 9.57 | 2.627 | 17 |
| 10 | 0.33 | 0.186 | 50 | 1.69 | 1.025 | 50 | 4.52 | 2.129 | 50 | 10.17 | 3.021 | 5 | 14.39 | - | 1 |
| 11 | 0.19 | 0.105 | 50 | 0.63 | 0.283 | 50 | 1.77 | 0.784 | 50 | 3.41 | 1.398 | 50 | 8.54 | 3.855 | 37 |
| 12 | 0.16 | 0.102 | 50 | 0.52 | 0.304 | 50 | 1.90 | 1.101 | 50 | 4.57 | 2.631 | 36 | 7.80 | 4.250 | 14 |
| 13 | 0.10 | 0.056 | 50 | 0.55 | 0.358 | 50 | 2.26 | 0.912 | 50 | 6.76 | 2.274 | 50 | 11.70 | 4.311 | 27 |
| 14 | 0.07 | 0.042 | 50 | 0.65 | 0.287 | 50 | 1.94 | 1.061 | 50 | 5.82 | 2.458 | 50 | 9.53 | 4.37 | 26 |
| 15 | 0.13 | 0.087 | 50 | 0.71 | 0.325 | 50 | 2.27 | 1.085 | 50 | 4.58 | 1.671 | 50 | 6.68 | 2.963 | 47 |
| 16 | 0.13 | 0.075 | 50 | 0.63 | 0.296 | 50 | 2.22 | 0.965 | 50 | 4.76 | 1.808 | 50 | 7.98 | 2.618 | 34 |
| 17 | 0.10 | 0.069 | 50 | 0.58 | 0.262 | 50 | 2.02 | 1.275 | 50 | 4.17 | 2.030 | 50 | 7.60 | 2.176 | 30 |
| 18 | 0.14 | 0.151 | 50 | 0.80 | 0.589 | 50 | 2.12 | 0.841 | 50 | 4.67 | 2.344 | 50 | 6.41 | 2.814 | 31 |
| 19 | 0.14 | 0.069 | 50 | 0.80 | 0.292 | 50 | 2.63 | 0.968 | 50 | 6.62 | 3.065 | 50 | 7.01 | 4.475 | 24 |
| 20 | 0.13 | 0.057 | 50 | 0.77 | 0.397 | 50 | 2.57 | 1.475 | 50 | 6.26 | 3.545 | 50 | 8.32 | 3.307 | 30 |

ตารางผนวกที่ 4 (ต่อ) น้ำหนักเฉลี่ยของกุ้งกุลาดำชุดที่ 1 จำแนกตามครอบครัวที่อายุต่าง ๆ

| Fs | อายุ 60 วัน | | | อายุ 90 วัน | | | อายุ 120 วัน | | | อายุ 150 วัน | | | อายุ 200 วัน | | |
|----|-------------|-------|-----|-------------|-------|-----|--------------|-------|-----|--------------|-------|-----|--------------|-------|-----|
| | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) |
| 21 | 0.11 | 0.066 | 50 | 0.82 | 0.374 | 50 | 2.44 | 1.160 | 50 | 6.48 | 2.599 | 50 | 10.81 | 4.045 | 23 |
| 22 | 0.12 | 0.108 | 50 | 0.93 | 0.565 | 50 | 2.39 | 1.147 | 50 | 5.00 | 1.813 | 50 | 6.37 | 2.759 | 49 |
| 23 | 0.25 | 0.233 | 50 | 1.14 | 0.770 | 50 | 2.94 | 1.516 | 50 | 5.33 | 2.710 | 50 | 8.64 | 3.421 | 32 |
| 24 | 0.13 | 0.119 | 50 | 0.69 | 0.438 | 50 | 1.63 | 1.042 | 50 | 4.35 | 2.711 | 50 | 7.26 | 3.840 | 32 |
| 25 | 0.17 | 0.074 | 50 | 0.68 | 0.283 | 50 | 2.16 | 0.894 | 50 | 5.63 | 1.901 | 50 | 8.51 | 2.962 | 47 |
| 26 | 0.17 | 0.095 | 50 | 0.81 | 0.394 | 50 | 1.69 | 0.851 | 50 | 5.02 | 2.635 | 50 | 9.38 | 4.400 | 22 |
| 27 | 0.19 | 0.118 | 50 | 0.71 | 0.310 | 50 | 2.46 | 0.876 | 50 | 5.95 | 1.944 | 50 | 9.05 | 2.100 | 23 |
| 28 | 0.13 | 0.061 | 50 | 0.56 | 0.268 | 50 | 1.81 | 0.805 | 50 | 4.43 | 2.420 | 50 | 10.91 | 4.035 | 14 |
| 29 | 0.11 | 0.072 | 50 | 0.78 | 0.330 | 50 | 2.11 | 0.987 | 50 | 4.48 | 3.421 | 50 | 9.51 | 3.201 | 48 |
| 30 | 0.10 | 0.069 | 50 | 0.68 | 0.482 | 50 | 1.97 | 1.089 | 50 | 4.80 | 2.013 | 50 | 10.96 | 3.682 | 10 |
| 31 | 0.14 | 0.074 | 50 | 0.64 | 0.279 | 50 | 1.82 | 0.773 | 50 | 5.16 | 2.617 | 50 | 9.36 | 3.892 | 47 |
| 32 | 0.11 | 0.067 | 50 | 0.90 | 0.483 | 50 | 2.32 | 0.974 | 50 | 6.71 | 2.664 | 50 | 10.16 | 3.716 | 30 |
| 33 | 0.09 | 0.074 | 50 | 0.87 | 0.452 | 50 | 2.09 | 1.274 | 50 | 6.37 | 4.148 | 50 | 9.54 | 4.705 | 10 |
| 34 | 0.13 | 0.070 | 50 | 0.79 | 0.383 | 50 | 2.74 | 1.032 | 50 | 6.47 | 2.418 | 50 | 10.27 | 3.77 | 29 |
| 35 | 0.19 | 0.098 | 50 | 0.90 | 0.527 | 50 | 2.56 | 1.335 | 50 | 5.60 | 3.045 | 50 | 6.69 | 3.176 | 11 |
| 36 | 0.09 | 0.062 | 50 | 0.67 | 0.353 | 50 | 1.92 | 0.856 | 50 | 4.67 | 2.226 | 50 | 8.62 | 3.659 | 16 |
| 37 | 0.11 | 0.076 | 50 | 0.72 | 0.468 | 50 | 1.88 | 1.264 | 50 | 4.82 | 3.896 | 50 | 9.31 | 4.078 | 7 |
| 38 | 0.09 | 0.056 | 50 | 0.65 | 0.297 | 50 | 2.30 | 0.842 | 50 | 5.80 | 1.982 | 50 | 10.52 | 3.215 | 31 |
| 39 | 0.20 | 0.113 | 50 | 0.66 | 0.301 | 50 | 1.82 | 1.458 | 50 | 4.09 | 1.978 | 50 | 9.54 | 4.695 | 25 |
| 40 | 0.09 | 0.072 | 50 | 0.71 | 0.504 | 50 | 2.43 | 1.558 | 50 | 4.13 | 2.261 | 50 | 4.50 | 1.960 | 61 |

ตารางผนวกที่ 5 อัตราการเติบโตเฉลี่ยต่อวันของความยาว (เซนติเมตรต่อวัน) และน้ำหนัก (กรัมต่อวัน) ของกุ้งกุลาดำชุดที่ 1

| fs | ความยาว | | | | | น้ำหนัก | | | |
|----|-------------------------------------|-------|--------|---------|---------|-------------------------------|--------|---------|---------|
| | การเติบโตโดยเฉลี่ยที่ช่วงอายุ (วัน) | | | | | การเติบโตโดยเฉลี่ยที่ช่วงอายุ | | | |
| | 30-60 | 60-90 | 90-120 | 120-150 | 150-200 | 60-90 | 90-120 | 120-150 | 150-200 |
| 1 | 0.067 | 0.074 | 0.057 | 0.079 | 0.001 | 0.031 | 0.074 | 0.104 | 0.025 |
| 2 | 0.043 | 0.072 | 0.036 | 0.069 | 0.038 | 0.022 | 0.039 | 0.101 | 0.072 |
| 3 | 0.072 | 0.064 | 0.054 | 0.048 | 0.042 | 0.020 | 0.059 | 0.094 | 0.042 |
| 4 | 0.069 | 0.068 | 0.073 | 0.070 | 0.035 | 0.025 | 0.083 | 0.032 | 0.128 |
| 5 | 0.068 | 0.068 | 0.055 | 0.060 | 0.046 | 0.021 | 0.055 | 0.107 | 0.063 |
| 6 | 0.053 | 0.077 | 0.048 | 0.064 | 0.034 | 0.031 | 0.063 | 0.065 | 0.114 |
| 7 | 0.045 | 0.064 | 0.052 | 0.073 | 0.028 | 0.017 | 0.047 | 0.131 | 0.039 |
| 8 | 0.043 | 0.067 | 0.056 | 0.054 | 0.034 | 0.019 | 0.049 | 0.075 | 0.078 |
| 9 | 0.035 | 0.071 | 0.052 | 0.073 | 0.040 | 0.020 | 0.046 | 0.080 | 0.102 |
| 10 | 0.077 | 0.083 | 0.062 | 0.083 | 0.038 | 0.045 | 0.094 | 0.009 | 0.192 |
| 11 | 0.062 | 0.049 | 0.042 | 0.050 | 0.049 | 0.015 | 0.038 | 0.113 | 0.068 |
| 12 | 0.064 | 0.042 | 0.057 | 0.061 | 0.033 | 0.012 | 0.046 | 0.160 | 0.022 |
| 13 | 0.041 | 0.056 | 0.070 | 0.091 | 0.036 | 0.015 | 0.057 | 0.137 | 0.107 |
| 14 | 0.051 | 0.080 | 0.045 | 0.086 | 0.031 | 0.019 | 0.043 | 0.151 | 0.061 |
| 15 | 0.061 | 0.070 | 0.054 | 0.056 | 0.029 | 0.019 | 0.052 | 0.111 | 0.022 |
| 16 | 0.050 | 0.059 | 0.060 | 0.061 | 0.023 | 0.017 | 0.053 | 0.082 | 0.066 |
| 17 | 0.065 | 0.064 | 0.052 | 0.057 | 0.039 | 0.016 | 0.048 | 0.094 | 0.056 |
| 18 | 0.060 | 0.068 | 0.042 | 0.063 | 0.020 | 0.022 | 0.039 | 0.128 | 0.012 |
| 19 | 0.073 | 0.068 | 0.061 | 0.066 | 0.006 | 0.022 | 0.061 | 0.049 | 0.058 |
| 20 | 0.042 | 0.069 | 0.056 | 0.070 | 0.023 | 0.021 | 0.060 | 0.052 | 0.084 |

ตารางผนวกที่ 5 (ต่อ) อัตราการเติบโตเฉลี่ยต่อวันของความยาว (เซนติเมตรต่อวัน) และน้ำหนัก (กรัมต่อวัน) ของกุ้งกุลาดำชุดที่ 1

| fs | ความยาว | | | | | น้ำหนัก | | | |
|----|------------------------------------|-------|--------|---------|---------|------------------------------------|--------|---------|---------|
| | การเติบโตโดยเฉลี่ยในช่วงอายุ (วัน) | | | | | การเติบโตโดยเฉลี่ยในช่วงอายุ (วัน) | | | |
| | 30-60 | 60-90 | 90-120 | 120-150 | 150-200 | 60-90 | 90-120 | 120-150 | 150-200 |
| 21 | 0.060 | 0.083 | 0.050 | 0.081 | 0.033 | 0.024 | 0.054 | 0.135 | 0.087 |
| 22 | 0.067 | 0.086 | 0.045 | 0.058 | 0.020 | 0.027 | 0.049 | 0.087 | 0.027 |
| 23 | 0.068 | 0.075 | 0.048 | 0.046 | 0.035 | 0.030 | 0.060 | 0.080 | 0.066 |
| 24 | 0.056 | 0.067 | 0.034 | 0.068 | 0.034 | 0.019 | 0.031 | 0.091 | 0.058 |
| 25 | 0.065 | 0.058 | 0.051 | 0.080 | 0.025 | 0.017 | 0.049 | 0.116 | 0.058 |
| 26 | 0.080 | 0.065 | 0.025 | 0.083 | 0.036 | 0.021 | 0.029 | 0.111 | 0.087 |
| 27 | 0.067 | 0.057 | 0.061 | 0.072 | 0.029 | 0.017 | 0.059 | 0.116 | 0.062 |
| 28 | 0.047 | 0.056 | 0.049 | 0.063 | 0.060 | 0.014 | 0.042 | 0.087 | 0.130 |
| 29 | 0.063 | 0.081 | 0.042 | 0.049 | 0.052 | 0.022 | 0.044 | 0.079 | 0.101 |
| 30 | 0.048 | 0.071 | 0.049 | 0.068 | 0.052 | 0.019 | 0.043 | 0.094 | 0.123 |
| 31 | 0.062 | 0.062 | 0.045 | 0.071 | 0.038 | 0.017 | 0.039 | 0.111 | 0.084 |
| 32 | 0.070 | 0.082 | 0.046 | 0.083 | 0.033 | 0.026 | 0.047 | 0.146 | 0.069 |
| 33 | 0.060 | 0.088 | 0.037 | 0.080 | 0.032 | 0.026 | 0.041 | 0.143 | 0.063 |
| 34 | 0.065 | 0.074 | 0.062 | 0.069 | 0.030 | 0.022 | 0.065 | 0.124 | 0.076 |
| 35 | 0.074 | 0.070 | 0.047 | 0.060 | 0.018 | 0.024 | 0.055 | 0.101 | 0.022 |
| 36 | 0.060 | 0.076 | 0.047 | 0.064 | 0.037 | 0.019 | 0.042 | 0.092 | 0.079 |
| 37 | 0.050 | 0.076 | 0.038 | 0.067 | 0.050 | 0.020 | 0.038 | 0.098 | 0.090 |
| 38 | 0.042 | 0.078 | 0.059 | 0.074 | 0.042 | 0.019 | 0.055 | 0.117 | 0.094 |
| 39 | 0.069 | 0.053 | 0.036 | 0.062 | 0.050 | 0.015 | 0.038 | 0.076 | 0.109 |
| 40 | 0.059 | 0.079 | 0.059 | 0.031 | 0.013 | 0.021 | 0.057 | 0.057 | 0.007 |

ตารางผนวกที่ 6 ค่าเฉลี่ยและส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐานของความยาว(เซนติเมตร)และน้ำหนักตัว (กรัม) ของกิ้งกูดำชุดที่ 2 โดยแยกแต่ละครอบครัว

| fs | ความยาว | | | | | | น้ำหนัก | | |
|----|-------------|-------|-----|--------------|-------|-----|--------------|-------|-----|
| | อายุ 45 วัน | | | อายุ 145 วัน | | | อายุ 145 วัน | | |
| | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) |
| 1 | 1.14 | 0.163 | 50 | 4.94 | 1.757 | 50 | 1.39 | 2.463 | 50 |
| 2 | 1.10 | 0.156 | 50 | 4.39 | 1.643 | 50 | 1.11 | 1.674 | 50 |
| 3 | 1.07 | 0.165 | 50 | 5.43 | 2.883 | 50 | 2.05 | 3.050 | 50 |
| 4 | 1.05 | 0.154 | 50 | 4.15 | 2.053 | 51 | 1.08 | 2.483 | 51 |
| 5 | 1.11 | 0.173 | 50 | 5.05 | 2.464 | 50 | 1.80 | 2.654 | 50 |
| 6 | 1.08 | 0.152 | 50 | 4.78 | 1.583 | 50 | 1.14 | 1.780 | 50 |
| 7 | 1.27 | 0.167 | 50 | 3.73 | 1.105 | 50 | 0.50 | 1.039 | 50 |
| 8 | 1.32 | 0.170 | 50 | 4.88 | 1.591 | 50 | 1.37 | 2.035 | 50 |
| 9 | 1.15 | 0.175 | 50 | 4.85 | 1.544 | 50 | 1.22 | 1.888 | 50 |
| 10 | 1.17 | 0.165 | 50 | 5.73 | 2.292 | 51 | 2.18 | 2.578 | 51 |
| 11 | 1.19 | 0.137 | 50 | 3.99 | 1.208 | 50 | 0.72 | 1.381 | 50 |
| 12 | 1.24 | 0.147 | 50 | 4.09 | 1.563 | 50 | 0.52 | 0.528 | 50 |
| 13 | 1.24 | 0.160 | 50 | 4.59 | 1.746 | 50 | 1.12 | 1.751 | 50 |
| 14 | 1.18 | 0.150 | 50 | 3.74 | 1.282 | 50 | 0.91 | 2.416 | 50 |
| 15 | 1.13 | 0.161 | 50 | 3.72 | 1.119 | 50 | 0.45 | 0.904 | 50 |
| 16 | 1.22 | 0.145 | 50 | 4.32 | 1.124 | 50 | 0.78 | 0.767 | 50 |
| 17 | 1.17 | 0.143 | 50 | 4.79 | 1.774 | 50 | 1.25 | 2.498 | 50 |
| 18 | 1.21 | 0.142 | 50 | 4.17 | 1.576 | 50 | 0.83 | 1.439 | 50 |
| 19 | 1.21 | 0.145 | 50 | 3.75 | 1.162 | 50 | 0.57 | 0.958 | 50 |
| 20 | 1.21 | 0.139 | 50 | 5.01 | 2.041 | 50 | 1.50 | 2.188 | 50 |
| 21 | 1.20 | 0.154 | 50 | 5.65 | 0.941 | 50 | 1.44 | 0.816 | 50 |
| 22 | 1.37 | 0.190 | 50 | 4.34 | 1.021 | 50 | 0.70 | 0.796 | 50 |
| 23 | 1.23 | 0.140 | 50 | 4.67 | 0.758 | 50 | 0.77 | 0.734 | 50 |
| 24 | 1.19 | 0.147 | 50 | 4.58 | 1.683 | 50 | 1.05 | 1.902 | 50 |
| 25 | 1.21 | 0.159 | 50 | 4.47 | 0.678 | 50 | 0.61 | 0.263 | 50 |
| 26 | 1.18 | 0.128 | 50 | 5.26 | 1.842 | 50 | 1.52 | 2.079 | 50 |
| 27 | 1.18 | 0.168 | 50 | 4.75 | 1.059 | 50 | 0.89 | 0.865 | 50 |
| 28 | 1.24 | 0.203 | 50 | 4.94 | 1.846 | 50 | 1.39 | 2.099 | 50 |
| 29 | 1.23 | 0.171 | 50 | 5.63 | 1.021 | 50 | 1.46 | 0.964 | 50 |
| 30 | 1.25 | 0.173 | 50 | 4.54 | 0.979 | 50 | 0.76 | 0.780 | 50 |

ตารางผนวกที่ 7 ค่าเฉลี่ยและส่วนเบี่ยงเบนมาตรฐานของความยาวกึ่งกุดาตัดที่ 3 ที่อายุ 40,80 และ 150 วัน ที่เลี้ยงในถัง (P) และในกระชัง (I) โดยแยกแต่ละครอบครัว

| Fs | อายุ 40 วัน | | | อายุ 80 วัน | | | อายุ 150 วัน (P) | | | อายุ 150 วัน (I) | | |
|----|-------------|-------|-----|-------------|-------|-----|------------------|-------|-----|------------------|-------|-----|
| | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) | mean | S.D. | (n) |
| 1 | 1.13 | 0.173 | 50 | 3.61 | 0.648 | 30 | 5.17 | 0.962 | 30 | 6.61 | 1.081 | 17 |
| 2 | 1.09 | 0.150 | 50 | 4.06 | 0.891 | 30 | 5.39 | 0.859 | 30 | 6.44 | 0.840 | 22 |
| 3 | 1.07 | 0.163 | 50 | 4.17 | 0.709 | 30 | 5.34 | 0.873 | 30 | 6.72 | 0.981 | 20 |
| 4 | 1.05 | 0.157 | 50 | 4.15 | 0.521 | 30 | 5.01 | 0.697 | 30 | 6.6 | 0.915 | 23 |
| 5 | 1.12 | 0.168 | 50 | 4.07 | 0.701 | 30 | 5.03 | 0.604 | 30 | 6.55 | 0.812 | 23 |
| 6 | 1.74 | 0.160 | 50 | 4.09 | 0.658 | 30 | 5.32 | 1.01 | 30 | 7.14 | 0.895 | 21 |
| 7 | 1.09 | 0.154 | 50 | 4.17 | 0.679 | 30 | 5.12 | 0.942 | 30 | 6.63 | 0.868 | 24 |
| 8 | 1.26 | 0.164 | 50 | 3.89 | 0.705 | 30 | 5.10 | 0.567 | 30 | 6.53 | 0.987 | 22 |
| 9 | 1.18 | 0.170 | 50 | 4.06 | 0.646 | 30 | 5.55 | 0.722 | 30 | 6.38 | 0.801 | 20 |
| 10 | 1.31 | 0.169 | 50 | 3.90 | 0.701 | 30 | 5.72 | 0.914 | 30 | 6.21 | 0.704 | 23 |
| 11 | 1.16 | 0.168 | 50 | 4.00 | 0.609 | 30 | 4.67 | 0.672 | 30 | 6.73 | 0.950 | 24 |
| 12 | 1.17 | 0.164 | 50 | 4.04 | 0.654 | 30 | 4.85 | 0.778 | 30 | 6.57 | 0.850 | 21 |
| 13 | 1.19 | 0.139 | 50 | 4.06 | 0.57 | 30 | 4.80 | 0.507 | 30 | 6.5 | 0.863 | 19 |
| 14 | 1.22 | 0.157 | 50 | 3.94 | 0.629 | 30 | 5.11 | 0.608 | 30 | 6.88 | 0.988 | 25 |

ตารางผนวกที่ 8 อัตราการเติบโตเฉลี่ยต่อวันของความยาว (เซนติเมตรต่อวัน) ของกุ้งกุลาดำ
ชุดที่ 3

| fs | การเติบโตโดยเฉลี่ยที่ช่วงอายุ | | |
|----|-------------------------------|--------------------------|-----------------------------|
| | 40-80 วัน | 80-150 วัน (เลี้ยงในถัง) | 80-150 วัน (เลี้ยงในกระชัง) |
| 1 | 0.062 | 0.022 | 0.043 |
| 2 | 0.074 | 0.019 | 0.034 |
| 3 | 0.078 | 0.017 | 0.036 |
| 4 | 0.078 | 0.012 | 0.035 |
| 5 | 0.074 | 0.014 | 0.035 |
| 6 | 0.059 | 0.018 | 0.044 |
| 7 | 0.077 | 0.014 | 0.035 |
| 8 | 0.066 | 0.017 | 0.038 |
| 9 | 0.072 | 0.021 | 0.033 |
| 10 | 0.065 | 0.026 | 0.033 |
| 11 | 0.071 | 0.010 | 0.039 |
| 12 | 0.072 | 0.012 | 0.036 |
| 13 | 0.072 | 0.011 | 0.035 |
| 14 | 0.068 | 0.017 | 0.042 |

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ภาคผนวก ค การวิเคราะห์ความแปรปรวนของการเติบโตของกึ่งกุลาดำ

การวิเคราะห์ข้อมูลในพี่น้องร่วมพ่อแม่เดียวกัน (full-sib analysis) จากการประเมินค่าความแปรปรวน (estimation of variance components) ของลักษณะที่ศึกษา โดยมีแผนการผสมแบบคู่ผสมเดียว (single pair matings)

กึ่งกุลาดำชุดที่ 1 จากแผนผังการเลี้ยงและการเก็บข้อมูลกึ่งกุลาดำ (ดังรูปที่ 12) สามารถเขียนแบบหุ่นจำลองทางคณิตศาสตร์ได้ดังนี้

$$Y_{ijk} = \mu + \alpha_i + \beta_{i(j)} + \epsilon_{ijk}$$

เมื่อ

Y_{ijk} = ค่าสังเกตของลูกที่ k ซึ่งเกิดจากครอบครัวที่ j ที่ช่วงเวลา i

μ = ค่าเฉลี่ยของค่าสังเกตทั้งหมด

α_i = อิทธิพลของช่วงที่ i

$\beta_{i(j)}$ = อิทธิพลของครอบครัวที่ j ในช่วงเวลาที่ i

ϵ_{ijk} = อิทธิพลสุ่มที่ค่าสังเกตทุกค่าได้รับ

การวิเคราะห์ความแปรปรวนในกึ่งชุดที่ 1 แสดงในตารางผนวกที่ 1

ตารางผนวกที่ 9 การวิเคราะห์ความแปรปรวนและองค์ประกอบความแปรปรวนในการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมของกึ่งชุดที่ 1

| Sov | df | SS | MS | Comp. |
|-----------------|----------|-----------|-----------|---|
| เวลา | $t - 1$ | SS_t | MS_t | $\sigma_w^2 + k_2\sigma_{fs}^2 + k_3\sigma_t^2$ |
| ครอบครัว | $fs - t$ | SS_{fs} | MS_{fs} | $\sigma_w^2 + k_1\sigma_{fs}^2$ |
| ความคลาดเคลื่อน | $n - fs$ | SS_w | MS_w | σ_w^2 |

เมื่อ

t = จำนวนช่วงเวลาทั้งหมด

fs = จำนวนครอบครัวทั้งหมด

n = จำนวนลูกทั้งหมด

MS_t = ค่าเฉลี่ยผลรวมกำลังสองของค่าเบี่ยงเบนจากค่าเฉลี่ยของเวลา

MS_{fs} = ค่าเฉลี่ยผลรวมกำลังสองของค่าเบี่ยงเบนจากค่าเฉลี่ยครอบครัว

MS_w = ค่าเฉลี่ยผลรวมกำลังสองของค่าเบี่ยงเบนจากค่าเฉลี่ยลูก

σ_w^2 = ความแปรปรวนเนื่องจากลูก

σ_{fs}^2 = ความแปรปรวนเนื่องจากครอบครัว

σ_t^2 = ความแปรปรวนเนื่องจากเวลา

k_1 = สัมประสิทธิ์ของความแปรปรวนของครอบครัวเนื่องจากปัจจัยของครอบครัว

k_2 = สัมประสิทธิ์ของความแปรปรวนของครอบครัวเนื่องจากปัจจัยของเวลา

k_3 = สัมประสิทธิ์ของความแปรปรวนของครอบครัวเนื่องจากปัจจัยของลูก

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

จากตารางผนวกที่ 9 สามารถหาค่าองค์ประกอบความแปรปรวนต่าง ๆ ซึ่งค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวนคำนวณได้ดังนี้ (ดัดแปลงจาก Sokal and Rohlf, 1969)

$$\sum^t \sum^{fs} n_{ij} = a$$

$$\sum^t \sum^{fs} n_{ij}^2 = b$$

$$\sum^t \left[\sum^{fs} n_{ij} \right]^2 = c$$

$$\sum^t \left[\sum^{fs} n_{ij}^2 / \sum^{fs} n_{ij} \right] = d$$

ดังนั้น

$$k_1 = (a - d)/(fs - t)$$

$$k_2 = [d - (b/a)]/(t-1)$$

$$k_3 = (a - d)/(t - 1)$$

องค์ประกอบความแปรปรวนต่าง ๆ คำนวณจากตาราง ANOVA ได้ดังนี้

$$\sigma_w^2 = MS_w$$

$$\sigma_{fs}^2 = (MS_{fs} - \sigma_w^2) / k_1$$

$$\sigma_t^2 = (MS_{fs} - \sigma_w^2 - k_2 \sigma_{fs}^2) / k_3$$

$$\sigma_T^2 = \sigma_w^2 + \sigma_{fs}^2 + \sigma_t^2$$

กึ่งกลางค่าชุดที่ 2 จากแผนผังการเลี้ยงและการเก็บข้อมูลกึ่งกลางค่า (ดังรูปที่ 14) สามารถเขียนแบบหุ่นจำลองทางคณิตศาสตร์ได้ดังนี้

$$Y_{ij} = \mu + \alpha_i + \varepsilon_{ij}$$

เมื่อ

Y_{ij} = ค่าสังเกตของลูกที่ j ซึ่งเกิดจากครอบครัวที่ i

μ = ค่าเฉลี่ยของค่าสังเกตทั้งหมด

α_i = อิทธิพลของครอบครัวที่ i

ε_{ij} = อิทธิพลสุ่มที่ค่าสังเกตทุกค่าได้รับ

การวิเคราะห์ความแปรปรวนในกึ่งชุดที่ 2 แสดงในตารางผนวกที่ 10

ตารางผนวกที่ 10 การวิเคราะห์ความแปรปรวนและองค์ประกอบความแปรปรวนในการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมของกึ่งกลางค่าชุดที่ 2

| Sov | df | SS | MS | Comp. |
|-----------------|----------|-----------|-----------|-------------------------------|
| ครอบครัว | $fs - t$ | SS_{fs} | MS_{fs} | $\sigma_w^2 + k\sigma_{fs}^2$ |
| ความคลาดเคลื่อน | $n - fs$ | SS_w | MS_w | σ_w^2 |

เมื่อ

fs = จำนวนครอบครัวทั้งหมด

n = จำนวนลูกทั้งหมด

MS_{fs} = ค่าเฉลี่ยผลรวมกำลังสองของค่าเบี่ยงเบนจากค่าเฉลี่ยครอบครัว

MS_w = ค่าเฉลี่ยผลรวมกำลังสองของค่าเบี่ยงเบนจากค่าเฉลี่ยลูก

σ_w^2 = ความแปรปรวนเนื่องจากลูก

σ_{fs}^2 = ความแปรปรวนเนื่องจากครอบครัว

k = สัมประสิทธิ์ของความแปรปรวนของครอบครัวเนื่องจากปัจจัยของครอบครัว

จากตารางผนวกที่ 8 สามารถหาองค์ประกอบความแปรปรวนต่าง ๆ ซึ่งค่าสัมประสิทธิ์ความแปร

ปรวนคำนวณได้ดังนี้ (ดัดแปลงจาก Sokal and Rohlf, 1969)

$$\sum^{fs} n_{ij} = a$$

$$\sum^{fs} n_{ij}^2 / \sum^{fs} n_{ij} = b$$

ดังนั้น

$$k = (a - b) / (fs - 1)$$

องค์ประกอบความแปรปรวนต่าง ๆ คำนวณจากตาราง ANOVA ได้ดังนี้

$$\sigma_w^2 = MS_w$$

$$\sigma_{fs}^2 = (MS_{fs} - \sigma_w^2) / k$$

$$\sigma_T^2 = \sigma_w^2 + \sigma_{fs}^2$$

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

กึ่งกลางค่าชุดที่ 3 จากแผนผังการเลี้ยงและการเก็บข้อมูลกึ่ง (ดังรูป 16) สามารถเขียนแบบหุ่่นจำลองทางคณิตศาสตร์ได้ดังนี้

$$Y_{ij} = \mu + \alpha_i + \varepsilon_{ij}$$

เมื่อ

Y_{ij} = ค่าสังเกตของลูกที่ j ซึ่งเกิดจากครอบครัวที่ i

μ = ค่าเฉลี่ยของค่าสังเกตทั้งหมด

α_i = อิทธิพลของครอบครัวที่ i

ε_{ij} = อิทธิพลสุ่มที่ค่าสังเกตทุกค่าได้รับ

การวิเคราะห์ความแปรปรวนในกึ่งชุดที่ 3 แสดงในตารางผนวกที่ 9

ตารางผนวกที่ 11 การวิเคราะห์ความแปรปรวนและองค์ประกอบความแปรปรวนในการประมาณค่าอัตราพันธุกรรมของกึ่งชุดที่ 3

| Sov | df | SS | MS | Comp. |
|-----------------|----------|-----------|-----------|-------------------------------|
| ครอบครัว | $fs - t$ | SS_{fs} | MS_{fs} | $\sigma_w^2 + k\sigma_{fs}^2$ |
| ความคลาดเคลื่อน | $n - fs$ | SS_w | MS_w | σ_w^2 |

เมื่อ

fs = จำนวนครอบครัวทั้งหมด

n = จำนวนลูกทั้งหมด

MS_{fs} = ค่าเฉลี่ยผลรวมกำลังสองของค่าเบี่ยงเบนจากค่าเฉลี่ยครอบครัว

MS_w = ค่าเฉลี่ยผลรวมกำลังสองของค่าเบี่ยงเบนจากค่าเฉลี่ยลูก

σ_w^2 = ความแปรปรวนเนื่องจากลูก

σ_{fs}^2 = ความแปรปรวนเนื่องจากครอบครัว

k = สัมประสิทธิ์ของความแปรปรวนของครอบครัวเนื่องจากปัจจัยของครอบครัว

จากตารางผนวกที่ 11 สามารถหาค่าองค์ประกอบความแปรปรวนต่าง ๆ ซึ่งค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวนคำนวณได้ดังนี้ (ดัดแปลงจาก Sokal and Rohlf, 1969)

$$\sum^{fs} n_{ij} = a$$

$$\sum^{fs} n_{ij}^2 / \sum^{fs} n_{ij} = b$$

ดังนั้น

$$k = (a - b) / (fs - 1)$$

องค์ประกอบความแปรปรวนต่าง ๆ คำนวณจากตาราง ANOVA ได้ดังนี้

$$\sigma_w^2 = MS_w$$

$$\sigma_{fs}^2 = (MS_{fs} - \sigma_w^2) / k$$

$$\sigma_T^2 = \sigma_w^2 + \sigma_{fs}^2$$

สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย

ภาคผนวก ง องค์ประกอบความแปรปรวนของการเติบโตของกิ้งกูดดำ

ตารางผนวกที่ 12 การวิเคราะห์ความแปรปรวน, องค์ประกอบความแปรปรวนและค่าสัดส่วน
เป็นเปอร์เซ็นต์ของความแปรปรวนของกิ้งกูดดำชุดที่ 1 ที่อายุต่างๆ

| Source of Variation | Df | Mean square | F-Ratio | | Variance component | % Variance com. |
|--------------------------|------|-------------|---------|----|-------------------------|-----------------|
| 30 days: (body length) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 66.613 | 43.115 | ** | $\sigma_t^2 = 0.094$ | 4.13 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 33.328 | 21.572 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.636$ | 27.96 |
| Within progenies | 1960 | 1.545 | | | $\sigma_w^2 = 1.545$ | 67.91 |
| 60 days: (body length) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 13.007 | 42.927 | ** | $\sigma_t^2 = 0.014$ | 3.58 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 3.998 | 13.195 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.074$ | 18.93 |
| Within progenies | 1960 | 0.303 | | | $\sigma_w^2 = 0.303$ | 77.49 |
| 60 days: (body weight) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 0.257 | 28.556 | ** | $\sigma_t^2 = 0$ | 0.00 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 0.128 | 14.222 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.002$ | 18.18 |
| Within progenies | 1960 | 0.009 | | | $\sigma_w^2 = 0.009$ | 81.82 |
| 90 days: (body length) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 18.061 | 25.728 | ** | $\sigma_t^2 = 0.019$ | 2.30 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 5.903 | 8.409 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.104$ | 12.61 |
| Within progenies | 1960 | 0.702 | | | $\sigma_w^2 = 0.702$ | 85.09 |
| 90 days: (body weight) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 6.975 | 37.299 | ** | $\sigma_t^2 = 0.008$ | 3.46 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 1.963 | 10.497 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.036$ | 15.58 |
| Within progenies | 1960 | 0.187 | | | $\sigma_w^2 = 0.187$ | 80.95 |

ตารางผนวกที่ 12 (ต่อ) การวิเคราะห์ความแปรปรวน, องค์ประกอบความแปรปรวนและค่าสัดส่วน

ส่วนเป็นเปอร์เซ็นต์ของความแปรปรวนของกุ้งกุลาดำชุดที่ 1 ที่อายุต่าง ๆ

| Source of Variation | Df | Mean square | F-Ratio | | Variance component | % Variance com. |
|--------------------------|------|-------------|---------|----|-------------------------|-----------------|
| 120 days: (body length) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 42.426 | 36.701 | ** | $\sigma_t^2 = 0.051$ | 3.74 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 9.025 | 7.807 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.157$ | 11.51 |
| Within progenies | 1960 | 1.156 | | | $\sigma_W^2 = 1.156$ | 84.75 |
| 120 days: (body weight) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 64.68 | 44.332 | ** | $\sigma_t^2 = 0.08$ | 4.55 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 12.43 | 8.520 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.219$ | 12.46 |
| Within progenies | 1960 | 1.459 | | | $\sigma_W^2 = 1.459$ | 82.99 |
| 150 days: (body length) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 27.674 | 15.941 | ** | $\sigma_t^2 = 0.024$ | 1.20 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 12.942 | 7.455 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.244$ | 12.18 |
| Within progenies | 1805 | 1.736 | | | $\sigma_W^2 = 1.736$ | 86.63 |
| 150 days: (body weight) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 73.483 | 11.197 | ** | $\sigma_t^2 = 0.041$ | 0.55 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 47.607 | 7.254 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.892$ | 11.90 |
| Within progenies | 1805 | 6.563 | | | $\sigma_W^2 = 6.563$ | 87.55 |
| 200 days: (body length) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 22.018 | 11.771 | ** | $\sigma_t^2 = 0.020$ | 80.92 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 12.937 | 6.916 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.421$ | 18.20 |
| Within progenies | 1805 | 1.871 | | | $\sigma_W^2 = 1.871$ | 0.88 |
| 200 days: (body weight) | | | | | | |
| Rearing time | 2 | 105.056 | 8.865 | ** | $\sigma_t^2 = 0.044$ | 82.40 |
| Between full-sibs (Time) | 37 | 77.297 | 6.522 | ** | $\sigma_{FS}^2 = 2.487$ | 17.30 |
| Within progenies | 1805 | 11.851 | | | $\sigma_W^2 = 11.851$ | 0.30 |

**singnificant at p-value < 0.01

ที่อายุ 30 60 90 และ 120 วัน ค่า $k_1 = 50, k_2 = 50, k_3 = 656.25$

ที่อายุ 150 วัน ค่า $k_1 = 46, k_2 = 47.66, k_3 = 600.38$

ที่อายุ 200 วัน ค่า $k_1 = 26.313, k_2 = 31.544, k_3 = 337.83$

ตารางผนวกที่ 13 การวิเคราะห์ความแปรปรวน, องค์ประกอบความแปรปรวนและค่าสัดส่วน
เป็นเปอร์เซ็นต์ของความแปรปรวนของกึ่งกุลาดำชุดที่ 2 ที่อายุต่าง ๆ

| Source | df | Mean square | F-Ratio | Variance component | % Var com. |
|-------------------------|------|-------------|----------|-------------------------|------------|
| 45 days: (body length) | | | | | |
| Between full-sibs | 29 | 0.244 | 9.657 ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.004$ | 14.86 |
| Within progenies | 1470 | 0.025 | | $\sigma_W^2 = 0.025$ | 85.14 |
| 145 days: (body length) | | | | | |
| Between full-sibs | 29 | 16.622 | 6.531 ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.281$ | 9.94 |
| Within progenies | 1472 | 2.545 | | $\sigma_W^2 = 2.545$ | 90.06 |
| 145 days: (body weight) | | | | | |
| Between full-sibs | 29 | 10.161 | 3.272 ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.141$ | 4.34 |
| Within progenies | 1472 | 3.105 | | $\sigma_W^2 = 3.105$ | 95.66 |

** significant at p-value < 0.01

ที่อายุ 45 วัน ค่า k = 50

ที่อายุ 145 วัน ค่า k = 50.03

ตารางภาคผนวกที่ 14 การวิเคราะห์ความแปรปรวน,องค์ประกอบความแปรปรวนและค่าสัดส่วน
เป็นเปอร์เซ็นต์ของความแปรปรวนของกิ้งกูดำชุดที่ 3 ที่อายุต่าง ๆ

| Source | df | Mean square | F-Ratio | Variance component | % Var com. |
|---|-----|-------------|-----------|-------------------------|------------|
| 40 days: (body length) | | | | | |
| Between full-sibs | 13 | 0.274 | 10.537 ** | $\sigma_{FS}^2 = 2.600$ | 16.02 |
| Within progenies | 686 | 0.026 | | $\sigma_W^2 = 0.496$ | 83.98 |
| 80 days: (body length) | | | | | |
| Between full-sibs | 13 | 0.651 | 1.448 ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.007$ | 1.47 |
| Within progenies | 406 | 0.450 | | $\sigma_W^2 = 0.450$ | 98.53 |
| 150 days: (body length) เลี้ยงในถัง | | | | | |
| Between full-sibs | 13 | 3.185 | 5.218 ** | $\sigma_{FS}^2 = 0.085$ | 12.34 |
| Within progenies | 406 | 0.610 | | $\sigma_W^2 = 0.610$ | 87.66 |
| 150 days: (body length) เลี้ยงในกระชัง | | | | | |
| Between full-sibs | 13 | 1.138 | 1.410 | $\sigma_{FS}^2 = 0.034$ | 24.31 |
| Within progenies | 290 | 0.807 | | $\sigma_W^2 = 0.107$ | 75.69 |

** significant at p-value<0.01

ที่อายุ 40 วัน ค่า k = 50

ที่อายุ 80 วัน ค่า k = 30

ที่อายุ 150 วัน (เลี้ยงในถัง) ค่า k = 30

ที่อายุ 150 วัน (เลี้ยงในกระชัง) ค่า k = 21.70

ภาคผนวก จ การคำนวณค่าอัตราพันธุกรรมและค่าความคลาดเคลื่อนมาตรฐาน

ค่าอัตราพันธุกรรมและค่าความคลาดเคลื่อนมาตรฐาน (Becker, 1992)

คำนวณได้ดังนี้

$$\text{ค่าอัตราพันธุกรรม } (h^2) = 2\sigma_{fs}^2 / \sigma_T^2$$

$$\text{ค่าความคลาดเคลื่อนมาตรฐาน(S.E.)} = \sqrt{\frac{2(n-1)(1-t)^2 [1 + (k-1)t]^2}{k^2(n-fs)(fs-1)}}$$

เมื่อ

K = สัมประสิทธิ์ของความแปรปรวนของครอบครัวเนื่องจากปัจจัยของครอบครัว

ค่า K₁ ใช้กับกิ่งชุดที่ 1

fs = จำนวนครอบครัว,

n = จำนวนตัวอย่างทั้งหมด

$$t = \sigma_{fs}^2 / \sigma_T^2$$

ภาคผนวก ฉ การประมาณค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม (r_G) ทางสภาพแวดล้อม (r_E) และทางลักษณะปรากฏ (r_P)

ตารางผนวกที่ 15 การวิเคราะห์ค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม ทางสภาพแวดล้อม และทางลักษณะปรากฏ (Becker, 1992)

| แหล่ง | d.f. | MCP | EMCP |
|-----------------------|-------|------------------|---------------------------------------|
| ระหว่างคู่ผสม | S-1 | MCP _S | cov _w + k cov _s |
| ระหว่างลูกภายในคู่ผสม | n..-S | MCP _w | cov _w |

สำหรับค่า k เป็นค่าสัมประสิทธิ์ความแปรปรวนการคำนวณเช่นเดียวกับค่าสัมประสิทธิ์ของความแปรปรวนในการประมาณค่าอัตราพันธุกรรม

ซึ่งค่าผลรวมกำลังสองของลักษณะ X และ Y สามารถคำนวณได้ดังนี้

$$SPC_s = \sum_i \frac{X_i Y_i}{n_i} - \frac{(X \cdot Y \cdot)}{n}$$

$$SPC_w = \sum_i \sum_k X_{ik} Y_{ik} - \sum_i \frac{X_i \cdot Y_i}{n_i}$$

$$MCP_s = SCP_s / (S-1)$$

$$MCP_w = SCP_w / (n-S)$$

$$cov_w = MCP_w$$

$$cov_s = (MCP_s - MCP_w) / k$$

การประมาณค่าสหสัมพันธ์ทางพันธุกรรม

$$r_G = \frac{2 cov_s}{\sqrt{2\sigma^2_{s(x)} 2\sigma^2_{s(y)}}$$

การประมาณค่าสหสัมพันธ์ทางสิ่งแวดล้อม

$$r_E = \frac{cov_w - cov_s}{\sqrt{(\sigma^2_{w(x)} - \sigma^2_{s(x)})(\sigma^2_{w(y)} - \sigma^2_{s(y)})}}$$

การประมาณค่าสหสัมพันธ์ทางลักษณะปรากฏ

$$r_P = \frac{cov_w + cov_s}{\sqrt{(\sigma^2_{w(x)} + \sigma^2_{s(x)})(\sigma^2_{w(y)} + \sigma^2_{s(y)})}}$$

ประวัติผู้เขียน

นายกำธร เลิศสำราญพันธุ์ เกิดวันที่ 11 พฤศจิกายน พ.ศ. 2517 สำเร็จการศึกษาปริญญาตรี
วิทยาศาสตร์บัณฑิต สาขาวิชาวิศวกรรม คณะวิทยาศาสตร์ มหาวิทยาลัยบูรพา ในปีการศึกษา 2539
และเข้าศึกษาต่อในหลักสูตรวิทยาศาสตรมหาบัณฑิต ที่จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย เมื่อ พ.ศ. 2540



สถาบันวิทยบริการ
จุฬาลงกรณ์มหาวิทยาลัย